

Supplementary TABLE 1. Quantitative MS-based proteomic results from the macrophage cytosolic proteomes for both biological replicates separately

Human proteins																				
Protein name	SwissProt Acc. No.	Genetrail ID	N		% Seq Cov		Pept(95%)		HSV-1				dLeu				d3-4			
			Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Fold change		P-value		Fold change		P-value		Fold change		P-value	
									Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2
10 kDa heat shock protein, mitochondrial	P61604	HSPE1	121	108	69,6	65,7	9	18	1,24	1,11	0,014	0,141	1,12	1,16	0,127	0,054	1,07	0,96	0,290	0,529
14-3-3 protein beta/alpha	P31946	YWHAB	350	145	37	52,9	13	16	1,10	0,97	0,409	0,743	1,12	0,72	0,651	0,184	1,04	0,72	0,730	0,101
14-3-3 protein epsilon	P62258	YWHAE	661	524	16,5	24,7	5	8	1,43	1,00		0,996	0,60	0,78		0,238	0,84	0,87		0,765
14-3-3 protein eta	Q04917	YWHAH	572	376	36,2	34,6	9	10	0,77				1,00				1,30			
14-3-3 protein gamma	P61981	YWHAH	135	358	38,1	35,2	13	10	1,93	1,21	0,170		1,10	0,44	0,515		1,88	1,17	0,099	
14-3-3 protein theta	P27348	YWHAQ	659	596	20,4	43,7	7	8		1,12				0,72				1,16		
14-3-3 protein zeta/delta	P63104	YWHAZ	59	36	45,3	54,7	15	19	1,48	1,33	0,004	0,019	1,22	0,95	0,265	0,570	1,08	1,10	0,315	0,416
182 kDa tankyrase-1-binding protein	Q9C0C2	TNKS1BP1		517		2,7		2		0,89		0,874		1,18		0,345		1,06		0,651
1-phosphatidylinositol 4,5-bisphosphate phosphodiesterase-1	Q00722	PLCB2		291		9,1		3		0,67		0,290		0,65		0,046		0,94		0,793
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	Q16698	DECRI	335		14,3		4		0,76		0,284		0,97		0,841		0,91		0,415	
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 11	O00231	PSMD11	375		18,7		3		1,43				1,19				0,93			
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 4	P55036	PSMD4		314		21,5		4		0,93				0,43				1,69		
28 kDa heat- and acid-stable phosphoprotein	Q13442	PDAP1		464		19,3		2		1,36				1,00				0,72		
28S ribosomal protein S36, mitochondrial	P82909	MRPS36	482	485	24,3	24,3	2	2	1,16	1,96		0,198	1,48	1,24		0,299	1,35	1,20		0,340
39S ribosomal protein L11, mitochondrial	Q9Y3B7	MRPL11	574		20,3		2		2,37				1,76				2,08			
39S ribosomal protein L12, mitochondrial	P52815	MRPL12	311	204	19,2	36,4	3	7	1,40	1,34		0,231	1,47	0,99		0,914	1,20	1,33		0,116
39S ribosomal protein L17, mitochondrial	Q9NRX2	MRPL17	566	763	9,1	4,6	2	1	0,96	0,65	0,789		0,85	1,11	0,374		0,86	0,76	0,382	
39S ribosomal protein L38, mitochondrial	Q96DV4	MRPL38	511		10		2		0,90				0,46				0,57			
39S ribosomal protein L49, mitochondrial	Q13405	MRPL49		315		25,3		3		0,90		0,795		1,45		0,237		1,06		0,649
3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase type-2	Q99714	HSD17B10	473		11,1		2		0,59				0,88				0,55			
3-hydroxyisobutyrate dehydrogenase, mitochondrial	P31937	HIBADH	439	356	9,5	25	2	3		1,16		0,638		1,27		0,248		1,34		0,298
3-ketoacyl-CoA thiolase, mitochondrial	P42765	ACAA2	115	510	20,4	7,6	8	2	1,26	1,05	0,049	0,878	1,19	1,25	0,096	0,347	1,12	0,95	0,218	0,810
40S ribosomal protein S10	P46783	RPS10		341		44,2		4		0,88		0,431		0,73		0,196		0,89		0,657
40S ribosomal protein S11	P62280	RPS11	512		18,4		2		0,56		0,167		0,75		0,248		0,83		0,321	
40S ribosomal protein S12	P25398	RPS12	435	397	17,4	24,2	2	3	0,61	0,88	0,128		0,77	1,01	0,403		1,01	0,92	0,943	
40S ribosomal protein S13	P62277	RPS13	221	194	32,5	29,8	5	5	0,53	0,75	0,003	0,149	0,63	0,99	0,011	0,970	0,76	0,85	0,025	0,130
40S ribosomal protein S14	P62263	RPS14	316	472	27,2	23,8	3	2	0,26	1,41			0,56	1,31			0,77	1,60		
40S ribosomal protein S15a	P62244	RPS15A	527		17,7		2		0,60		0,036		0,75		0,300		0,87		0,255	
40S ribosomal protein S16	P62249	RPS16	195	608	34,3	14,4	5	1	0,53	1,74	0,013		0,67	1,75	0,011		0,67	1,32	0,051	
40S ribosomal protein S17-like	P0CW22	RPS17L	403	329	21,5	35,6	2	3												
40S ribosomal protein S18	P62269	RPS18	82	471	57,2	13,8	11	3	0,50	0,78	0,006	0,597	0,62	0,78	0,004	0,480	0,78	0,75	0,021	0,212
40S ribosomal protein S19	P39019	RPS19	191	176	38,6	31,7	5	5	0,52	0,79	0,019	0,253	0,67	0,90	0,067	0,467	0,77	1,00	0,059	0,985
40S ribosomal protein S2	P15880	RPS2	297		16,4		3		0,58		0,127		0,77		0,542		0,88		0,455	
40S ribosomal protein S20	P60866	RPS20	241	248	28,6	28,6	4	4	0,48	0,79	0,109	0,286	0,56	0,83	0,340	0,356	0,78	0,82	0,258	0,289
40S ribosomal protein S21	P63220	RPS21	542	375	30,1	31,3	2	4	0,56	0,70	0,109	0,178	0,72	0,81	0,332	0,278	0,76	0,82	0,323	0,295
40S ribosomal protein S25	P62851	RPS25	294	237	29,6	24	4	5	0,45	0,65	0,015	0,146	0,50	0,73	0,121	0,193	0,66	0,91	0,093	0,510
40S ribosomal protein S26	P62854	RPS26		465		32,2		3		1,09				0,81				0,88		
40S ribosomal protein S28	P62857	RPS28	756	438	17,4	30,4	1	3		0,66		0,153		0,66		0,151		0,86		0,505
40S ribosomal protein S3	P23396	RPS3	151	632	37,9	19,3	6	1	0,68	1,59	0,097	0,133	0,81	1,34	0,253	0,242	0,74	1,09	0,035	0,542
40S ribosomal protein S3a	P61247	RPS3A	161	166	27,7	32,6	5	5	0,60	0,79	0,007	0,126	0,65	0,88	0,005	0,269	0,80	0,91	0,014	0,203
40S ribosomal protein S4, X isoform	P62701	RPS4X	163		26,6		6		0,57		0,004		0,70		0,034		0,74		0,010	
40S ribosomal protein S5	P46782	RPS5	471	424	8,8	15,7	2	3	0,61	0,64	0,126	0,512	0,62	0,69	0,148	0,205	0,70	0,64	0,170	0,142



Actin-related protein 3	P61158	ACTR3	244		12,9		5		0,64		0,137		0,71		0,064		0,86		0,225	
Activated RNA polymerase II transcriptional coactivator 1	P53999	SUB1	489	455	31,5	26	2	2	0,29	0,52	0,063		0,61	0,61	0,280		0,57	0,56	0,109	
Acyl carrier protein, mitochondrial	O14561	NDUFAB1	484	246	23,7	29,5	3	8	0,85	1,09	0,345	0,560	0,98	1,30	0,933	0,236	0,79	1,15	0,265	0,390
Acyl-CoA-binding protein	P07108	DBI	363	172	40,2	52,9	5	16	0,90	0,94		0,529	0,74	0,88		0,246	0,74	1,09		0,461
Acyl-coenzyme A thioesterase 1	Q86TX2	ACOT1	203	574	15,9	7,1	5	1	0,69	2,02	0,435		0,69	1,76	0,551		0,78	1,17	0,284	
Adenine phosphoribosyltransferase	P07741	APRT	325		17,2		3		1,06		0,743		0,82		0,378		1,03		0,858	
Adenylate kinase 2, mitochondrial	P54819	AK2	120	111	33,9	33,5	7	9	1,25	0,92	0,133	0,351	1,30	1,01	0,218	0,957	1,24	0,95	0,180	0,855
Adenylate kinase isoenzyme 4, mitochondrial	P27144	AK4	585	779	13,9	4,9	2	1		1,21				0,39				0,94		
Adenylyl cyclase-associated protein 1	Q01518	CAP1	145	87	23,8	20,6	8	9	0,90	0,69	0,299	0,022	0,78	0,98	0,060	0,777	1,00	0,90	0,991	0,203
Adipocyte plasma membrane-associated protein	Q9HDC9	APMAP	337		22,8		3		0,90				0,30				0,70			
ADP/ATP translocase 2	P05141	SLC25A5	61	442	40,6	21,8	14	6	1,24	1,04	0,079		1,02	1,48	0,905		1,01	1,03	0,937	
ADP/ATP translocase 3	P12236	SLC25A6	352	203	39,3	22,5	11	5	0,71	1,36			0,94	1,91			1,03	1,09		
ADP-ribosylation factor 3	P61204	ARF3	149		35,9		6		0,78		0,107		0,68		0,004		0,72		0,007	
ADP-ribosylation factor-like protein 8B	Q9NVJ2	ARL8B	581		14,5		2		1,25				1,19				1,30			
Adrenodoxin, mitochondrial	P10109	FDX1	367	345	19	27,2	2	5	1,13	0,82			1,23	0,95			1,07	0,80		
AFG3-like protein 2	Q9Y4W6	AFG3L2	522	283	6,4	5	2	3	1,06	1,05	0,907	0,610	1,36	1,40	0,340	0,058	1,05	0,84	0,835	0,165
AH receptor-interacting protein	O00170	AIP	449	463	11,5	13	2	2	0,64		0,233		0,82		0,301		0,95		0,828	
A-kinase anchor protein 13	Q12802	AKAP13		627		2,9		2	1,49					0,75			1,21			
Alcohol dehydrogenase [NADP(+)]	P14550	AKR1A1	318		11,4		3		0,95		0,733		1,13		0,585		1,14		0,421	
Aldehyde dehydrogenase, mitochondrial	P05091	ALDH2	198		22,2		9		1,10		0,662		1,13		0,560		1,04		0,856	
Allograft inflammatory factor 1	P55008	AIF1		198		38,1		6	0,83		0,325		0,85		0,170		0,87		0,200	
Alpha-2-macroglobulin receptor-associated protein	P30533	LRPAP1	78	26	31,9	44,8	10	20	0,82	0,98	0,051	0,722	0,88	1,13	0,256	0,010	0,87	0,98	0,054	0,678
Alpha-actinin-1	P12814	ACTN1	21	81	29,9	14	24	9	0,70	1,04	0,008	0,789	0,76	0,82	0,000	0,302	0,86	0,99	0,016	0,943
Alpha-actinin-4	O43707	ACTN4	190	441	18,9	15,4	11	7	0,79				0,71				0,83			
Alpha-enolase	P06733	ENO1	28	31	49,1	40,8	25	17	0,99	1,34	0,848	0,195	0,98	1,07	0,653	0,466	1,10	1,24	0,156	0,033
Aminoacyl tRNA synthase complex-interacting multiprotein 1	Q12904	AIMP1	525	379	4,8	13,8	2	2	1,14	0,83	0,459		0,66	0,82	0,463		1,10	0,96	0,712	
Aminopeptidase N	P15144	ANPEP	124	436	8,7	3,9	8	2	0,71		0,276		1,00		0,960		0,95		0,670	
Anion exchange protein 2	P04920	SLC4A2		428		3,6		2												
Annexin A1	P04083	ANXA1	36	39	56,4	48,8	15	18	2,33	3,40	0,000	0,000	1,93	2,32	0,000	0,000	1,54	2,02	0,019	0,000
Annexin A11	P50995	ANXA11	133	152	15,6	18,8	10	7	2,93	1,73	0,002	0,060	1,26	0,98	0,061	0,844	1,16	0,93	0,242	0,613
Annexin A2	P07355	ANXA2	13	20	65,8	60,8	31	19	2,11	2,45	0,000	0,000	1,22	1,90	0,002	0,000	1,07	1,35	0,208	0,004
Annexin A5	P08758	ANXA5	110	59	27,5	33,8	8	12	10,92	5,54	0,000	0,000	3,09	3,72	0,000	0,001	2,94	3,15	0,000	0,001
Annexin A6	P08133	ANXA6	495		11,1		3		2,74		0,090		1,51		0,150		1,16		0,553	
Antigen peptide transporter 1	Q03518	TAP1	534		6,2		2													
AP-2 complex subunit alpha-1	O95782	AP2A1	502		3,5		2		1,60				1,50				0,86			
Apolipoprotein B receptor	Q0VD83	APOBR	63	14	17,4	36,4	10	40	0,89	1,38	0,651	0,008	0,87	1,00	0,580	0,958	1,00	1,10	0,972	0,311
Apolipoprotein E	P02649	APOE	150	44	26,5	46,1	6	15	0,10	0,11	0,002	0,000	0,41	0,53	0,009	0,000	0,28	0,39	0,004	0,000
Apolipoprotein L2	Q9BQE5	APOL2	497	384	14,5	7,7	2	2	1,00	0,77	0,987	0,687	1,00	1,26	0,971	0,488	1,19	1,38	0,234	0,102
Apoptosis-inducing factor 1, mitochondrial	O95831	AIFM1	493		9,6		3		0,93				0,69				0,77			
Aspartate aminotransferase, mitochondrial	P00505	GOT2	99		24,9		9		1,21		0,225		1,12		0,390		0,99		0,940	
Aspartyl/asparaginyl beta-hydroxylase	Q12797	ASPH		678		4,4		2												
Astrocytic phosphoprotein PEA-15	Q15121	PEA15	721	520	16,2	26,9	1	3		1,03		0,812		0,78		0,243		1,00		0,999
Atlastin-3	Q6DD88	ATL3	358		9,4		3		1,15				0,89				1,06			
ATP synthase subunit alpha, mitochondrial	P25705	ATP5A1	11	19	37,8	36,4	34	28	1,43	1,14	0,000	0,183	1,24	1,72	0,022	0,001	1,15	1,37	0,142	0,000
ATP synthase subunit b, mitochondrial	P24539	ATP5F1	351	326	14,1	19,9	3	3	2,03	3,06			0,93	1,72			0,81	2,16		
ATP synthase subunit beta, mitochondrial	P06576	ATP5B	17	27	52	40,3	47	29	1,17	1,28	0,069	0,101	1,03	1,43	0,644	0,000	0,95	1,23	0,458	0,252
ATP synthase subunit d, mitochondrial	O75947	ATP5H	385	95	23	52,2	2	10	1,58	1,30	0,031	0,015	0,97	1,05	0,880	0,487	0,88	1,18	0,268	0,070

ATP synthase subunit delta, mitochondrial	P30049	ATP5D	462	338	13,7	23,2	5	9	1,07	1,10	0,621	0,520	1,11	1,09	0,485	0,541	0,92	1,08	0,566	0,601
ATP synthase subunit epsilon, mitochondrial	P56381	ATP5E	555	264	54,9	64,7	2	4	1,50	1,18	0,096	0,229	1,10	1,24	0,364	0,072	0,93	1,05	0,467	0,657
ATP synthase subunit g, mitochondrial	O75964	ATP5L	463	814	19,4	18,5	3	1	4,30				2,52				3,19			
ATP synthase subunit gamma, mitochondrial	P36542	ATP5C1	160	491	33,6	7,4	6	2	1,13	1,74	0,806		1,12	1,08	0,695		0,80	1,06	0,434	
ATP synthase subunit O, mitochondrial	P48047	ATP5O	88	72	39	49,3	11	11	1,03	1,25	0,650	0,021	0,98	1,18	0,808	0,009	0,89	1,09	0,178	0,152
ATP synthase-coupling factor 6, mitochondrial	P18859	ATP5J	85	84	63,9	62	10	24	1,08	1,04	0,389	0,681	1,00	1,10	0,978	0,662	0,94	1,00	0,769	0,974
ATPase inhibitor, mitochondrial	Q9UII2	ATPIF1	558	433	20,8	26,4	1	2	1,20	1,03		0,873	1,15	1,11		0,492	1,06	1,01		0,970
ATP-binding cassette sub-family F member 1	Q8NE71	ABCF1		460		7,1		2												
ATP-dependent Clp protease ATP-binding subunit c	O76031	CLPX	339	419	7	9,8	3	2	0,71	0,67	0,183	0,353	1,15	0,78	0,395	0,540	0,71	0,96	0,412	0,919
Band 4.1-like protein 1	Q9H4G0	EPB41L1		647		5,9		2												
Band 4.1-like protein 2	O43491	EPB41L2		344		10		3		1,02					0,96				0,85	
Band 4.1-like protein 3	Q9Y2J2	EPB41L3	820	169	5,2	8,6	1	6		0,69		0,028		0,91		0,555		1,01		0,950
Basic leucine zipper and W2 domain-containing prc	Q7L1Q6	BZW1	556		10,5		4		0,77		0,209		0,67		0,038		0,80		0,112	
Basigin	P35613	BSG	405	190	11,7	20	3	5	0,78	0,80	0,242	0,100	0,84	0,94	0,325	0,489	0,82	0,94	0,294	0,615
B-cell receptor-associated protein 31	P51572	BCAP31	83	74	29,7	26	14	14	1,09	1,07	0,245	0,389	0,94	1,13	0,634	0,193	0,99	1,00	0,954	0,950
Bcl-2-like protein 13	Q9BXX5	BCL2L13	620	468	4,5	5,6	1	2		0,82				0,97					0,75	
Beta-2-microglobulin	P61769	B2M	443	429	21	21,9	3	7	0,68	0,69	0,160	0,171	0,83	1,03	0,320	0,803	0,81	0,86	0,276	0,366
Beta-hexosaminidase subunit alpha	P06865	HEXA	411		8,5		3		0,86		0,209		0,88		0,488		0,93		0,691	
Beta-hexosaminidase subunit beta	P07686	HEXB	92	64	17,8	21,8	9	13	0,91	0,97	0,180	0,801	1,03	1,02	0,646	0,877	0,97	0,97	0,624	0,660
Beta-lactamase-like protein 2	Q53H82	LACTB2	718	791	6,9	10,1	1	2	1,00	0,78			0,80	0,82			0,95	0,61		
Bifunctional glutamate/proline--tRNA ligase	P07814	EPRS	410	553	6,2	6,9	2	2	1,43	0,55	0,671	0,106	1,11	0,98	0,910	0,859	1,19	0,78	0,787	0,238
Brain acid soluble protein 1	P80723	BASP1	528	147	29,1	50,2	3	6		0,53		0,165		0,63		0,244		0,59		0,478
C-1-tetrahydrofolate synthase, cytoplasmic	P11586	MTHFD1	225	228	11,4	9,9	4	4	0,94	0,90	0,819	0,531	0,72	0,91	0,265	0,560	0,93	1,06	0,726	0,586
C5a anaphylatoxin chemotactic receptor	P21730	C5AR1		683		5,1		2												
Calcium-binding mitochondrial carrier protein SCa1	Q6NUK1	SLC25A24	105		16,8		7		1,19		0,169		1,07		0,474		0,98		0,795	
Calcium-binding protein p22	Q99653	CHP	117	115	47,7	46,2	7	9	1,26	1,25	0,204	0,074	0,97	1,11	0,943	0,251	0,70	1,12	0,199	0,352
Calmodulin	P62158	CALM1	95	68	57,1	73,8	12	26	0,99	0,87	0,907	0,122	0,76	0,88	0,225	0,137	1,01	0,87	0,953	0,118
Calnexin	P27824	CANX	37	47	27,2	22,3	21	14	1,32	1,71	0,059	0,009	0,98	1,23	0,876	0,100	1,07	1,13	0,455	0,431
Calpain small subunit 1	P04632	CAPNS1		395		7,1		2		0,94		0,676		1,00		0,994		1,07		0,528
Calpastatin	P20810	CAST	731	58	3,7	21,1	1	13		1,27		0,100		0,74		0,068		1,17		0,256
Calreticulin	P27797	CALR	50	23	32,1	46,5	22	40	1,16	1,14	0,129	0,527	1,01	1,05	0,930	0,791	0,99	1,02	0,862	0,895
Calumenin	O43852	CALU	147	52	25,4	43,2	7	15	0,97	1,18	0,771	0,094	0,86	1,01	0,219	0,904	0,81	0,99	0,133	0,860
cAMP-dependent protein kinase catalytic subunit al	P17612	PRKACA	633		14,3		2													
cAMP-dependent protein kinase type I-alpha regula	P10644	PRKAR1A		795		17,1		2		1,89				1,57				1,34		
CAP-Gly domain-containing linker protein 1	P30622	CLIP1		555		10,9		3		1,54				0,99				1,05		
Caprin-1	Q14444	CAPRIN1	447	250	5,8	9,2	2	4	0,43	0,66		0,073	0,74	0,80		0,540	0,97	0,86		0,490
Carbonic anhydrase 2	P00918	CA2	222	135	24,6	27,3	6	8	0,79	1,00	0,042	0,981	1,08	1,10	0,325	0,216	1,01	1,25	0,866	0,170
Carnitine O-palmitoyltransferase 2, mitochondrial	P23786	CPT2	478		8,2		3		1,01				1,16				0,76			
Catalase	P04040	CAT	123		17,3		7		1,40		0,302		1,08		0,822		1,00		0,993	
Catechol O-methyltransferase	P21964	COMT	454		7,4		2		1,20				1,04				0,98			
Cathepsin B	P07858	CTSB	148	191	26,6	21,8	13	10	0,80	0,87	0,078	0,174	0,97	1,09	0,728	0,353	0,95	0,93	0,533	0,517
Cathepsin D	P07339	CTSD	42	63	32	32,8	21	12	0,46	0,65	0,002	0,006	0,90	1,20	0,185	0,050	0,85	0,98	0,066	0,737
Cathepsin L1	P07711	CTSL1		639		9,3		3												
Cathepsin S	P25774	CTSS	287	354	14,5	18,4	7	4	0,82	0,74	0,280	0,304	0,80	0,78	0,096	0,284	0,92	0,68	0,331	0,349
Cathepsin Z	Q9UBR2	CTSZ	415	479	12,9	7,3	5	4	0,66	0,44	0,259	0,079	0,80	1,00	0,272	1,000	0,77	0,88	0,397	0,413
Cation-dependent mannose-6-phosphate receptor	P20645	M6PR	205	205	21,3	19,1	5	6	0,79	1,08	0,054	0,517	0,90	1,11	0,233	0,554	0,82	1,14	0,177	0,402
CD166 antigen	Q13740	ALCAM	346		9,6		3		0,78				1,12				1,07			



Cytochrome c oxidase subunit 5A, mitochondrial	P20674	COX5A	131	109	34,7	50,7	9	15	1,40	1,09	0,019	0,482	1,23	1,02	0,070	0,755	1,14	1,07	0,178	0,470
Cytochrome c oxidase subunit 5B, mitochondrial	P10606	COX5B	93	89	51,9	53,5	11	12	1,31	1,06	0,145	0,808	1,11	1,07	0,597	0,495	1,05	0,94	0,504	0,658
Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2	Q13409	DYNC1I2				6,4		2												
Cytoskeleton-associated protein 4	Q07065	CKAP4	22	42	42,2	42,2	22	15	1,08	1,00	0,279	0,976	1,02	1,07	0,756	0,161	1,05	1,12	0,537	0,116
Cytosol aminopeptidase	P28838	LAP3	113		22,5		8		1,06		0,694		1,20		0,255		1,37		0,058	
Cytosolic non-specific dipeptidase	Q96KP4	CNDP2	399		8,6		3		0,78		0,240		1,03		0,798		1,05		0,703	
Dehydrogenase/reductase SDR family member 4	Q9BTZ2	DHRS4	432	688	10,1	6,8	3	1	1,15	0,74			0,96	1,06			1,16	0,95		
Dehydrogenase/reductase SDR family member 7	Q9Y394	DHRS7	440		13,3		2		1,09		0,566		0,97		0,797		0,86		0,390	
Delta(24)-sterol reductase	Q15392	DHCR24	429		8,3		2		1,49		0,244		0,85		0,344		1,04		0,771	
Delta(3,5)-Delta(2,4)-dienoyl-CoA isomerase, mitoc	Q13011	ECH1	516		7		2		1,38				0,87				0,94			
Deoxyribonuclease-2-alpha	O00115	DNASE2	506	543	11,1	5,3	2	2	0,53	0,71	0,269	0,185	0,70	0,88	0,174	0,433	0,50	0,74	0,093	0,208
Dihydrolipoyl dehydrogenase, mitochondrial	P09622	DLD	328	782	9,2	1,4	4	1	1,04	0,50			0,92	0,79			0,87	0,41		
Dihydrolipoyllysine-residue acetyltransferase comp	P10515	DLAT	618	352	5,3	10,2	1	3	1,09	0,42	0,662	0,607	0,95	1,01	0,841	0,991	1,10	0,72	0,521	0,184
Dihydrolipoyllysine-residue succinyltransferase con	P36957	DLST	144	144	24,1	28,3	8	11	0,81	0,68	0,543	0,121	0,96	1,09	0,605	0,712	0,92	0,81	0,448	0,202
Dihydropyrimidinase-related protein 2	Q16555	DPYSL2	445		4,7		2													
Dipeptidyl peptidase 1	P53634	CTSC	436	449	7,6	9,7	3	2		1,08		0,766		0,97		0,882		0,96		0,850
Dipeptidyl peptidase 2	Q9UHL4	DPP7	500		4,9		2													
Disabled homolog 2	P98082	DAB2	479	106	3,8	14,2	3	7	0,35	0,77	0,061	0,267	0,53	0,83	0,141	0,093	0,73	0,86	0,248	0,113
Disintegrin and metalloproteinase domain-containin	P78536	ADAM17		459		4,5	2			1,61				0,80			0,73			
DNA-binding protein A	P16989	CSDA	670		18,8		5													
DnaJ homolog subfamily B member 1	P25685	DNAJB1	513		10,6		2													
DnaJ homolog subfamily B member 11	Q9UBS4	DNAJB11	271	208	17,3	21,5	4	5	0,72	1,68			0,99	1,61			0,71	1,34		
DnaJ homolog subfamily C member 3	Q13217	DNAJC3	64	124	20,4	20,2	11	7	1,08	1,25	0,335	0,042	0,96	1,26	0,684	0,099	0,99	1,00	0,881	0,964
DnaJ homolog subfamily C member 8	O75937	DNAJC8	452		9,5		3		0,90					0,73				0,86		
Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosy	P04843	RPN1	51		25,4		12		1,09		0,548		1,16		0,484		1,16		0,174	
Drebrin-like protein	Q9UJU6	DBNL		154		23,5	7		0,70		0,140		0,83		0,572		0,94		0,740	
Dynactin subunit 2	Q13561	DCTN2	349	160	10,2	22,2	3	7	1,25	1,01	0,497	0,954	1,06	0,89	0,881	0,216	1,37	0,99	0,125	0,894
Dynamamin-like 120 kDa protein, mitochondrial	O60313	OPA1	507	702	8,1	6	2	1	1,36				0,88				1,15			
E3 ubiquitin-protein ligase RNF213	Q63HN8	RNF213		360		2,7	4		1,00					0,68				1,80		
E3 UFM1-protein ligase 1	O94874	UFL1	499		6,2		2		0,92		0,481		0,69		0,248		1,00		0,997	
Early endosome antigen 1	Q15075	EEA1	545		10,3		2		2,26				1,60				1,96			
Echinoderm microtubule-associated protein-like 4	Q9HC35	EML4		240		6,7	4		0,92		0,318		0,76		0,031		0,86		0,121	
EF-hand domain-containing protein D2	Q96C19	EFHD2	164	43	32,1	50,8	6	15	0,81	1,18		0,502	0,65	0,98	0,820	0,82	1,23		0,075	
EGF-like module-containing mucin-like hormone re	Q9UHX3	EMR2		597		5,3	2		0,96					0,94				1,05		
EH domain-containing protein 1	Q9H4M9	EHD1	825	545	6,7	6,6	1	2	1,41	1,71			0,84	1,11			1,49	2,00		
Electron transfer flavoprotein subunit alpha, mitoch	P13804	ETFA	266	437	16,2	13,2	4	2												
Electron transfer flavoprotein subunit beta	P38117	ETFB	96	162	37,7	24,7	8	8	1,39	1,29	0,004	0,120	1,18	0,96	0,040	0,685	1,14	0,97	0,132	0,747
Elongation factor 1-alpha 1	P68104	EEF1A1	38	28	33,1	37,2	17	24	1,01	1,12	0,919	0,408	0,99	0,96	0,929	0,665	1,34	1,15	0,060	0,050
Elongation factor 1-beta	P24534	EEF1B2	119	96	30,7	36	8	9	0,73	0,88	0,007	0,180	0,83	0,88	0,052	0,268	0,92	0,99	0,238	0,878
Elongation factor 1-delta	P29692	EEF1D	218	153	31,3	40,6	5	9	0,84	0,76	0,336	0,050	0,95	0,92	0,687	0,791	1,02	0,96	0,919	0,783
Elongation factor 1-gamma	P26641	EEF1G	229	407	14	10,8	4	2	0,88	0,70	0,611		0,81	1,27	0,400		0,96	1,11	0,725	
Elongation factor 2	P13639	EEF2	100		18,8		9		0,94		0,835		1,01		0,984		1,09		0,613	
Elongation factor Tu, mitochondrial	P49411	TUFM	80	69	17,5	24,3	9	10	0,72	1,07	0,188	0,487	0,90	1,79	0,701	0,002	0,76	1,13	0,100	0,050
Emerin	P50402	EMD		489		9,1	2		1,05				0,72				0,76			
Ena/VASP-like protein	Q9UI08	EVL		569		18,3	3		1,63		0,345		1,84		0,238		1,63		0,212	
Endoplasmic reticulum resident protein 29	P30040	ERP29	77	67	41	44,4	19	19	1,17	1,21	0,213	0,006	1,03	1,12	0,750	0,061	1,15	1,07	0,187	0,247
Endoplasmic reticulum resident protein 44	Q9BS26	ERP44	154	207	20,4	20,2	8	4	1,21	1,36	0,031	0,048	0,86	1,09	0,110	0,577	0,98	1,35	0,826	0,013

Endoplasmin	P14625	HSP90B1	9	18	31,4	28	41	24	1,31	1,08	0,000	0,428	1,10	1,30	0,015	0,055	1,08	1,07	0,051	0,416
Enoyl-CoA delta isomerase 1, mitochondrial	P42126	ECII	453		11,6		3		2,04				1,17				1,46			
Enoyl-CoA hydratase, mitochondrial	P30084	ECHS1	152	128	22,4	31	6	7	1,19	1,36	0,437	0,201	1,13	1,24	0,291	0,275	1,01	1,31	0,948	0,226
Epididymal secretory protein E1	P61916	NPC2	290	234	27,2	47,7	6	5	0,83	0,80	0,557	0,260	1,03	1,11	0,919	0,243	0,91	0,88	0,716	0,160
Epoxide hydrolase 1	P07099	EPHX1	333		8,1		3		1,36		0,155		1,09		0,628		1,11		0,610	
ERO1-like protein alpha	Q96HE7	ERO1L	177	260	16,2	8,1	5	4	1,47	1,24	0,056	0,166	1,21	1,23	0,104	0,156	1,18	1,12	0,237	0,574
ES1 protein homolog, mitochondrial	P30042	C21orf33	194	273	16	16	5	4	1,20	1,46	0,293	0,462	0,98	1,14	0,839	0,411	0,87	1,62	0,147	0,210
Estradiol 17-beta-dehydrogenase 12	Q53GQ0	HSD17B12	450	737	9,9	7,1	3	1	1,43				1,13				1,03			
Eukaryotic initiation factor 4A-I	P60842	EIF4A1	377		16,3		3		0,81		0,316		0,77		0,085		0,78		0,394	
Eukaryotic translation initiation factor 1A, X-chrom	P47813	EIF1AX	694	402	10,4	34	1	3	0,86	0,76		0,226	0,66	0,75		0,217	0,84	1,04		0,746
Eukaryotic translation initiation factor 2 subunit 2	P20042	EIF2S2		391		16,2		4		0,78				0,96				0,91		
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit A	Q14152	EIF3A	248	350	8	12,1	4	3	1,21	0,54		0,335	0,70	1,06		0,679	1,21	0,72		0,189
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit C	Q99613	EIF3C	206	432	10,7	7,4	5	3	0,51	0,89	0,019	0,438	0,76	0,98	0,432	0,899	0,77	1,05	0,358	0,809
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit J	O75822	EIF3J	540	125	8,1	29,8	1	9	1,15	1,10		0,352	0,99	1,05		0,754	0,88	1,08		0,759
Eukaryotic translation initiation factor 4 gamma 1	Q04637	EIF4G1	233	101	8,3	11,6	3	8	0,83	1,00	0,206	0,997	0,74	0,74	0,123	0,196	0,91	1,16	0,638	0,340
Eukaryotic translation initiation factor 4B	P23588	EIF4B	426	396	10,3	8,8	2	2	0,79	0,72	0,334	0,319	0,74	0,83	0,066	0,163	0,84	0,90	0,331	0,338
Eukaryotic translation initiation factor 5A-1	P63241	EIF5A	179	112	29,2	29,2	7	8	0,66	0,84	0,038	0,179	0,82	0,88	0,133	0,331	0,94	0,91	0,561	0,417
Extended synaptotagmin-1	Q9BSJ8	ESYT1	141	255	9,3	5	6	4	1,52		0,235		1,38		0,264		1,34		0,315	
Ezrin	P15311	EZR	366	386	21,5	15,7	13	5	0,76		0,240		1,02		0,944		1,12		0,706	
F-actin-capping protein subunit alpha-1	P52907	CAPZA1	162	131	22	37,1	7	10	0,96	1,27	0,912	0,190	1,11	1,12	0,642	0,151	1,03	1,13	0,774	0,130
F-actin-capping protein subunit beta	P47756	CAPZB	254	251	23,5	23,1	5	5	1,33	0,96	0,237	0,758	1,18	0,83	0,620	0,319	1,33	0,99	0,276	0,911
Far upstream element-binding protein 1	Q96AE4	FUBP1	514	107	11,5	16,9	2	8	0,62	0,87	0,480	0,481	0,67	0,76	0,154	0,091	0,68	0,75	0,158	0,032
Far upstream element-binding protein 2	Q92945	KHSRP	207	65	15,1	24,6	5	10	0,52	0,94		0,324	0,59	0,88		0,233	0,82	0,88		0,083
Fatty acid-binding protein, adipocyte	P15090	FABP4		467		19,7		2		1,07				0,80				0,98		
Fatty acid-binding protein, epidermal	Q01469	FABP5	416	318	40	31,9	5	6	0,89	1,01	0,338	0,920	1,13	0,98	0,313	0,874	1,10	1,01	0,397	0,945
Fatty acid-binding protein, heart	P05413	FABP3		418		30,8		2		1,15		0,650		0,99		0,969		1,04		0,949
Fatty aldehyde dehydrogenase	P51648	ALDH3A2	498		13		2		1,37		0,071		0,95		0,798		1,01		0,878	
Fermitin family homolog 3	Q86UX7	FERMT3	292	716	15,9	4,6	3	1	0,92		0,542		0,78		0,442		1,06		0,698	
Ferritin heavy chain	P02794	FTH1	253	243	24,6	26,8	4	4	0,79	0,73	0,271	0,214	1,05	1,15	0,744	0,429	1,17	1,02	0,391	0,917
Ferritin light chain	P02792	FTL	456	244	10,9	21,1	2	4	1,17	0,94		0,637	0,89	0,95		0,717	0,93	1,18		0,363
Filamin-A	P21333	FLNA	4	3	29,5	28	62	55	0,83	0,85	0,001	0,012	0,97	0,89	0,587	0,032	1,10	0,89	0,044	0,006
FK506-binding protein 15	Q5T1M5	FKBP15		213		7,5		5		0,65		0,033		0,67		0,039		0,73		0,060
Flavin reductase (NADPH)	P30043	BLVRB	394	474	23,3	18,9	2	2	0,77				1,06				0,86			
Formin-binding protein 1	Q96RU3	FNBP1		502		10,2		2		1,02		0,928		0,82		0,291		1,23		0,284
Fructose-1,6-bisphosphatase 1	P09467	FBP1	53	97	31,7	33,7	17	13	0,86	1,02	0,285	0,889	1,04	0,89	0,796	0,302	1,06	0,97	0,654	0,754
Fructose-1,6-bisphosphatase isozyme 2	O00757	FBP2	663	677	15,9	14,2	5	3	0,76	0,80			1,26	0,96			1,39	1,31		
Fructose-bisphosphate aldolase A	P04075	ALDOA	39	88	44	33,5	20	9	0,98	1,30	0,772	0,030	0,96	0,99	0,701	0,916	1,08	1,03	0,305	0,750
Fructose-bisphosphate aldolase C	P09972	ALDOC	660		10,2		5													
Fumarate hydratase, mitochondrial	P07954	FH	79	401	21,4	6,1	9	3	1,16	1,73	0,167	0,283	1,01	1,17	0,939	0,541	1,00	1,39	1,000	0,188
Galectin-1	P09382	LGALS1	102	100	60	77	17	23	1,05	1,01	0,748	0,940	0,94	0,92	0,714	0,595	1,02	1,03	0,870	0,721
Galectin-3	P17931	LGALS3	81	119	41,2	32,4	11	10	0,95	0,92	0,559	0,323	1,03	0,89	0,741	0,243	1,02	1,00	0,750	0,995
Galectin-9	O00182	LGALS9	552	633	5,9	13,5	1	2	0,76		0,236		0,87		0,610		0,99		0,982	
Gamma-aminobutyric acid receptor-associated prote	P60520	iABARAPL2		564		25,6		3		0,78		0,268		0,87		0,509		0,84		0,359
Gamma-interferon-inducible lysosomal thiol reducta	P13284	IFI30	492	271	16	22,4	10	15	1,21	0,99			0,90	1,00			0,70	0,80		
Ganglioside GM2 activator	P17900	GM2A	209	217	19,7	19,7	7	6	0,42	0,43	0,000	0,001	0,77	0,92	0,021	0,282	0,69	0,75	0,006	0,014
Gelsolin	P06396	GSN	27	21	34	32,9	31	24	0,86	0,85	0,033	0,017	1,10	1,25	0,142	0,006	0,98	0,92	0,623	0,063
General transcription factor II-I	P78347	GTF2I		293		9,3		3		1,42				1,21				1,87		

Girdin	Q3V6T2	CCDC88A	392		8,1		3		1,02	0,958		1,05		0,836		1,06		0,617		
Glia maturation factor gamma	O60234	GMFG	771	413	9,2	26,8	1	3	0,73	0,300		0,72		0,190		0,83		0,320		
Glial fibrillary acidic protein	P14136	GFAP	529		12,3		18													
Glucose-6-phosphate isomerase	P06744	GPI	285		13,4		4		0,84	0,367		1,06		0,459		1,16		0,140		
Glucosidase 2 subunit beta	P14314	PRKCSH	74	37	22,5	27,8	11	21	1,08	1,15	0,381	0,020	1,00	1,02	0,976	0,688	0,94	1,02	0,500	0,727
Glucosylceramidase	P04062	GBA	395		5,8		3		0,90				1,12					1,19		
Glutamate dehydrogenase 1, mitochondrial	P00367	GLUD1	263		15,8		5		1,31		0,287		1,05		0,621		0,84		0,508	
Glutaminase kidney isoform, mitochondrial	O94925	GLS	532		13,2		3		0,84		0,114		0,84		0,538		0,93		0,693	
Glutaredoxin-1	P35754	GLRX	301	177	40,6	55,7	5	8	1,43	0,69			1,68	0,75			1,79	0,77		
Glutaredoxin-related protein 5, mitochondrial	Q86SX6	GLRX5	373		33,1		3													
Glutathione peroxidase 1	P07203	GPX1	239		26,1		5		1,41		0,638		0,87		0,817		0,85		0,848	
Glutathione S-transferase kappa 1	Q9Y2Q3	GSTK1	281	263	26,6	32,3	4	7	1,54	0,94	0,164	0,844	1,17	0,89	0,402	0,501	1,06	0,85	0,861	0,508
Glutathione S-transferase omega-1	P78417	GSTO1	129	126	27,8	32	8	7	0,95	1,08	0,614	0,343	0,98	0,95	0,827	0,487	1,05	1,06	0,701	0,603
Glutathione S-transferase P	P09211	GSTP1	476	347	23,3	28,1	4	3	1,04	1,44	0,767		1,03	1,20	0,811		1,03	1,00	0,839	
Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	P04406	GAPDH	47	76	33,7	28,7	19	10	0,98	1,46	0,760	0,201	0,95	1,61	0,686	0,064	1,18	1,24	0,335	0,406
Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase, testis-s	O14556	GAPDHS	632		9,8		4													
Glycine cleavage system H protein, mitochondrial	P23434	GCSH	498		22		2													
Golgi apparatus protein 1	Q92896	GLG1	490	62	10	10,5	2	10	2,26	0,77	0,710	0,010	1,03	1,10	0,976	0,416	1,37	0,85	0,813	0,042
Golgi resident protein GCP60	Q9H3P7	ACBD3	684	601	7,4	9,3	2	1												
Golgi SNAP receptor complex member 1	O95249	GOSR1	361		15,6		3			1,20				1,63				1,27		
Golgi-associated plant pathogenesis-related protein	Q9H4G4	GLIPR2	459		16,9		2		0,56				0,64				0,63			
Granulins	P28799	GRN	155		14,2		8		0,16		0,037		1,03		0,839		0,61		0,134	
Growth factor receptor-bound protein 2	P62993	GRB2	413	173	18,4	37,3	2	6	0,88	0,86	0,426	0,229	0,99	0,99	0,976	0,983	0,93	0,97	0,592	0,859
GrpE protein homolog 1, mitochondrial	Q9HAV7	GRPEL1	238	252	26,3	18	4	4	1,07	1,18	0,819	0,285	1,09	1,07	0,544	0,713	0,89	0,90	0,415	0,350
GTP:AMP phosphotransferase, mitochondrial	Q9UIJ7	AK3	421	714	15	12,8	2	1	1,04		0,796		0,88		0,659		1,08		0,745	
GTP-binding nuclear protein Ran	P62826	RAN	438	701	16,2	7,4	2	1	2,05				2,52				1,94			
Guanine nucleotide-binding protein G(i) subunit alp	P04899	GNAI2	269		25,6		5		0,98		0,823		0,94		0,697		1,03		0,827	
Guanine nucleotide-binding protein G(I)/G(S)/G(T)	P62873	GNB1	466		15,3		2													
Guanine nucleotide-binding protein subunit alpha-1	Q14344	GNA13	667		9		2													
Heat shock 70 kDa protein 1A/1B	P08107	HSPA1A	106	321	33,9	17,8	19	11	1,23		0,009		1,12		0,433		1,04		0,722	
Heat shock cognate 71 kDa protein	P11142	HSPA8	24	22	40,4	41,2	46	25	0,99	1,15	0,847	0,378	1,01	0,89	0,825	0,462	1,10	1,10	0,082	0,405
Heat shock protein 75 kDa, mitochondrial	Q12931	TRAP1	383		8,4		4		1,28				1,39				1,03			
Heat shock protein beta-1	P04792	HSPB1	243	130	32,7	39	5	9	1,01	0,86	0,969	0,340	0,74	0,95	0,376	0,704	1,05	1,12	0,799	0,228
Heat shock protein HSP 90-alpha	P07900	HSP90AA1	20	673	33,2	10,3	29	4	1,02		0,897		1,16		0,407		1,14		0,187	
Heat shock protein HSP 90-beta	P08238	HSP90AB1	114	209	36,3	15,8	36	7	1,03	1,34	0,799		1,02	1,24	0,790		1,19	1,21	0,103	
Hematopoietic lineage cell-specific protein	P14317	HCLS1	699	51	10,1	26,5	1	13	1,45		0,003		1,00		0,980		1,12		0,052	
Heme oxygenase 2	P30519	HMOX2	237	232	22,2	21,5	4	4	1,28	1,13	0,428	0,722	1,33	0,84	0,130	0,655	1,21	1,15	0,247	0,640
Hemoglobin subunit alpha	P69905	HBA1	185	551	31	16,9	19	2	1,13		0,223		1,41		0,022		1,09		0,366	
Hemoglobin subunit beta	P68871	HBB	32	621	72,8	15	41	1	1,29		0,052		1,34		0,037		0,99		0,865	
Hemoglobin subunit delta	P02042	HBD	430		59,9		22		0,87				1,42				0,90			
Hepatitis B virus X-interacting protein	O43504	HBXIP	656	369	31,9	37,4	2	5	0,94	0,90			0,75	0,87			0,83	0,93		
Hepatoma-derived growth factor	P51858	HDGF	188		19,2		5		0,99		0,901		0,93		0,615		1,10		0,272	
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1	P09651	HNRNPA1	210	322	22,6	20,2	4	6	1,62	2,23	0,170	0,011	1,58	1,75	0,057	0,023	1,66	1,49	0,207	0,146
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein D0	Q14103	HNRNPD	451	398	11,3	12,1	2	3	0,86	1,17	0,375	0,750	0,94	0,67	0,732	0,044	0,93	1,01	0,738	0,959
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein F	P52597	HNRNPF	496	404	11,6	16,4	3	5	0,69	0,73		0,659	0,76	1,06		0,663	0,91	0,97	0,917	
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein H	P31943	HNRNPH1	105		24,9		10		1,02			0,879		1,13		0,353		1,01		0,912
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein H2	P55795	HNRNPH2	279		15,6		5		1,02		0,929		1,13		0,296		1,09		0,425	



Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein K	P61978	HNRNPK	138	66	20,3	31,3	11	9	0,86	1,04	0,140	0,727	0,73	0,98	0,027	0,789	0,93	1,01	0,416	0,915
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein M	P52272	HNRNPM	408	461	6,6	10,8	2	2	0,65	0,52	0,515		0,69	0,71	0,177		0,87	0,57	0,641	
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein Q	O60506	SYNCRIP	407	458	15,6	8,5	3	2	0,66	0,41	0,226		0,89	0,53	0,657		0,67	0,57	0,027	
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein U	Q00839	HNRNPU	332	227	5,9	12	3	7	0,74	0,99	0,259	0,977	1,22	1,49	0,358	0,297	1,01	1,17	0,919	0,357
Heterogeneous nuclear ribonucleoproteins A2/B1	P22626	INRNPA2B	400	164	15,6	27,2	4	6	2,30	2,91	0,085	0,068	1,60	2,16	0,148	0,162	1,57	1,97	0,154	0,179
Heterogeneous nuclear ribonucleoproteins C1/C2	P07910	HNRNPC	302	290	13,1	18,3	4	4	3,07	2,40		0,106	3,10	2,50		0,009	2,77	2,12		0,013
Hexokinase-2	P52789	HK2	520		6,7		2		0,74				1,50				1,44			
Hippocalcin-like protein 1	P37235	HPCAL1	417	159	17,6	35,2	2	6	0,92	0,90		0,773	0,75	0,92		0,580	0,76	0,93		0,629
Histidine triad nucleotide-binding protein 1	P49773	HINT1		516		20,6		2		1,22		0,295		0,82		0,509		1,08		0,613
Histone H1.2	P16403	HIST1H1C		504		15,5		2		0,66				0,91				0,81		
Histone H2A.V	Q71U19	H2AFV	547		21,1		2		1,05				2,22				1,04			
Histone H2B type 1-L	Q99880	HIST1H2BL		550		19,1		2		1,03				3,43				1,08		
Histone H4	P62805	HIST1H4A	423		29,1		2		0,83		0,616		3,24		0,054		1,13		0,655	
HLA class I histocompatibility antigen, A-11 alpha c	P13746	HLA-A		444		14,5		4		0,54				1,12				1,25		
HLA class I histocompatibility antigen, A-3 alpha c	P04439	HLA-A	169		27,7		6		0,84		0,831		1,16		0,413		1,02		0,941	
HLA class I histocompatibility antigen, B-57 alpha c	P18465	HLA-B		671		19,3		4												
HLA class I histocompatibility antigen, B-59 alpha c	Q29940	HLA-B	431	239	22,1	19,6	4	4												
HLA class I histocompatibility antigen, Cw-7 alpha c	P10321	HLA-C		636		16,4		2												
HLA class II histocompatibility antigen gamma chain	P04233	CD74	533	422	12,8	10,5	2	2	0,36	0,34	0,064	0,145	0,63	0,69	0,140	0,162	0,54	0,48	0,139	0,020
HLA class II histocompatibility antigen, DP alpha 1	P20036	HLA-DPA1	765	475	4,6	15	4	3												
HLA class II histocompatibility antigen, DP beta 1 c	P04440	HLA-DPB1	446		18,2		2		0,63		0,148		0,82		0,324		0,85		0,388	
HLA class II histocompatibility antigen, DR alpha c	P01903	HLA-DRA	132	179	29,1	29,5	10	6	0,86	0,70	0,565	0,418	0,80	0,77	0,274	0,256	0,89	0,76	0,579	0,315
HLA class II histocompatibility antigen, DR beta 5 c	Q30154	HLA-DRB5		332		13,2		3												
HLA class II histocompatibility antigen, DRB1-1 beta	P04229	HLA-DRB1	175		21,4		6		0,55		0,327		0,55		0,445		0,79		0,483	
HLA class II histocompatibility antigen, DRB1-13 beta	Q5Y7A7	HLA-DRB1		680		17,3		2		0,64				1,00				0,92		
Hsc70-interacting protein	P50502	ST13	146	78	20,9	25,8	8	15	0,90	0,96	0,311	0,440	0,95	0,92	0,623	0,146	1,00	1,02	0,981	0,682
Hsp90 co-chaperone Cdc37	Q16543	CDC37	184	134	18,5	24,1	5	7	1,01	0,83	0,939	0,152	0,94	0,90	0,578	0,158	1,19	0,94	0,185	0,360
Hydroxyacyl-coenzyme A dehydrogenase, mitochondrial	Q16836	HADH	347	808	13,4	6,1	3	1	1,05	1,41	0,756		0,96	1,14	0,701		0,83	0,83	0,221	
Hydroxyacylglutathione hydrolase, mitochondrial	Q16775	HAGH	474	666	11	6,8	2	1		0,75				0,59				0,80		
Hypoxia up-regulated protein 1	Q9Y4L1	HYOU1	30	103	19,1	10,9	16	9	1,19	0,72	0,011	0,085	1,11	1,24	0,216	0,120	1,03	0,94	0,687	0,553
Importin subunit beta-1	Q14974	KPNB1	343		8,6		4													
Inorganic pyrophosphatase 2, mitochondrial	Q9H2U2	PPA2	268	730	27,8	3,6	4	1	1,32	1,73	0,248		1,07	1,36	0,682		1,03	1,65	0,831	
Integrin alpha-5	P08648	ITGA5	402		3,3		4		0,94		0,679		0,93		0,805		0,92		0,836	
Integrin alpha-M	P11215	ITGAM	389		6,1		2		0,78				1,02				1,59			
Integrin alpha-X	P20702	ITGAX	386		5,8		3		1,32		0,403		1,50		0,566		1,42		0,230	
Integrin beta-1	P05556	ITGB1	256	94	9,8	12	6	9	0,74	0,86		0,117	0,84	0,88		0,500	0,59	0,93		0,350
Integrin beta-2	P05107	ITGB2	25	13	32,9	37,6	35	41	0,77	0,93	0,000	0,371	0,85	0,99	0,005	0,870	0,80	0,95	0,001	0,391
Intercellular adhesion molecule 1	P05362	ICAM1	153	121	18,2	18,8	6	8	0,95	0,87			1,21	1,44			1,38	1,58		
Intercellular adhesion molecule 3	P32942	ICAM3	541	518	6,2	9,1	1	2		1,08				1,10				0,66		
Interferon-induced GTP-binding protein Mx1	P20591	MX1	155	181	21,5	12,2	10	5	1,15	1,28		0,153	3,15	2,44	0,003		3,03	1,72		0,002
Interferon-induced protein with tetratricopeptide repeat	P09913	IFIT2	340		10,2		3		1,37		0,297		6,34		0,005		6,73		0,003	
Interferon-induced protein with tetratricopeptide repeat	O14879	IFIT3	283	368	13,5	10,2	3	3	1,19	1,70	0,178		3,06	2,09	0,055		3,26	3,28	0,060	
Interleukin enhancer-binding factor 3	Q12906	ILF3	168	582	16,6	5,5	7	1	1,10		0,710		0,85		0,863		0,96		0,868	
Interleukin-1 receptor antagonist protein	P18510	IL1RN	342	225	21,5	27,7	3	6	0,49	0,97	0,089	0,769	1,06	1,04	0,669	0,727	1,20	1,08	0,559	0,457
Isocitrate dehydrogenase [NAD] subunit alpha, mitochondrial	P50213	IDH3A	817	288	10,7	12,3	1	3	1,12	1,27	0,613	0,251	1,03	1,28	0,807	0,244	0,95	1,04	0,681	0,805
Isocitrate dehydrogenase [NAD] subunit beta, mitochondrial	O43837	IDH3B	485		10,1		3		1,25		0,274		1,13		0,482		0,99		0,969	
Isocitrate dehydrogenase [NADP] cytoplasmic	O75874	IDH1	217	382	21,7	15,7	6	3	1,32	1,51	0,322		1,37	1,13	0,252		1,46	1,17	0,101	

Isocitrate dehydrogenase [NADP], mitochondrial	P48735	IDH2	54	277	33,4	11,3	11	4	1,24	1,80	0,002	0,93	1,75	0,153	0,95	1,39	0,464			
Keratin, type II cuticular Hb4	Q9NSB2	KRT84	662	674	7	9,3	4	5		1,63			4,01			2,10				
Keratin, type II cytoskeletal 1b	Q7Z794	KRT77	665	679	7,6	2,8	3	4	1,96	1,64			1,94	1,55		1,95	1,77			
KH domain-containing, RNA-binding, signal transd	Q07666	KHDRBS1		541		13,8		3		1,07	0,709		1,11	0,355		0,99	0,939			
Kinectin	Q86UP2	KTN1	376	80	13,9	13	4	10												
Kynureninase	Q16719	KYNU	827		7,3		2		1,44				1,56			1,41				
Lamina-associated polypeptide 2, isoform alpha	P42166	TMPO	353		11		3		1,14				1,25			0,88				
Lamina-associated polypeptide 2, isoforms beta/gan	P42167	TMPO		187		18,9		7		0,98	0,960		1,26	0,320		0,93	0,506			
Lamin-B receptor	Q14739	LBR		340		8,9		4		0,83	0,364		0,98	0,895		1,01	0,908			
LDLR chaperone MESD	Q14696	MESDC2	293	174	22,7	43,2	3	5	1,07	1,19	0,524	0,066	1,06	1,01	0,603	0,920	0,91	0,99	0,536	0,921
LEM domain-containing protein 2	Q8NC56	LEMD2		575		6		2		1,16				1,35			1,73			
LETM1 and EF-hand domain-containing protein 1,	O95202	LETM1	605	256	7	17,5	1	5	1,38	1,16		0,140	1,16	1,23		0,110	1,26	1,34		0,071
Leucine-rich PPR motif-containing protein, mitochc	P42704	LRPPRC	57	529	16,5	9,9	12	4	0,93	1,36	0,812	0,871	0,99	1,48	0,949	0,637	0,88	1,32	0,675	0,839
Leucine-rich repeat flightless-interacting protein 1	Q32MZ4	LRRFIP1	412	56	8	19,1	3	15	1,09	1,06		0,579	1,19	0,87		0,290	1,12	1,06		0,685
Leucine-rich repeat-containing protein 59	Q96AG4	LRRC59	247	219	14	17,3	4	4	0,68	0,74	0,042	0,064	0,82	0,81	0,135	0,381	0,82	0,76	0,137	0,205
Leukocyte surface antigen CD47	Q08722	CD47	444		12,7		2		0,86		0,670		1,01	0,976		1,15		0,699		
Leukotriene A-4 hydrolase	P09960	LTA4H	211		9,5		5		1,04		0,857		0,85		0,351		1,12		0,462	
LIM and SH3 domain protein 1	Q14847	LASP1	200	30	23,4	49,4	5	17	1,04	1,08	0,684	0,729	1,11	0,89	0,410	0,213	1,09	1,09	0,638	0,509
Lipoamide acyltransferase component of branched-c	P11182	DBT		563		6		2		0,84				0,89			0,92			
Liver carboxylesterase 1	P23141	CES1	159		17,3		6		1,39		0,020		1,20	0,089		1,09		0,310		
L-lactate dehydrogenase A chain	P00338	LDHA	139	592	29,5	14,8	9	2	1,03	1,28	0,803	0,267	1,06	1,19	0,389	0,342	1,13	1,17	0,093	0,359
L-lactate dehydrogenase B chain	P07195	LDHB	69	281	41,6	13,5	12	3	1,12	1,13	0,533	0,580	1,05	1,00	0,447	0,996	1,16	1,26	0,057	0,257
Lon protease homolog, mitochondrial	P36776	LONP1	72	308	16,8	9,7	11	4	1,22	0,96	0,055	0,804	1,00	1,69	1,000	0,191	1,05	1,22	0,428	0,616
Long-chain fatty acid transport protein 3	Q5K4L6	SLC27A3	140		13,6		8		1,28		0,181		1,20		0,370		1,21		0,281	
Long-chain-fatty-acid--CoA ligase 1	P33121	ACSL1	156		10,9		6		1,13		0,263		1,30		0,042		1,31		0,006	
Lupus La protein	P05455	SSB	610	302	11,3	13,5	1	3	0,81	0,71	0,278		0,72	1,40	0,186		0,91	1,01	0,667	
Lymphocyte function-associated antigen 3	P19256	CD58	491	493	6,4	6,4	2	2	0,90	0,86	0,708	0,371	1,07	1,08	0,669	0,733	1,06	1,08	0,806	0,578
Lymphocyte-specific protein 1	P33241	LSP1	118	41	31,9	52,2	8	27	0,82	1,00	0,181	0,976	0,94	0,98	0,597	0,899	1,01	1,11	0,974	0,458
Lysosomal acid phosphatase	P11117	ACP2	284	268	10,6	9,9	3	4	0,60	1,07	0,030	0,578	0,75	1,31	0,028	0,107	0,83	1,24	0,263	0,065
Lysosomal alpha-glucosidase	P10253	GAA	392	220	5,3	6,7	3	5		1,02		0,890		0,84		0,170		0,88		0,494
Lysosomal alpha-mannosidase	O00754	MAN2B1	41	57	17,9	20,6	20	12	1,00	1,05	0,993	0,664	0,92	1,04	0,488	0,781	0,94	1,08	0,470	0,629
Lysosome membrane protein 2	Q14108	SCARB2	258	312	9,6	7,1	5	3	1,00	1,17	0,992	0,355	1,13	1,27	0,423	0,251	1,09	1,25	0,563	0,266
Lysosome-associated membrane glycoprotein 1	P11279	LAMP1	387	242	6,2	10,8	6	7	0,94	0,86	0,802	0,505	1,02	1,06	0,903	0,662	1,07	0,91	0,686	0,520
Lysosome-associated membrane glycoprotein 2	P13473	LAMP2	419	457	7,8	6,1	3	3	0,81	0,77			0,93	1,13			1,02	1,04		
Lysozyme C	P61626	LYZ	728	349	10,1	19,6	1	3		0,14		0,059		0,42		0,073		0,42		0,073
Macrophage-capping protein	P40121	CAPG	86	33	31,9	44,5	15	26	0,80	0,84	0,570	0,075	0,93	1,00	0,466	1,000	1,06	0,93	0,349	0,214
Malate dehydrogenase, cytoplasmic	P40925	MDH1	220	521	15,3	13,5	5	2	0,89	1,24	0,565		1,01	1,12	0,976		1,02	0,94	0,869	
Malate dehydrogenase, mitochondrial	P40926	MDH2	29	73	47,3	31,7	17	10	1,17	1,34	0,459	0,099	1,11	1,22	0,549	0,257	1,00	1,08	0,982	0,456
Mannose-P-dolichol utilization defect 1 protein	O75352	MPDU1	795		6,1		2													
Matrix metalloproteinase-9	P14780	MMP9	517	657	2,8	3,7	2	1												
Medium-chain specific acyl-CoA dehydrogenase, m	P11310	ACADM	178	328	18,5	12,8	5	3	1,11	1,05	0,359	0,650	1,03	1,15	0,614	0,536	0,95	0,95	0,531	0,645
Membrane-associated progesterone receptor compo	O00264	PGRMC1	336	117	11,8	24,1	4	7	1,28	1,10		0,537	1,02	1,12	0,495		0,86	0,99		0,932
Membrane-associated progesterone receptor compo	O15173	PGRMC2	267	276	18,4	22,4	5	7	0,85				0,75				0,98			
Mesencephalic astrocyte-derived neurotrophic facto	P55145	MANF	276	71	22	41,2	4	10	0,77	0,88	0,251	0,278	0,76	0,94	0,701	0,730	0,95	0,89	0,697	0,469
Microtubule-actin cross-linking factor 1, isoforms 1	Q9UPN3	MACF1		605		3		2												
Microtubule-associated protein 4	P27816	MAP4		60		17		10		1,25		0,385		0,97		0,772		1,03		0,943
Microtubule-associated protein RP/EB family memf	Q15691	MAPRE1	823	284	9,3	14,9	1	3	1,12	1,31	0,621	0,031	0,94	0,97	0,652	0,655	1,09	1,27	0,564	0,088

Minor histocompatibility antigen H13	Q8TCT9	HM13	310		8,8		4		1,56		0,243		1,25		0,578		1,14		0,608	
Mitochondrial 2-oxoglutarate/malate carrier protein	Q02978	SLC25A11	381		9,9		4		1,55				1,31				1,17			
Mitochondrial fission 1 protein	Q9Y3D6	FIS1		477		15,8		2												
Mitochondrial import inner membrane translocase s	Q9Y5L4	TIMM13	739	254	11,6	53,7	1	6	1,16	0,93		0,596	1,23	1,10		0,631	0,61	0,88	0,446	
Mitochondrial import inner membrane translocase s	O43615	TIMM44		450		8,2		2		1,42				1,20				0,92		
Mitochondrial import receptor subunit TOM70	O94826	TOMM70A	475	710	4,6	7,9	2	1	1,10	1,26	0,798		1,43	1,98	0,556		1,13	1,25	0,780	
Mitochondrial inner membrane protein	Q16891	IMMT	101	211	19,7	16,1	9	5	1,13	0,85	0,114	0,399	1,09	1,24	0,329	0,094	1,19	0,94	0,176	0,758
Mitochondrial intermembrane space import and assc	Q8N4Q1	CHCHD4		275		33,1		4		1,36		0,068		1,33		0,077		1,18	0,238	
Mitogen-activated protein kinase 1	P28482	MAPK1	510		11,9		2		0,89									1,06		
Moesin	P26038	MSN	18	54	37,3	26,3	27	14	0,68	0,70	0,023	0,334	0,76	0,93	0,006	0,392	0,91	0,75	0,171	0,192
Myeloid cell nuclear differentiation antigen	P41218	MNDA		607		5,7		2												
Myoferlin	Q9NZM1	MYOF	122	170	8,4	4,3	7	6	0,94	0,78	0,722	0,436	0,99	1,52	0,931	0,072	0,89	0,91	0,411	0,774
Myosin light polypeptide 6	P60660	MYL6	176	116	51,7	47,7	6	7	0,72	0,71	0,130	0,155	0,56	0,76	0,026	0,082	0,58	0,78	0,223	0,228
Myosin regulatory light chain 12A	P19105	MYL12A	299	238	28,7	26,3	4	4	0,90	0,93		0,514	0,36	0,65		0,106	0,31	0,63	0,162	
Myosin-9	P35579	MYH9	235	686	7,8	3,6	4	1	1,04	0,67	0,817		0,71	0,85	0,102		0,85	0,91	0,376	
Myotrophin	P58546	MTPN	672	447	29,7	34,8	2	5	0,35	1,10			0,65	1,35			0,98	1,28		
Myristoylated alanine-rich C-kinase substrate	P29966	MARCKS	356	241	25	24,1	4	5	0,67		0,158		0,91		0,877		1,30		0,309	
N(4)-(beta-N-acetylglucosaminy)-L-asparaginase	P20933	AGA	730	507	10,7	9,2	1	4	0,72					0,78			1,09			
Na(+)/H(+) exchange regulatory cofactor NHE-RF1	O14745	SLC9A3R1		304		20,7		4	0,44					0,30				0,46		
N-acetyl-D-glucosamine kinase	Q9UJ70	NAGK	576		8,4		2		1,49				1,80				1,93			
N-acetylglucosamine-6-sulfatase	P15586	GNS	167	226	13	8	6	4	0,49	0,50	0,015	0,033	0,78	1,06	0,186	0,712	0,87	0,92	0,620	0,502
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 alpha subcon	P51970	NDUFA8	794	195	8,7	23,8	1	5	1,13	1,00		0,965	0,73	1,03		0,811	0,87	0,95	0,778	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 beta subcom	O96000	NDUFB10	327	751	39	14,5	4	1	1,11	1,07	0,770		0,97	1,19	0,865		0,90	0,93	0,506	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] flavoprotein 2,	P19404	NDUFV2	505	561	18,1	12,1	2	1	0,82					0,94				1,02		
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur prot	O75489	NDUFS3	734	576	8	15,2	1	2	1,04					2,26				1,61		
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur prot	O43181	NDUFS4	579	440	18,3	17,1	1	2	1,14		0,668		1,44		0,290		0,82		0,535	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur prot	O43920	NDUFS5		538		24,5		3	0,95		0,674		1,01		0,957		0,76		0,224	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur prot	O75380	NDUFS6		476		34,7		2	1,41		0,177		1,24		0,335		1,26		0,259	
NADH-cytochrome b5 reductase 3	P00387	CYB5R3	396		13,3		3		1,21		0,720		1,29		0,236		1,05		0,708	
NADPH--cytochrome P450 reductase	P16435	POR	397		7,1		2		1,51		0,125		1,27		0,098		1,14		0,372	
Nascent polypeptide-associated complex subunit al	Q13765	NACA	722	247	11,2	19,5	1	4	1,13	1,15		0,417	0,90	1,01		0,912	1,16	1,34	0,216	
Nestin	P48681	NES	56	9	12,2	27,2	13	32	1,16	1,18	0,638	0,136	1,36	1,22	0,343	0,024	1,21	1,21	0,470	0,010
Neudesin	Q9UMX5	NENF	741	149	5,2	42,4	1	6	1,04	0,99		0,937	0,99	0,94		0,475	0,96	0,77	0,226	
Neuroblast differentiation-associated protein AHNA	Q09666	AHNAK	1	1	52,6	71,4	183	444	1,09	1,21	0,031	0,000	1,24	0,98	0,000	0,367	1,16	1,07	0,000	0,011
Neutral alpha-glucosidase AB	Q14697	GANAB	60	571	15,9	4,1	12	2	1,18		0,505		1,08		0,845		1,10		0,786	
Neutral cholesterol ester hydrolase 1	Q6PIU2	NCEH1	227	700	16,9	4,9	5	1	1,37	1,75	0,332		1,26	1,38	0,504		1,17	1,27	0,443	
Neutrophil cytosol factor 2	P19878	NCF2	564	274	12,2	14,3	1	5	1,69	1,14		0,368	1,89	1,35		0,064	1,79	1,45	0,072	
NFU1 iron-sulfur cluster scaffold homolog, mitocho	Q9UMS0	NFU1	793	192	6,3	24	1	5	0,91	0,99		0,985	1,01	1,01		0,949	0,96	0,99	0,965	
Niban-like protein 1	Q96TA1	FAM129B	380		8,3		2		0,59		0,108		0,62		0,045		0,85		0,280	
Nicestrin	Q92542	NCSTN	312	696	7,1	6,8	3	1	0,63	0,83	0,084		0,63	0,80	0,040		0,79	1,17	0,140	
Non-specific lipid-transfer protein	P22307	SCP2	89	75	15	14,1	11	15	0,96	1,00	0,518	0,961	0,97	1,01	0,600	0,847	0,88	0,90	0,067	0,174
NSFL1 cofactor p47	Q9UNZ2	NSFL1C		317		13,5		5	1,22					0,66				0,83		
Nuclear autoantigenic sperm protein	P49321	NASP		525		5,5		2	1,00			0,999		0,96		0,774		0,89	0,560	
Nuclear mitotic apparatus protein 1	Q14980	NUMA1	382		8,5		2		1,05		0,829		1,10		0,670		1,05		0,890	
Nuclease-sensitive element-binding protein 1	P67809	YBX1	452	231	13,6	21,6	2	6	0,25				0,41				0,60			
Nucleobindin-1	Q02818	NUCB1	181	29	23,2	38,6	8	20	1,11	1,43	0,656	0,002	1,20	1,03	0,366	0,732	1,10	1,15	0,751	0,012
Nucleobindin-2	P80303	NUCB2	264	143	12,4	27,4	4	8	0,85	1,06	0,659	0,729	1,08	0,95	0,812	0,879	0,87	0,86	0,782	0,399

Nucleolin	P19338	NCL	49	35	23,7	21	11	17	0,70	0,89	0,008	0,023	0,92	0,97	0,326	0,474	0,89	0,94	0,126	0,263
Nucleophosmin	P06748	NPM1	260	258	18	14	6	7	1,20	1,57	0,288	0,115	1,31	1,67	0,034	0,022	1,21	1,25	0,080	0,058
Nucleoside diphosphate kinase A	P15531	NME1	631	544	44,1	45,4	6	6												
Nucleoside diphosphate kinase B	P22392	NME2	125	140	42,8	50,7	9	8	0,90	0,87	0,467		0,81	0,67	0,281		0,80	0,95	0,271	
Nucleosome assembly protein 1-like 1	P55209	NAPIL1		249		11,5		4												
OCIA domain-containing protein 1	Q9NX40	OCIAD1	458	186	8,2	26,9	2	6	1,09	1,05	0,688	0,846	1,10	0,98	0,772	0,842	1,08	0,98	0,901	0,819
Osteoclast-stimulating factor 1	Q92882	OSTF1	519	523	18,2	27,6	3	3	0,72	0,91			1,11	0,82			0,82	0,81		
Oxysterol-binding protein-related protein 8	Q9BZF1	OSBPL8		417		4,8		2												
Palmitoyl-protein thioesterase 1	P50897	PPT1	245	266	11,8	11,8	4	4	0,63	0,67	0,036	0,043	1,08	1,03	0,833	0,827	0,96	1,02	0,743	0,850
PDZ and LIM domain protein 7	Q9NR12	PDLIM7		364		7,7		3		0,76		0,404		0,70		0,242		0,91		0,507
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase A	P62937	PPIA	104	46	47,9	70,9	12	20	0,85	1,04	0,243	0,620	0,93	0,94	0,568	0,365	1,14	1,04	0,172	0,596
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase B	P23284	PPIB	44	61	42,6	50	15	15	0,93	1,06	0,382	0,242	0,93	1,10	0,336	0,098	0,92	1,08	0,147	0,179
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase F, mitochondrial	P30405	PPIF	232	272	14,5	16,4	5	5	1,15	1,25	0,578	0,131	1,07	1,18	0,564	0,268	1,10	1,17	0,660	0,128
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP1A	P62942	FKBP1A	391	414	45,4	40,7	2	5	1,10	1,04	0,693	0,761	1,07	0,91	0,770	0,521	1,07	1,06	0,532	0,680
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP2	P26885	FKBP2	368	408	18,3	18,3	3	3	0,61	1,14		0,410	0,84	0,93		0,581	0,93	1,02		0,880
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP3	Q00688	FKBP3		333		14,3		3		0,54								0,75		
Perilipin-3	O60664	PLIN3	249	120	21,4	27,2	4	12	2,13	1,21	0,138	0,681	1,21	0,85	0,666	0,565	1,66	0,92	0,125	0,819
Peroxiredoxin-1	Q06830	PRDX1	55	50	52,8	56,8	17	22	0,91	1,04	0,212	0,499	0,98	0,91	0,786	0,132	1,13	1,07	0,104	0,290
Peroxiredoxin-2	P32119	PRDX2	357	534	25,8	21,2	6	5	0,98	1,05	0,876	0,836	1,04	1,02	0,809	0,900	1,11	1,16	0,494	0,380
Peroxiredoxin-4	Q13162	PRDX4		798		14		2		0,77		0,535		0,75		0,286		0,61		0,128
Peroxiredoxin-5, mitochondrial	P30044	PRDX5	219	146	32,7	36,5	5	6	0,98	0,89	0,859	0,363	0,95	0,84	0,746	0,547	1,09	0,96	0,441	0,723
Peroxiredoxin-6	P30041	PRDX6	165	132	22,8	32,6	6	6	0,87	1,09	0,575	0,320	0,92	0,97	0,609	0,780	1,11	1,02	0,201	0,772
Peroxisomal membrane protein PEX14	O75381	PEX14	630	343	6,9	9	1	3	0,72	0,76			0,56	1,59			0,60	0,84		
Peroxisomal multifunctional enzyme type 2	P51659	HSD17B4	344		7,9		3		1,20		0,610		1,17		0,343		1,14		0,425	
Phosphate carrier protein, mitochondrial	Q00325	SLC25A3	329	589	14,9	21,3	4	1	1,25	1,08	0,280	0,818	1,12	1,12	0,482	0,454	1,08	1,00	0,690	0,995
Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	P30086	PEBP1	334	425	16,6	20,9	3	2	0,82	1,03	0,298	0,907	1,12	0,95	0,464	0,720	1,07	0,98	0,618	0,886
Phosphatidylinositol 4-kinase type 2-alpha	Q9BTU6	PI4K2A	216	609	27,8	4,8	6	1	1,00	0,80	0,999		0,97	1,11	0,920		0,84	0,67	0,230	
Phosphoenolpyruvate carboxykinase [GTP], mitochondrial	Q16822	PCK2	87	218	22,5	13,3	9	4	1,38	0,92	0,059	0,607	1,16	1,04	0,349	0,891	0,96	0,73	0,729	0,194
Phosphoglycerate kinase 1	P00558	PGK1	65	82	36,5	24,7	13	9	0,90	1,42	0,133	0,003	1,06	1,07	0,579	0,235	1,16	1,19	0,063	0,012
Phosphoglycerate mutase 1	P18669	PGAM1	306	193	18,9	24,4	7	7		1,59		0,242		1,33		0,214		1,16		0,375
Phospholipase D3	Q8IV08	PLD3	240	331	8,4	8,2	4	3	0,35	0,35	0,011	0,008	0,66	0,81	0,050	0,265	0,58	0,67	0,026	0,142
Phostensin	Q6NYC8	PPP1R18	537	158	8	18,4	2	8		0,88		0,714		0,88		0,278		1,05		0,725
Plasminogen activator inhibitor 1 RNA-binding protein	Q8NC51	SERBP1		325		11,8		3		0,88		0,446		0,77		0,244		0,84		0,340
Plastin-2	P13796	LCP1	8	12	46,9	43,7	50	42	0,92	0,96	0,030	0,691	1,01	0,92	0,719	0,337	1,04	0,96	0,266	0,575
Platelet endothelial cell adhesion molecule	P16284	PECAM1		269		4,9		4		0,72		0,749		0,93		0,627		0,86		0,844
Pleckstrin homology domain-containing family O member 2	Q8TD55	PLEKHO2	544	285	4,9	10,6	1	4	0,76	0,88	0,338	0,761	1,45	0,87	0,167	0,516	1,21	1,07	0,299	0,789
Plectin	Q15149	PLEC	3	10	26,5	15,5	69	28	1,03	0,65	0,495	0,000	1,11	1,21	0,038	0,000	1,19	0,90	0,000	0,039
Poly(rC)-binding protein 1	Q15365	PCBP1	208	123	20,8	25,6	8	7	0,81	0,88	0,354	0,549	1,07	0,83	0,792	0,323	0,89	1,02	0,615	0,856
Poly(rC)-binding protein 2	Q15366	PCBP2		443		20		5												
Polyadenylate-binding protein 1	P11940	PABPC1	196	570	16,2	9,1	5	2	0,61	0,56	0,071		0,78	1,56	0,378		0,84	1,72	0,124	
Polyadenylate-binding protein 2	Q86U42	PABPN1		812		22,9		2		1,32				0,96				1,68		
Polypyrimidine tract-binding protein 1	P26599	PTBP1	546	549	5,3	9,2	1	3	0,86	0,70	0,228	0,170	0,96	1,14	0,694	0,528	0,97	0,94	0,740	0,668
POTE ankyrin domain family member E	Q6S8J3	POTEE	657		16,5		49		0,99				1,34				1,30			
PRA1 family protein 3	O75915	ARL6IP5		346		15,4		3		0,99				1,48				1,00		
Prelamin-A/C	P02545	LMNA	274	222	10,4	16	4	4	0,97	1,86	0,967	0,257	1,13	3,19	0,818	0,011	1,18	2,15	0,750	0,107
Proactivator polypeptide	P07602	PSAP	73	48	16,2	27,9	10	18	0,55	0,53	0,297	0,034	0,80	1,04	0,095	0,557	0,75	0,80	0,016	0,029
Pro-cathepsin H	P09668	CTSH	180	306	19,1	7,2	6	4	0,94	0,96	0,565	0,736	0,98	1,28	0,834	0,248	1,05	1,05	0,629	0,693

Procollagen galactosyltransferase 1	Q8NBJ5	GLT25D1	171		11,4		6		1,10		0,550		1,16		0,213		1,18		0,485	
Profilin-1	P07737	PFN1	76	70	65	66,4	13	18	0,98	1,05	0,864	0,496	1,01	0,94	0,947	0,448	0,92	0,85	0,519	0,160
Programmed cell death 6-interacting protein	Q8WUM4	PDCD6IP	518	811	4,4	5,4	2	1	1,09	0,55			0,99	1,07			1,17	0,90		
Prohibitin	P35232	PHB	70	267	42,7	16,2	9	4	1,59	1,60	0,003	0,232	1,05	1,56	0,508	0,248	0,96	1,33	0,421	0,269
Prohibitin-2	Q99623	PHB2	166		25,4		6		1,35		0,016		1,15		0,106		1,17		0,051	
Pro-interleukin-16	Q14005	IL16		420		3,4		2												
Prolyl 4-hydroxylase subunit alpha-1	P13674	P4HA1	803	292	5,1	9,2	1	3		0,96		0,864		1,36		0,464		0,74		0,497
Proteasome activator complex subunit 1	Q06323	PSME1	62	110	42,6	43,4	10	10	1,16	1,00	0,304	0,970	1,15	0,95	0,095	0,667	1,36	1,11	0,027	0,155
Proteasome activator complex subunit 2	Q9UL46	PSME2	414	259	23	26,8	3	4	0,84	0,94	0,327	0,528	1,02	1,11	0,959	0,169	0,96	0,93	0,897	0,297
Proteasome subunit alpha type-1	P25786	PSMA1	250		15,2		4		1,01		0,908		0,99		0,942		1,02		0,938	
Proteasome subunit alpha type-5	P28066	PSMA5	390		20,8		4		1,31								0,61			
Proteasome subunit alpha type-7	O14818	PSMA7	524	603	21,8	8,9	3	1	0,86	0,49			0,81	0,70			1,01	0,82		
Proteasome subunit beta type-1	P20618	PSMB1	307		16,6		3		1,04		0,845		0,92		0,697		1,17		0,463	
Protein 4.1	P11171	EPB41		818		2,3		2												
Protein canopy homolog 2	Q9Y2B0	CNPY2	226	114	35,2	44	4	10	1,13	0,96	0,336	0,691	0,85	1,14	0,183	0,133	0,89	1,06	0,559	0,618
Protein canopy homolog 3	Q9BT09	CNPY3		235		16,2		4		1,18				1,26				1,19		
Protein CDV3 homolog	Q9UKY7	CDV3		412		23,6		5		2,82				0,72				2,33		
Protein disulfide-isomerase	P07237	P4HB	7	6	62,6	58,7	54	54	1,36	1,32	0,000	0,000	1,13	1,11	0,112	0,008	1,07	1,07	0,386	0,152
Protein disulfide-isomerase A3	P30101	PDIA3	15	15	44,6	39	45	36	1,33	1,27	0,000	0,000	1,09	1,13	0,202	0,028	1,04	1,09	0,416	0,091
Protein disulfide-isomerase A4	P13667	PDIA4	16	24	37,8	34,6	27	17	1,29	1,26	0,000	0,001	1,11	1,10	0,139	0,083	1,07	1,03	0,141	0,436
Protein disulfide-isomerase A6	Q15084	PDIA6	45	32	37,5	40	19	19	1,26	1,23	0,042	0,029	1,00	1,37	0,966	0,006	0,99	1,30	0,874	0,002
Protein disulfide-isomerase TMX3	Q96JJ7	TMX3	515		5,9		2		0,94		0,764		1,02		0,940		0,81		0,398	
Protein DJ-1	Q99497	PARK7	257	55	27,5	55	5	11	0,91	1,11	0,376	0,303	0,88	0,97	0,300	0,750	0,87	1,03	0,271	0,814
Protein EVI2B	P34910	EVI2B	628	371	5,1	12,1	1	4	0,81	0,79		0,509	1,02	0,92		0,549	0,69	0,81		0,351
Protein FAM136A	Q96C01	FAM136A		287		30,4		5		0,91		0,405		0,79		0,343		0,89		0,343
Protein FAM162A	Q96A26	FAM162A		469		16,2		2		0,96		0,753		0,76		0,261		0,90		0,789
Protein LYRIC	Q86UE4	MTDH	717	141	5,3	17	1	6	0,97	1,88		0,028	0,77	1,16		0,266	1,12	1,33		0,063
Protein numb homolog	P49757	NUMB		430		5,4		2		1,92		0,251		1,55		0,259		1,90		0,204
Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12A	O14974	PPP1R12A		503		8,7		3		0,91				1,44				0,97		
Protein PRRC2C	Q9Y520	PRRC2C	697	353	2,6	3,4	1	3												
Protein S100-A10	P60903	S100A10		487		27,8		2		1,89				3,36				2,84		
Protein S100-A11	P31949	S100A11	596	496	28,6	22,9	2	2	2,82	1,54		0,159	1,19	1,47		0,198	1,04	1,18		0,380
Protein S100-A4	P26447	S100A4	288	133	33,7	54,5	4	9	1,30	1,01	0,790	0,969	1,08	0,84	0,926	0,442	1,06	1,05	0,958	0,694
Protein S100-A6	P06703	S100A6		587		16,7		2		1,06		0,804		1,12		0,576		0,96		0,756
Protein S100-A9	P06702	S100A9	372	494	25,4	17,5	3	3	1,18	1,31		0,471	0,59	1,14		0,664	1,12	1,29		0,416
Protein SET	Q01105	SET	277	230	16,6	15,5	5	6	0,82	1,01	0,156	0,882	0,93	1,01	0,511	0,889	1,07	0,97	0,772	0,838
Prothymosin alpha	P06454	PTMA		309		57,7		5		1,12				0,80				0,89		
Putative 40S ribosomal protein S10-like	Q9NQ39	RPS10P5	796		11,4		3		0,50					0,68				0,87		
Putative ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit	Q16740	CLPP	554		12,3		2		2,11					1,50				0,87		
Putative cytochrome b-c1 complex subunit Rieske-like 1	P0C7P4	JQCRFS1P	369		18		3		1,22		0,582		1,15		0,650		1,17		0,732	
Putative high mobility group protein B1-like 1	B2RPK0	HMGB1P1		342		23,7		3		0,57		0,123		0,53		0,110		0,67		0,218
Putative phospholipase B-like 2	Q8NHP8	PLBD2	437	453	2,4	6,8	2	2	0,81	0,84	0,278	0,333	1,02	1,13	0,888	0,429	0,95	1,05	0,675	0,720
Putative tropomyosin alpha-3 chain-like protein	A6NL28	5 SV	486	323	19,3	21,5	5	9	1,10	1,01		0,925	0,80	0,90		0,494	1,05	0,97		0,824
Pyruvate dehydrogenase E1 component subunit alpha 1	P08559	PDHA1	345		7,9		3		2,17		0,081		1,48		0,157		1,19		0,545	
Pyruvate dehydrogenase E1 component subunit beta 1	P11177	PDHB	472		4,2		2		0,85		0,351		1,06		0,707		0,81		0,283	
Pyruvate kinase isozymes M1/M2	P14618	PKM2	33	137	34,7	17,7	21	6	0,99	1,22	0,923	0,073	1,18	1,02	0,013	0,812	1,10	1,11	0,178	0,313
Rab GDP dissociation inhibitor beta	P50395	GD12	204		21,4		5		1,10		0,369		1,18		0,217		1,10		0,401	

Rab11 family-interacting protein 1	Q6WKZ4	RAB11FIP1	698	357	2,7	5,5	1	3	1,98					1,06					0,86	
Radical S-adenosyl methionine domain-containing 1	Q8WXG1	RSAD2	361	684	10	11,6	3	2	1,04	1,22	0,935		8,98	7,78	0,109		6,88	6,16	0,109	
Ragulator complex protein LAMTOR1	Q6IAA8	LAMTOR1	751	514	8,1	15,5	1	2	2,42	0,94			3,10	0,98			2,64	0,94		
Ran-specific GTPase-activating protein	P43487	RANBP1	331	313	15,4	17,9	3	3	1,20			0,172		1,06		0,872		1,10	0,866	
Ras GTPase-activating protein-binding protein 2	Q9UN86	G3BP2		300		8,7		3	0,76			0,454		0,89		0,639		0,94	0,597	
Ras GTPase-activating-like protein IQGAP1	P46940	IQGAP1	14	151	19,7	9,7	25	6	0,59	0,56	0,000	0,001	0,66	0,72	0,000	0,027	0,83	0,63	0,040	0,005
Ras suppressor protein 1	Q15404	RSU1	480	807	13	20,6	2	2	0,92	1,22			0,83	1,05			0,96	0,99		
Ras-related C3 botulinum toxin substrate 2	P15153	RAC2	360	362	28,1	19,3	3	3	0,83	1,08	0,281	0,768	0,92	0,89	0,575	0,488	0,94	0,96	0,551	0,860
Ras-related protein Rab-10	P61026	RAB10	508	623	31	23	6	3	1,37				1,43		0,181		1,11		0,676	
Ras-related protein Rab-11B	Q15907	RAB11B	90	201	35,8	23,9	8	5	0,93	0,93	0,341	0,533	0,82	0,98	0,045	0,816	0,74	1,05	0,020	0,741
Ras-related protein Rab-14	P61106	RAB14	668	682	18,6	11,6	2	2	0,84				1,10				0,75			
Ras-related protein Rab-1A	P62820	RAB1A	71	180	41,5	42,4	12	6	1,81	1,39		0,538	1,86	1,58		0,256	1,62	1,30		0,472
Ras-related protein Rab-1B	Q9H0U4	RAB1B	797		44,3		9													
Ras-related protein Rab-27A	P51159	RAB27A	664		11,8		2													
Ras-related protein Rab-2A	P61019	RAB2A	309		34,9		3		1,08				1,13				0,74			
Ras-related protein Rab-5C	P51148	RAB5C	298	435	23,2	24,1	3	2	0,73				0,90				0,90			
Ras-related protein Rab-6A	P20340	RAB6A	611		28,9		2		1,38		0,304		1,37		0,436		1,38		0,352	
Ras-related protein Rab-7a	P51149	RAB7A	157	488	35,3	11,6	6	2	1,07	1,08	0,645	0,632	1,18	1,15	0,301	0,786	0,95	0,92	0,820	0,732
Ras-related protein Ral-A	P11233	RALA	531		10,7		3		2,12				1,37				2,37			
Ras-related protein Rap-1b	P61224	RAP1B	236	423	44,6	37	7	2	0,84	0,86	0,214	0,366	1,08	0,86	0,444	0,438	0,97	0,88	0,744	0,415
Receptor expression-enhancing protein 5	Q00765	REEP5	341	359	18,5	18,5	3	3	1,24	1,70	0,350	0,119	0,71	1,03	0,364	0,820	0,83	1,19	0,090	0,339
Redox-regulatory protein FAM213A	Q9BRX8	FAM213A	494		12,2		2		1,11				0,75				0,96			
Regulator of G-protein signaling 10	O43665	RGS10		512		9,2		2		1,14				0,80				0,87		
Regulator of microtubule dynamics protein 3	Q96TC7	FAM82A2		528		6,2		2												
Reticulocalbin-1	Q15293	RCN1	398	171	14,5	21,8	4	6	1,05	1,14		0,394	1,10	1,13		0,302	1,05	1,15		0,293
Reticulocalbin-2	Q14257	RCN2		366		12,9		3												
Reticulon-1	Q16799	RTN1	116	45	14,1	23,6	8	15	0,92	1,40	0,715	0,120	1,01	1,16	0,965	0,244	0,97	1,16	0,833	0,561
Reticulon-3	O95197	RTN3	535	370	5	3,9	1	2	1,19	1,46		0,174	1,03	1,11		0,644	1,21	1,04		0,935
Reticulon-4	Q9NQC3	RTN4	614	196	4	12,7	1	12	1,74	1,63		0,054	2,10	1,06		0,755	2,19	1,24		0,327
Retinoid-inducible serine carboxypeptidase	Q9HB40	SCPEP1	359	265	8,4	11,7	3	4	1,13	1,12	0,387	0,498	1,30	1,47	0,163	0,065	1,09	1,36	0,590	0,061
Rho GDP-dissociation inhibitor 1	P52565	ARHGDI1	420	635	27	10,3	2	1	0,94					0,92				0,90		
Rho GDP-dissociation inhibitor 2	P52566	ARHGDI2		278		25,4		3	1,59			0,486		0,99		0,983		1,11		0,490
Rho guanine nucleotide exchange factor 1	Q92888	ARHGEF1		501		5,6		2												
Rho-related GTP-binding protein RhoG	P84095	RHOG	265		31,9		4		0,84		0,338		0,95		0,705		0,80		0,465	
Ribonuclease inhibitor	P13489	RNH1	526		3,5		2		1,01				0,95				0,98			
Ribonuclease K6	Q93091	RNASE6		560		10		2	0,78					0,99				0,95		
Ribonuclease T2	O00584	RNASET2	778	519	2,7	11,7	1	2	0,54					1,30				0,70		
Ribosome-binding protein 1	Q9P2E9	RRBP1	12	7	24,7	33,6	26	35	1,06	0,85	0,469	0,016	1,04	1,22	0,554	0,018	1,02	0,96	0,765	0,420
RNA-binding motif protein, X chromosome	P38159	RBMX	448	327	7,9	14,3	2	3	1,71	1,81	0,400	0,106	1,53	2,32	0,204	0,075	1,48	1,90	0,438	0,098
RNA-binding protein EWS	Q01844	EWSR1	686	681	3,5	5,2	1	3	0,67					0,75				0,68		
RNA-binding protein FUS	P35637	FUS	374	257	18,1	18,3	2	4	0,87	0,81	0,481		0,81	1,03	0,473		0,99	0,94	0,962	
SAM domain and HD domain-containing protein 1	Q9Y3Z3	SAMHD1	223	104	12,8	18,5	5	9	0,98	0,80	0,803	0,459	0,94	0,83	0,496	0,154	1,18	0,81	0,257	0,115
Sarcoplasmic/endoplasmic reticulum calcium ATPase	P16615	ATP2A2	425	725	3,7	2,2	2	1	0,89					1,36				1,15		
Serine hydroxymethyltransferase, mitochondrial	P34897	SHMT2	199		14,1		5		1,03		0,849		1,09		0,571		1,19		0,333	
Serine/arginine-rich splicing factor 8	Q9BRL6	SRSF8		559		12,1		2	0,79			0,400		0,78		0,251		0,85		0,507
Serine/threonine-protein kinase PAK 2	Q13177	PAK2	643	295	6,1	10,7	1	4	1,09			0,756		0,79		0,253		1,21		0,503
Serine/threonine-protein kinaseR1	O95747	OXSRI		530		13,1		3	0,61			0,126		0,93		0,706		0,86		0,366

Serine/threonine-protein phosphatase 6 regulatory subunit 1	Q9UPN7	PPP6R1	760			2		2												
Serine/threonine-protein phosphatase PP1-alpha catalytic subunit	P62136	PPP1CA	295	12,1			3		0,74	0,067		0,85		0,180		0,93			0,470	
Serotransferrin	P02787	TF	305	99	7,7	16,9	3	8	0,36	0,59	0,027	0,017	0,79	1,05	0,305	0,534	0,66	0,97	0,038	0,606
Serum albumin	P02768	ALB	23	11	32,5	41,5	28	57	1,45	1,67	0,000	0,000	1,55	1,41	0,000	0,000	1,20	1,21	0,001	0,000
SH3 domain-binding glutamic acid-rich-like protein 1	O75368	SH3BGRL	242	127	36	62,3	4	12	0,91	0,88	0,614	0,151	1,08	0,90	0,703	0,191	0,97	0,87	0,784	0,181
SH3 domain-binding glutamic acid-rich-like protein 2	Q9H299	SH3BGRL3		270		37,6		6		0,80		0,422		0,70		0,242			0,79	0,287
Shootin-1	A0MZ66	KIAA1598	693	156	4,6	11,4	1	6	0,63	0,90		0,431	0,66	0,80		0,094		0,83	0,95	0,534
Signal peptidase complex catalytic subunit SEC11A	P67812	SEC11A	422		12,3			2	1,64		0,230		1,05		0,736		0,87			0,398
Signal recognition particle receptor subunit alpha	P08240	SRPR	804	615	6,1	8,2	2	1		1,11				0,92					1,29	
Signal recognition particle receptor subunit beta	Q9Y5M8	SRPRB	404		34,7			2	0,76		0,292		0,91		0,517		0,69			0,163
Single-stranded DNA-binding protein, mitochondrial	Q04837	SSBP1	532			14,9		2		1,11				0,97					1,11	
Small ubiquitin-related modifier 1	P63165	SUMO1	434			39,6		2		0,60				0,97					0,52	
Small ubiquitin-related modifier 2	P61956	SUMO2	727	500	23,2	23,2	1	3	0,58	0,59		0,180	0,63	0,59		0,238	0,71	0,60		0,405
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit alpha	P05023	ATP1A1	46	197	17	10,3	13	5	0,93	0,66	0,381	0,362	0,87	0,96	0,496	0,837	0,85	0,75	0,378	0,456
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit beta	P54709	ATP1B3	379	390	16,1	15,8	3	2	0,86	1,10	0,201	0,724	0,91	1,21	0,368	0,155	0,88	1,07	0,261	0,778
Solute carrier family 15 member 3	Q8IY34	SLC15A3	671	691	2,2	5,7	2	1	0,70	0,67			1,00	1,13			1,01	0,84		
Sorting nexin-2	O60749	SNX2	606	385	10,8	13,9	3	4	0,80	1,06	0,694	0,552	0,74	0,90	0,201	0,522	0,75	0,98	0,730	0,923
Sorting nexin-3	O60493	SNX3	365			21		3		0,83		0,319		0,62		0,130		0,88		0,539
Sorting nexin-5	Q9Y5X3	SNX5	118			28,7		7		0,89		0,531		1,02		0,915		0,93		0,466
Sorting nexin-6	Q9UNH7	SNX6	548			10,8		2												
Sperm-specific antigen 2	P28290	SSFA2	542			4,1		2												
S-phase kinase-associated protein 1	P63208	SKP1	411			16		2		0,83		0,426		0,86		0,382		1,00		0,977
Splicing factor 1	Q15637	SF1	497			4,5		2		0,79				1,21				0,93		
Splicing factor 3B subunit 1	O75533	SF3B1	607	400	4,8	8,4	1	2		1,53				1,67				1,17		
Splicing factor 3B subunit 2	Q13435	SF3B2	675	253	5,6	8,3	1	5		0,92		0,753		1,29		0,277		0,94		0,578
SRA stem-loop-interacting RNA-binding protein, mitochondrial	Q9GZT3	SLIRP	509	389	39,5	44	2	2	0,63	0,99		0,979	0,95	1,09		0,753	0,92	0,90		0,794
Src substrate cortactin	Q14247	CTTN	311			10,6		4		0,98		0,929		1,11		0,384		1,20		0,368
Stathmin	P16949	STMN1	370	178	30,9	45	3	6		0,90		0,258		0,80		0,219		0,83		0,170
Sterol 26-hydroxylase, mitochondrial	Q02318	CYP27A1	66			20,9		13	1,25		0,055		1,21		0,245		0,98			0,738
Stomatin-like protein 2	Q9UJZ1	STOML2	401	478	19,1	9,3	2	2	1,09	1,28	0,562		0,94	1,30	0,641		0,90	1,36		0,666
Stress-70 protein, mitochondrial	P38646	HSPA9	10	17	46	39,9	33	27	1,17	1,28	0,011	0,020	1,10	1,13	0,030	0,305	0,98	1,16	0,672	0,060
Stress-induced-phosphoprotein 1	P31948	STIP1	40	16	24,3	38,1	16	29	0,80	1,02	0,006	0,694	0,85	0,95	0,011	0,500	0,92	0,98	0,207	0,637
Striatin	O43815	STRN	735	245	2,4	8,1	1	4	0,77	0,95			1,27	0,82			0,69	0,77		
Stromal interaction molecule 1	Q13586	STIM1	399			7,2		2		1,49				1,34				1,00		
Succinate dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur subunit	P21912	SDHB	338	289	22,5	19,6	3	3	1,17	1,26	0,132	0,301	0,98	1,43	0,910	0,137	0,91	1,02	0,648	0,906
Succinyl-CoA ligase [ADP-forming] subunit beta, nuclear	Q9P2R7	SUCLA2	427	649	8,4	5	2	1	0,98		0,924		1,02		0,931		1,52			0,148
Succinyl-CoA ligase [GDP-forming] subunit beta, nuclear	Q96I99	SUCLG2	442	454	3,9	6	2	2	1,06	1,12	0,689		1,02	1,38	0,889		1,00	1,54		0,987
Sulfide:quinone oxidoreductase, mitochondrial	Q9Y6N5	SQRDL	31	38	44,7	33,3	16	17	1,21	0,73	0,041	0,003	1,19	1,23	0,003	0,066	1,06	0,91	0,435	0,136
Superoxide dismutase [Cu-Zn]	P00441	SOD1	536	161	24,7	40,3	1	6	0,79	1,02	0,484	0,816	0,91	0,89	0,812	0,209	1,04	0,94	0,836	0,475
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	P04179	SOD2	143	139	25,2	32	9	7	1,26	1,27	0,006	0,005	1,27	1,44	0,006	0,002	1,26	1,58	0,007	0,000
Synaptic vesicle membrane protein VAT-1 homolog	Q99536	VAT1	261	481	29	7,9	6	2	0,58		0,010		0,56		0,011		0,69			0,020
Synaptosomal-associated protein 23	O00161	SNAP23	776	409	6,2	22,8	1	2		0,99		0,944		1,09		0,784		0,98		0,941
Synaptosomal-associated protein 29	O95721	SNAP29		367		26,7		3		0,92		0,683		0,74		0,312		0,98		0,868
Syntaxin-12	Q86Y82	STX12	314	406	14,1	15,6	3	2	1,16	0,83	0,509		1,33	1,20	0,210		1,12	1,04		0,651
Syntaxin-4	Q12846	STX4	826	484	9,1	7,4	1	2												
Syntaxin-7	O15400	STX7	192	185	24,5	27,2	7	7		0,97				1,02				0,82		
Syntaxin-binding protein 2	Q15833	STXBP2	201		13			5	0,74		0,346		1,11		0,764		1,06			0,840

Talin-1	Q9Y490	TLN1	26	83	16,2	8,3	21	8	0,87	0,71	0,347	0,012	0,80	0,84	0,159	0,220	0,86	0,93	0,287	0,700
Tapasin	O15533	TAPBP	262		13		5		1,11		0,362		1,23		0,142		1,17		0,408	
TATA-binding protein-associated factor 2N	Q92804	TAF15		672		12,7		4												
T-complex protein 1 subunit alpha	P17987	TCP1	468	588	11,3	10,6	2	3	0,57	0,64			0,97	1,01			0,78	0,85		
T-complex protein 1 subunit beta	P78371	CCT2	172	805	19,4	5,4	6	2	0,72	1,53			0,90	2,35			0,86	1,99		
T-complex protein 1 subunit delta	P50991	CCT4	188		14,5		6		1,13		0,426		0,95		0,685		1,18		0,349	
T-complex protein 1 subunit epsilon	P48643	CCT5	501	473	5,7	4,1	3	2	1,30	1,27	0,357	0,254	1,42	1,92	0,335	0,096	1,22	1,57	0,509	0,138
T-complex protein 1 subunit gamma	P49368	CCT3	128	388	19,3	10,3	6	2	1,09	1,84	0,425	0,136	1,10	1,81	0,220	0,075	1,04	1,70	0,598	0,329
T-complex protein 1 subunit theta	P50990	CCT8	182		15,9		6		0,96		0,620		0,88		0,162		0,97		0,722	
T-complex protein 1 subunit zeta	P40227	CCT6A	371	606	14,9	15,1	4	2	0,81	0,63		0,571	0,59	0,85		0,707	1,14	0,95		0,856
Tetratricopeptide repeat protein 1	Q99614	TTC1		421		13,7		2			1,28							0,92		
Thioredoxin	P10599	TXN	388	184	42,9	41,9	4	13	0,85	0,98	0,350	0,865	1,12	1,06	0,472	0,560	1,07	1,11	0,620	0,353
Thioredoxin domain-containing protein 12	O95881	TXNDC12	319	335	26,7	26,7	4	5	1,04	1,17	0,778	0,365	0,97	1,14	0,827	0,427	0,96	1,11	0,842	0,495
Thioredoxin domain-containing protein 17	Q9BRA2	TXNDC17		480		15,5		2			1,14							1,05		
Thioredoxin domain-containing protein 5	Q8NBS9	TXNDC5	134	148	22,7	22,5	9	6	1,31	1,09	0,131	0,214	0,94	1,06	0,503	0,562	0,87	0,99	0,174	0,887
Thioredoxin-dependent peroxide reductase, mitochondria	P30048	PRDX3	58	77	35,9	32,4	13	11	1,26	1,22	0,143	0,396	1,05	1,09	0,849	0,782	1,05	1,08	0,692	0,773
Thymidine phosphorylase	P19971	TYMP	107	279	24,5	20,3	10	3	1,19	1,05	0,102	0,680	1,31	1,33	0,245	0,058	1,46	1,40	0,021	0,033
Thymosin beta-4	P62328	TMSB4X		319		61,4		5			0,78							0,86		
Torsin-1A-interacting protein 1	Q5JTV8	TOR1AIP1	378	431	5,8	2,2	2	2	1,56		0,141		1,24		0,303		1,34		0,384	
Trans-2,3-enoyl-CoA reductase	Q9NZ01	TECR	304	405	14,9	8,8	3	3	0,83	0,49	0,319		1,16	1,30	0,670		1,20	0,77	0,326	
Transaldolase	P37837	TALDO1	94	92	26,7	27,6	9	8	1,02	1,13	0,919	0,412	1,10	1,03	0,591	0,834	1,08	1,17	0,521	0,319
Transcription factor BTF3 homolog 4	Q96K17	BTF3L4		330		12,7		3			1,04		0,925		0,70		0,317		0,99	0,933
Transcription intermediary factor 1-beta	Q13263	TRIM28		378		12,3		4												
Transferrin receptor protein 1	P02786	TFRC	111	415	15,8	8,6	8	2	0,45		0,021		1,13		0,587		0,89		0,205	
Transforming acidic coiled-coil-containing protein 1	O75410	TACC1	464	86	1,9	22,5	2	9	1,04	0,75	0,863	0,292	1,01	0,78	0,963	0,109	0,90	0,87	0,467	0,140
Transforming protein RhoA	P61586	RHOA	561	381	11,9	16,1	2	2	0,86	0,72	0,363	0,189	0,97	0,82	0,819	0,306	1,00	0,93	0,975	0,599
Transgelin-2	P37802	TAGLN2	183	79	31,7	35,2	8	16	1,04	0,96	0,676	0,640	0,93	0,91	0,460	0,223	1,08	0,99	0,455	0,901
Transitional endoplasmic reticulum ATPase	P55072	VCP	84		19		9		0,87		0,197		0,95		0,789		1,07		0,535	
Transketolase	P29401	TKT	130		18,6		6		1,28		0,068		1,24		0,060		1,38		0,010	
Translationally-controlled tumor protein	P13693	TPT1		383		20,9		3		0,87		0,684		1,28		0,383		1,48		0,393
Translocation protein SEC62	Q99442	SEC62	428	505	7	5,5	2	2	1,01	1,18	0,971		1,00	1,05	0,986		1,05	0,85	0,723	
Translocation protein SEC63 homolog	Q9UGP8	SEC63	434	728	6,6	3	2	1	1,27		0,363		1,45		0,179		0,91		0,511	
Translocator protein	P30536	TSPO	477		9,5		2		1,24		0,274		1,11		0,487		1,05		0,792	
Translocon-associated protein subunit alpha	P43307	SSR1	461	374	6,6	17,1	2	3	1,06	1,14	0,695	0,434	0,90	1,16	0,523	0,390	0,92	1,22	0,605	0,313
Transmembrane emp24 domain-containing protein 1	P49755	TMED10	286	656	23,7	21,9	4	1	1,17		0,696		1,14		0,175		1,21		0,356	
Transmembrane emp24 domain-containing protein 4	Q7Z7H5	TMED4	666		11,5		2													
Transmembrane emp24 domain-containing protein 7	Q9Y3B3	TMED7	457		9,8		2													
Transmembrane emp24 domain-containing protein 9	Q9BVK6	TMED9	409	301	25,1	23,8	4	4		0,88		0,476		1,17		0,432		1,19		0,546
Transmembrane glycoprotein NMB	Q14956	GPNMB	673	136	5,6	14,9	3	9	0,79	0,43		0,405	0,77	0,74		0,285	0,85	0,71		0,396
Transmembrane protein 43	Q9BTV4	TMEM43	481		16,8		2													
Tricarboxylate transport protein, mitochondrial	P53007	SLC25A1	553	776	7,7	3,5	2	1	1,93	1,03			1,25	1,20			1,26	0,93		
Trifunctional enzyme subunit alpha, mitochondrial	P40939	HADHA	97		13,4		8		1,20		0,111		1,38		0,008		1,06		0,631	
Trifunctional enzyme subunit beta, mitochondrial	P55084	HADHB	52	580	32,5	9,5	13	1	1,04	0,89	0,670	0,829	0,98	0,86	0,795	0,444	1,04	0,90	0,533	0,783
Triosephosphate isomerase	P60174	TPPI	91	102	35,3	41,6	9	9	0,97	0,88	0,760	0,574	1,04	0,98	0,558	0,785	0,95	0,83	0,436	0,135
Tripeptidyl-peptidase 1	O14773	TPP1	193	93	9,9	17,6	6	9	0,97	0,70	0,776	0,394	0,90	0,87	0,323	0,537	0,81	0,83	0,130	0,305
Tropomodulin-3	Q9NYL9	TMOD3	549	214	16,5	27	1	5	1,06	0,59	0,684	0,063	0,91	0,94	0,501	0,696	1,26	0,86	0,259	0,513
Tropomyosin alpha-3 chain	P06753	TPM3	228	113	32	33,1	11	22	1,06	0,96	0,627	0,619	0,75	0,74	0,078	0,028	0,99	0,98	0,924	0,817



Tropomyosin alpha-4 chain	P67936	TPM4	43	25	43,6	52	12	28	1,11	0,98	0,496	0,828	1,06	0,94	0,737	0,457	1,28	1,06	0,051	0,476
Trypsin-2	P07478	PRSS2		448		17,8		5												
Tryptophan--tRNA ligase, cytoplasmic	P23381	WARS	142	286	18,3	12,1	7	4	1,12	0,85	0,400	0,262	1,63	1,11	0,031	0,599	1,36	1,32	0,176	0,076
Tubulin alpha-1C chain	Q9BQE3	TUBA1C	48	49	31	29,8	15	17	1,19	0,98	0,424	0,875	1,10	1,03	0,661	0,720	1,19	0,93	0,330	0,486
Tubulin alpha-4A chain	P68366	TUBA4A	658		30,1		9		1,01				0,84				1,03			
Tubulin beta chain	P07437	TUBB	34	34	33,8	34,2	25	25	0,87	0,59	0,663	0,119	0,86	0,82	0,498	0,290	1,17	0,86	0,213	0,360
Tubulin beta-1 chain	Q9H4B7	TUBB1		669		16,4		7												
Tubulin beta-4B chain	P68371	TUBB4B	418	427	33,7	30,6	20	19			0,93		0,768		0,94		0,766		0,96	0,772
Tubulin beta-6 chain	Q9BUF5	TUBB6		668		18,2		8												
Tubulin-specific chaperone A	O75347	TBCA		336		24,1		3		1,37		0,253		1,02		0,948		1,23		0,328
Tumor necrosis factor receptor superfamily member	P25942	CD40		540		6,5		2		1,08		0,587		1,56		0,139		1,17		0,381
Tumor protein D54	O43399	TPD52L2		299		23,8		3		1,48				0,78				1,01		
Twinfilin-2	Q6IBS0	TWF2	612	699	10,9	7,7	2	1												
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 1	P18031	PTPN1		781		4,6		2		1,28				1,03				1,36		
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 12	Q05209	PTPN12		506		6,5		3		1,37				1,57					1,04	
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 6	P29350	PTPN6	317		5,7		3		0,70					0,65				0,80		
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type sub	P78324	SIRPA	215	223	15,3	16,5	5	5	0,50	0,98		0,956	0,68	1,11		0,773	0,73	1,20		0,600
U6 snRNA-associated Sm-like protein LSm3	P62310	LSM3		439		24,5		2		0,91				0,93				1,23		
Ubiquilin-1	Q9UMX0	UBQLN1		445		8		3												
Ubiquitin-40S ribosomal protein S27a	P62979	RPS27A	109		41		12		0,64		0,021		0,92		0,542		0,98		0,881	
Ubiquitin-60S ribosomal protein L40	P62987	UBA52		90		64,1		16	0,71		0,025		0,87		0,190		0,86		0,152	
Ubiquitin-associated protein 2-like	Q14157	UBAP2L		410		5,3		3	1,10				0,73				0,90			
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 L3	P68036	UBE2L3	315	224	17,5	27,3	3	4	1,10	1,07	0,709	0,490	1,10	0,72	0,710	0,054	1,12	0,98	0,754	0,834
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 N	P61088	UBE2N	255	298	33,6	40,1	4	3	1,39				1,97				1,33			
Ubiquitin-fold modifier 1	P61960	UFM1	441	363	31,8	42,4	2	3	0,82	1,02		0,825	0,92	0,93		0,695	1,10	0,94		0,749
Ubiquitin-like protein ISG15	P05161	ISG15	575	339	18,8	20,6	1	3	0,40				4,17				5,34			
Ubiquitin-like-conjugating enzyme ATG3	Q9NT62	ATG3		456		8,3		2		0,95				1,20					1,51	
UBX domain-containing protein 4	Q92575	UBXN4		537		7,3		2		0,83		0,751		1,15		0,390		1,06		0,809
UMP-CMP kinase	P30085	CMPK1		466		12,8		2		1,12				0,91				1,00		
Uncharacterized protein C1orf31	Q5JTT3	C1orf31		451		24,8		2		2,01				1,06				1,79		
UPF0368 protein Cxorf26	Q9BVG4	CXorf26	819	527	12,9	16,7	1	2	1,14					0,55				0,76		
Utrophin	P46939	UTRN		552		3		2												
UV excision repair protein RAD23 homolog A	P54725	RAD23A		675		6,6		2		0,93				1,28				0,76		
UV excision repair protein RAD23 homolog B	P54727	RAD23B	384	129	10,5	13	3	7	0,63	0,75	0,137	0,075	0,66	0,85	0,154	0,102	0,85	0,83	0,479	0,215
Vacuolar protein sorting-associated protein 35	Q96QK1	VPS35	467		6,3		2		0,93		0,803		0,93		0,623		1,00		0,999	
Vacuolar protein sorting-associated protein 4A	Q9UN37	VPS4A		567		4,1		2		1,15				0,91				1,00		
WAS/WASL-interacting protein family member 1	O43516	WIPF1		508		3,8		2		1,08		0,803		0,85		0,358		1,08		0,628
WASH complex subunit FAM21C	Q9Y4E1	FAM21C		303		8,6		3		0,87				0,57				1,03		
Vasodilator-stimulated phosphoprotein	P50552	VASP	603	355	6,1	16,3	1	4	0,67	0,75			0,86	1,00				1,13	0,85	
Very long-chain specific acyl-CoA dehydrogenase, 1	P49748	ACADVL	103	602	20,2	8,7	9	1	0,97	0,73	0,714		0,95	0,84	0,590		0,90	1,11	0,455	
Vesicle transport through interaction with t-SNARE	Q9UEU0	VTI1B		499		21,6		2		1,00				0,68				0,97		
Vesicle-associated membrane protein-associated prc	Q9P0L0	VAPA	158	189	23,3	20,5	8	7	1,43	0,85		0,345	1,18	1,19		0,625	1,13	0,85		0,442
Vesicle-associated membrane protein-associated prc	O95292	VAPB	669	676	15,2	15,2	3	2		1,35				1,36				1,45		
Vesicle-fusing ATPase	P46459	NSF		126		17,2		7		1,29		0,077		1,21		0,097		1,05		0,619
Vesicle-trafficking protein SEC22b	O75396	SEC22B	270	320	29,8	20,5	4	4	1,87	1,57			1,10	0,91			0,90	0,97		
Vesicular integral-membrane protein VIP36	Q12907	LMAN2		278		20,5		4		1,10		0,520		1,04		0,919		1,10		0,521
Vimentin	P08670	VIM	2	2	69,3	74,5	257	339	1,31	1,29	0,000	0,000	1,35	1,43	0,000	0,000	1,40	1,28	0,000	0,000

Vinculin	P18206	VCL	112	393	14,4	4,8	7	2	0,79	0,87	0,332	0,624	0,89	1,01	0,510	0,988	0,90	0,70	0,607	0,346
Wiskott-Aldrich syndrome protein family member 2	Q9Y6W5	WASF2		462		12,1		2		1,00		0,990		0,44		0,081		0,76		0,230
Wolframin	O76024	WFS1		634		4,6		2		0,78				0,74				0,75		
Voltage-dependent anion-selective channel protein 1	P21796	VDAC1	202	294	37,1	17,7	7	3	1,07	1,27	0,482	0,417	1,02	1,16	0,796	0,388	1,07	1,33	0,571	0,077
Voltage-dependent anion-selective channel protein 2	P45880	VDAC2	433		9,5		3		2,04				1,85				1,40			
V-type proton ATPase 116 kDa subunit a isoform 3	Q13488	TCIRG1	252		10,5		4		1,60		0,158		1,35		0,204		1,02		0,848	
V-type proton ATPase catalytic subunit A	P38606	ATP6V1A	108		16,2		8		1,09		0,462		1,03		0,766		1,21		0,182	
V-type proton ATPase subunit B, brain isoform	P21281	ATP6V1B2	234		20		4		0,41				0,71				0,98			
V-type proton ATPase subunit C 1	P21283	ATP6V1C1	246	531	12,6	9,4	4	2	0,95	1,25	0,522		0,97	1,23	0,747		0,96	0,78	0,582	
V-type proton ATPase subunit D	Q9Y5K8	ATP6V1D	224	380	21,1	15	4	2	1,01		0,942		0,95		0,701		0,98		0,921	
V-type proton ATPase subunit E 1	P36543	ATP6V1E1	275	142	16,4	30,5	6	10	1,01	1,13	0,973	0,456	1,37	1,05	0,247	0,690	0,98	1,17	0,939	0,219
V-type proton ATPase subunit F	Q16864	ATP6V1F	320	483	25,2	17,7	3	2	1,47	0,73			0,81	1,12			1,07	1,46		
V-type proton ATPase subunit G 1	O75348	ATP6V1G1	393	296	34,8	31,4	3	5	1,06	0,89	0,805	0,354	1,14	0,83	0,828	0,159	1,02	0,90	0,969	0,319
V-type proton ATPase subunit S1	Q15904	ATP6AP1	521		7,7		2		1,19		0,536		1,02		0,903		1,04		0,886	
X-ray repair cross-complementing protein 5	P13010	XRCC5	487	261	10,4	8,5	3	5	0,86	1,10		0,669	0,51	0,81		0,319	0,80	0,99		0,888
X-ray repair cross-complementing protein 6	P12956	XRCC6	259		10,3		4		0,71		0,429		0,77		0,439		1,03		0,914	
Zinc finger FYVE domain-containing protein 16	Q7Z3T8	ZFYVE16		387		3,2		3	0,97		0,913		0,81		0,119		0,99		0,951	
Zyxin	Q15942	ZYX		200		15,9		6	7,07		0,045		1,01		0,982		3,73		0,073	

HSV-1 proteins

Protein name	SwissProt Acc. No.	Gene name	N		% Seq Cov		Pept(95%)		HSV-1				dLeu				d3-4			
			Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Fold change		P-value		Fold change		P-value		Fold change		P-value	
									Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2
Alkaline nuclease	P04294	UL12	117	707	16,8	10,2	6	1	3,20		0,326		1,83		0,625		3,15		0,293	
Alpha trans-inducing factor 78 kDa protein	P10230	UL46	391	73	6,4	15,7	2	8	9,98	16,23		0,072	4,18	2,06		0,422	7,91	10,16		0,109
Capsid assembly protein UL37	P10221	UL37	46	151	20,6	12,4	10	5	7,10	20,46	0,000		1,06	4,06	0,685		2,70	7,57	0,005	
Deoxyuridine 5'-triphosphate nucleotidohydrolase	P10234	UL50	181	468	27,8	11,6	4	2	3,90	3,76	0,016	0,049	3,03	4,28	0,006	0,199	2,08	2,84	0,013	0,185
Envelope glycoprotein B	P06437	gB	37	342	25,9	14,2	13	2	7,53	5,16	0,004		1,58	0,37	0,059		2,49	0,81	0,015	
Envelope glycoprotein D	Q05059	gD	152	189	20,1	15	5	5	14,36	8,83	0,013	0,010	3,24	1,48	0,023	0,130	6,17	3,80	0,035	0,039
Envelope glycoprotein E	P04488	gE	214	139	16,7	19,5	5	6	4,96	5,24	0,074	0,172	1,98	1,09	0,094	0,951	2,61	1,92	0,130	0,604
Envelope glycoprotein H	P08356	gH	244		11,5		4		43,77				5,39				8,70			
Major capsid protein	P06491	UL19	48	135	17,5	14,1	11	6	9,54	11,25	0,017		1,61	1,01	0,631		5,82	6,17	0,038	
Protein US2	P06485	US2	259		17,9		3		6,33		0,242		1,90		0,728		1,97		0,689	
Ribonucleoside-diphosphate reductase large subunit	P08543	UL39	49	90	18,1	14,9	9	11	5,07		0,000		3,01		0,000		5,33		0,000	
Tegument protein UL47	P10231	UL47	457		17,0		2													
Tegument protein VP16	P04486	UL48	148	157	23,5	16,3	6	5	5,43	5,27	0,053	0,365	1,56	1,07	0,420	0,956	2,49	2,04	0,134	0,590
Tegument protein VP22	P10233	UL49	306	407	40,2	20,6	3	2												
Trans-acting transcriptional protein ICP4	P08392	ICP4	543	184	13,9	18,6	2	6												
Transcriptional regulator ICP27	P10238	UL54	251	279	26,2	17,8	3	5	13,04	11,33			11,54	7,63			9,83	7,67		
Virion egress protein UL34	P10218	UL34	452		13,8		3		11,48		0,026		4,06		0,046		7,98		0,052	

Supplementary TABLE 2. Quantitative MS-based proteomic results from the macrophage cytosolic proteomes for the two biological replicates combined

Protein name	Human proteins										
	SwissProt Acc. No.	Genetrail ID	N	% Seq Cov	Pept(95%)	wt HSV-1		dLeu		d3-4	
						Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value
Neuroblast differentiation-associated protein AHNAK	Q09666	AHNAK	1	73,1	465	1,15	0,000	0,99	0,702	1,01	0,613
Vimentin	P08670	VIM	2	74,7	394	1,28	0,000	1,39	0,000	1,29	0,000
Actin, cytoplasmic 1	P60709	ACTB	5	69,3	161	0,94	0,273	0,88	0,063	1,07	0,231
60 kDa heat shock protein, mitochondrial	P10809	HSPD1	6	55,9	87	1,20	0,021	1,18	0,086	1,07	0,280
Plectin	Q15149	PLEC	3	32,2	79	0,91	0,116	1,17	0,000	1,10	0,034
Filamin-A	P21333	FLNA	4	35,5	70	0,84	0,000	0,93	0,089	0,98	0,688
Protein disulfide-isomerase	P07237	P4HB	9	67,7	68	1,34	0,000	1,12	0,002	1,06	0,170
Serum albumin	P02768	ALB	10	42,2	66	1,58	0,000	1,46	0,000	1,18	0,000
78 kDa glucose-regulated protein	P11021	HSPA5	7	52	65	1,32	0,000	1,09	0,023	1,10	0,027
Plastin-2	P13796	LCPI	8	53,9	64	0,92	0,129	0,96	0,537	1,00	0,975
ATP synthase subunit beta, mitochondrial	P06576	ATP5B	21	52	51	1,24	0,018	1,17	0,021	1,06	0,622
Heat shock cognate 71 kDa protein	P11142	HSPA8	25	48,9	51	1,07	0,241	1,01	0,837	1,16	0,014
Calreticulin	P27797	CALR	28	48,7	48	1,10	0,575	1,03	0,873	0,95	0,751
Protein disulfide-isomerase A3	P30101	PDIA3	20	44,6	47	1,31	0,000	1,12	0,007	1,06	0,125
Endoplasmic	P14625	HSP90B1	14	35	46	1,30	0,004	1,18	0,029	1,13	0,006
Integrin beta-2	P05107	ITGB2	16	38,5	46	0,86	0,013	0,93	0,283	0,88	0,006
Putative beta-actin-like protein 3	Q9BYX7	POTEKP	849	41,6	44	1,08		1,42		1,45	
Stress-70 protein, mitochondrial	P38646	HSPA9	12	47,9	41	1,24	0,001	1,13	0,100	1,07	0,157
Hemoglobin subunit beta	P68871	HBB	52	72,8	41	1,40	0,025	1,42	0,023	1,09	0,345
Apolipoprotein B receptor	Q0VD83	APOBR	15	39,7	40	1,28	0,039	0,95	0,502	1,00	0,989
ATP synthase subunit alpha, mitochondrial	P25705	ATP5A1	17	41,6	38	1,37	0,000	1,47	0,001	1,27	0,001
Heat shock protein HSP 90-alpha	P08238	HSP90AB1	166	38,7	38	1,13	0,282	1,10	0,305	1,31	0,041
Ribosome-binding protein 1	Q9P2E9	RRBP1	11	35,5	37	0,91	0,252	1,14	0,067	0,95	0,342
Cofilin-1	P23528	CFL1	55	84,3	36	0,98	0,755	1,01	0,906	0,99	0,878
Gelsolin	P06396	GSN	29	40,3	35	0,85	0,017	1,20	0,001	0,94	0,128
Nestin	P48681	NES	13	27,7	34	1,13	0,291	1,20	0,055	1,12	0,115
Elongation factor 1-alpha 1	P68104	EEF1A1	27	44,2	34	1,08	0,341	0,97	0,733	1,26	0,019
Tubulin beta chain	P07437	TUBB	37	41,4	34	0,65	0,039	0,81	0,133	0,92	0,712
Protein disulfide-isomerase A4	P13667	PDIA4	18	44,2	32	1,32	0,000	1,14	0,021	1,09	0,080
Stress-induced-phosphoprotein 1	P31948	STIP1	22	43,1	32	0,93	0,181	0,91	0,175	0,92	0,052
Annexin A2	P07355	ANXA2	23	69,9	32	2,31	0,000	1,44	0,000	1,20	0,000
Heat shock protein HSP 90-alpha	P07900	HSP90AA1	31	35,1	31	1,11	0,551	1,23	0,265	1,26	0,053
Tropomyosin alpha-4 chain	P67936	TPM4	36	56,1	31	0,95	0,639	0,94	0,431	1,03	0,785
Lymphocyte-specific protein 1	P33241	LSP1	40	56,3	31	0,94	0,648	0,96	0,798	1,04	0,774
Macrophage-capping protein	P40121	CAPG	46	44,5	31	0,82	0,020	0,96	0,418	0,93	0,190
Moesin	P26038	MSN	24	44,5	29	0,70	0,075	0,83	0,016	0,91	0,399
Calmodulin	P62158	CALM1	82	82,6	28	0,83	0,057	0,84	0,067	0,81	0,038
Alpha-enolase	P06733	ENO1	34	51,8	27	1,11	0,044	1,04	0,440	1,19	0,006
Tubulin beta-4B chain	P68371	TUBB4B	574	41,1	27	0,87	0,594	0,90	0,633	0,87	0,396
Ras GTPase-activating-like protein IQGAP1	P46940	IQGAP1	19	20,7	26	0,62	0,000	0,71	0,000	0,86	0,100

Cystatin-B	P04080	CSTB	69	100	26	0,85	0,427	0,83	0,300	0,83	0,062
Alpha-actinin-1	P12814	ACTN1	26	32,9	25	0,79	0,034	0,81	0,002	0,95	0,379
Galectin-1	P09382	LGALS1	114	77	25	1,00	0,986	0,92	0,604	0,99	0,904
Cathepsin D	P07339	CTSD	45	42,5	24	0,53	0,003	1,00	1,000	0,93	0,261
Endoplasmic reticulum resident protein 29	P30040	ERP29	70	48,3	24	1,18	0,014	1,08	0,178	1,06	0,303
ATP synthase-coupling factor 6, mitochondrial	P18859	ATP5J	112	67,6	24	1,01	0,883	1,03	0,909	0,96	0,598
Calnexin	P27824	CANX	41	27,2	23	1,44	0,013	1,08	0,317	1,09	0,521
Protein disulfide-isomerase A6	Q15084	PDIA6	42	40	23	1,30	0,005	1,17	0,157	1,13	0,072
Tubulin alpha-1C chain	Q9BQE3	TUBA1C	58	34,3	23	0,99	0,969	1,07	0,643	0,99	0,950
Peroxiredoxin-1	Q06830	PRDX1	63	57,3	23	0,98	0,687	0,93	0,231	1,05	0,385
Sulfide:quinone oxidoreductase, mitochondrial	Q9Y6N5	SQRDL	30	51,6	22	1,07	0,516	1,22	0,002	1,04	0,525
Cytoskeleton-associated protein 4	Q07065	CKAP4	32	46,7	22	1,08	0,324	1,06	0,189	1,12	0,071
Alpha-2-macroglobulin receptor-associated protein	P30533	LRPAP1	35	46,8	22	0,92	0,123	1,04	0,431	0,92	0,049
Nucleobindin-1	Q02818	NUCB1	38	43,8	22	1,32	0,011	1,03	0,731	1,07	0,184
Pyruvate kinase isozymes M1/M2	P14618	PKM2	47	39	22	1,09	0,219	1,22	0,004	1,20	0,016
Lysosomal alpha-mannosidase	O00754	MAN2B1	51	25,9	22	1,05	0,691	0,98	0,835	1,01	0,923
Tropomyosin alpha-3 chain	P06753	TPM3	220	41,9	22	0,93	0,425	0,73	0,023	0,91	0,363
Hemoglobin subunit delta	P02042	HBD	617	59,9	22	0,95		1,50		1,00	
Talin-1	Q9Y490	TLN1	33	17	21	0,86	0,298	0,83	0,204	0,92	0,530
Annexin A1	P04083	ANXA1	43	58,1	21	2,84	0,000	2,14	0,000	1,76	0,001
Glucosidase 2 subunit beta	P14314	PRKCSH	50	29,7	21	1,10	0,042	0,99	0,887	0,93	0,228
Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	P04406	GAPDH	54	40,9	21	1,16	0,142	1,11	0,433	1,29	0,158
Heat shock 70 kDa protein 1A/1B	P08107	HSPA1A	132	37	21	1,34	0,002	1,19	0,239	1,16	0,235
Hemoglobin subunit alpha	P69905	HBA1	263	31	21	1,23	0,078	1,50	0,014	1,21	0,095
Fructose-bisphosphate aldolase A	P04075	ALDOA	61	44	20	1,11	0,223	0,98	0,830	1,10	0,137
Glial fibrillary acidic protein	P14136	GFAP	886	18,1	20						
LIM and SH3 domain protein 1	Q14847	LASP1	39	56,7	19	1,05	0,834	0,92	0,379	1,03	0,785
14-3-3 protein zeta/delta	P63104	YWHAZ	53	57,6	19	1,39	0,007	1,06	0,542	1,07	0,540
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase A	P62937	PPIA	99	70,9	19	0,97	0,677	0,94	0,407	1,08	0,297
Profilin-1	P07737	PFN1	101	66,4	19	1,01	0,878	0,97	0,682	0,87	0,191
10 kDa heat shock protein, mitochondrial	P61604	HSPE1	138	74,5	19	1,10	0,163	1,13	0,094	0,94	0,309
Hypoxia up-regulated protein 1	Q9Y4L1	HYOU1	49	20,8	18	1,09	0,435	1,20	0,037	1,06	0,540
Reticulon-1	Q16799	RTN1	59	27,6	18	1,25	0,281	1,11	0,367	1,06	0,815
CD44 antigen	P16070	CD44	68	14,8	18	0,91	0,582	0,93	0,528	0,92	0,510
Fructose-1,6-bisphosphatase 1	P09467	FBP1	80	36,7	18	0,94	0,544	0,98	0,895	1,02	0,802
Proactivator polypeptide	P07602	PSAP	84	27,9	18	0,52	0,041	0,96	0,598	0,74	0,007
B-cell receptor-associated protein 31	P51572	BCAP31	95	32,9	18	1,08	0,247	1,05	0,541	0,99	0,873
Transgelin-2	P37802	TAGLN2	113	40,2	18	0,95	0,611	0,90	0,189	0,98	0,739
14-3-3 protein beta/alpha	P31946	YWHAH	358	55,7	18	1,01	0,916	0,88	0,611	0,83	0,245
Malate dehydrogenase, mitochondrial	P40926	MDH2	44	49,4	17	1,25	0,124	1,17	0,173	1,04	0,750
Nucleolin	P19338	NCL	48	29	17	0,81	0,000	0,94	0,241	0,91	0,089
Citrate synthase, mitochondrial	O75390	CS	56	28,1	17	1,49	0,008	1,28	0,095	1,20	0,224
Beta-hexosaminidase subunit beta	P07686	HEXB	60	26,8	17	0,96	0,645	1,07	0,510	1,00	0,997
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase B	P23284	PPIB	62	50	17	1,00	0,991	1,01	0,919	0,99	0,867

Non-specific lipid-transfer protein	P22307	SCP2	111	15	17	0,97	0,611	0,99	0,850	0,86	0,082
60S acidic ribosomal protein P2	P05387	RPLP2	119	93	17	0,71	0,029	0,80	0,411	0,79	0,456
Ubiquitin-40S ribosomal protein S27a	P62979	RPS27A	134	57,1	17	0,68	0,032	0,90	0,384	0,89	0,603
Cathepsin B	P07858	CTSB	223	32,5	17	0,83	0,087	1,03	0,685	0,94	0,499
Thioredoxin-dependent peroxide reductase, mitochondrial	P30048	PRDX3	71	35,9	16	1,30	0,118	1,12	0,718	1,09	0,732
ADP/ATP translocase 2	P05141	SLC25A5	85	42,6	16	1,22	0,290	1,21	0,231	1,01	0,914
Leucine-rich repeat flightless-interacting protein 1	Q32MZ4	LRRFIP1	91	21,2	16	0,99	0,956	0,85	0,220	0,96	0,727
Cytochrome c	P99999	CYCS	183	50,5	16	1,10	0,301	1,13	0,166	0,99	0,891
Ezrin	P15311	EZR	302	26,1	16	0,83	0,334	1,09	0,796	1,25	0,517
EF-hand domain-containing protein D2	Q96C19	EFHD2	57	54,2	15	1,09	0,708	0,93	0,493	1,10	0,300
Apolipoprotein E	P02649	APOE	73	46,1	15	0,10	0,000	0,49	0,000	0,34	0,000
Calumenin	O43852	CALU	79	46,4	15	1,08	0,341	0,95	0,537	0,89	0,177
Transmembrane glycoprotein NMB	Q14956	GNPMB	89	17,3	15	0,45	0,461	0,72	0,272	0,67	0,384
Hsc70-interacting protein	P50502	ST13	117	26,6	15	0,93	0,165	0,92	0,135	0,97	0,553
Cytochrome c oxidase subunit 5A, mitochondrial	P20674	COX5A	143	58,7	15	1,17	0,116	1,08	0,395	1,05	0,605
Acyl-CoA-binding protein	P07108	DBI	224	59,8	15	0,89	0,288	0,84	0,162	0,98	0,845
Phosphoglycerate kinase 1	P00558	PGK1	64	38,4	14	1,12	0,071	1,09	0,151	1,20	0,010
Leucine-rich PPR motif-containing protein, mitochondrial	P42704	LRPPRC	86	19,7	14	0,98	0,951	1,04	0,853	0,98	0,954
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein K	P61978	HNRNPK	90	33,3	14	0,97	0,728	0,90	0,151	0,93	0,384
Cytochrome c oxidase subunit 5B, mitochondrial	P10606	COX5B	115	53,5	14	1,08	0,790	1,05	0,656	0,95	0,747
Thioredoxin	P10599	TXN	249	41,9	14	0,93	0,498	1,07	0,547	1,06	0,606
Tubulin alpha-4A chain	P68366	TUBA4A	848	31,3	14	1,10		0,89		1,14	
Elongation factor Tu, mitochondrial	P49411	TUFM	65	32,7	13	0,91	0,207	1,38	0,018	0,96	0,491
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit alpha-1	P05023	ATP1A1	66	19,5	13	0,89	0,142	0,91	0,677	0,87	0,480
Trifunctional enzyme subunit beta, mitochondrial	P55084	HADHB	83	33,3	13	1,14	0,147	1,03	0,599	1,15	0,068
Proteasome activator complex subunit 1	Q06323	PSME1	94	51,4	13	1,04	0,720	1,00	0,964	1,17	0,040
Ras-related protein Rab-1A	P62820	RAB1A	96	49,8	13	1,48		1,64		1,38	
Sterol 26-hydroxylase, mitochondrial	Q02318	CYP27A1	102	22,8	13	1,27	0,171	1,28	0,086	1,05	0,517
ATP synthase subunit O, mitochondrial	P48047	ATP5O	110	49,3	13	1,13	0,065	1,08	0,153	0,98	0,635
Galectin-3	P17931	LGALS3	120	41,2	13	0,97	0,755	1,01	0,850	1,06	0,483
Calpastatin	P20810	CAST	126	21,1	13	1,19	0,172	0,71	0,054	1,05	0,654
Dihydrolipoyllysine-residue succinyltransferase component of 2-ox 14-3-3 protein gamma	P36957	DLST	144	40,2	13	0,72	0,062	1,05	0,564	0,85	0,134
	P61981	YWHAG	198	38,1	13	1,59	0,426	0,75	0,622	1,48	0,308
Gamma-interferon-inducible lysosomal thiol reductase	P13284	IFI30	542	25,6	13	0,99		0,96		0,73	
DnaJ homolog subfamily C member 3	Q13217	DNAJC3	67	28,4	12	1,17	0,073	1,10	0,369	0,98	0,800
Far upstream element-binding protein 2	Q92945	KHSRP	72	30,2	12	0,85	0,045	0,82	0,099	0,80	0,015
Transaldolase	P37837	TALDO1	75	35,6	12	1,12	0,326	1,11	0,433	1,16	0,217
Hematopoietic lineage cell-specific protein	P14317	HCLS1	76	31,3	12	1,36	0,009	0,96	0,664	1,01	0,878
Microtubule-associated protein 4	P27816	MAP4	77	22,2	12	1,17	0,532	0,93	0,504	0,93	0,844
Neutral alpha-glucosidase AB	Q14697	GANAB	78	17,1	12	1,28	0,373	1,15	0,730	1,22	0,593
Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosyltransferase sut	P04843	RPN1	81	24,9	12	1,19	0,253	1,23	0,335	1,29	0,044
Kinectin	Q86UP2	KTN1	87	20,2	12						
Annexin A5	P08758	ANXA5	92	35,3	12	7,01	0,000	3,57	0,001	2,97	0,001
L-lactate dehydrogenase B chain	P07195	LDHB	97	41,6	12	1,20	0,342	1,10	0,186	1,27	0,012

Annexin A11	P50995	ANXA11	122	20,4	12	2,36	0,003	1,13	0,149	1,06	0,534
HLA class II histocompatibility antigen, DR alpha chain	P01903	HLA-DRA	137	31,9	12	0,89	0,599	0,83	0,249	0,93	0,737
Perilipin-3	O60664	PLIN3	142	30	12	1,40	0,389	0,96	0,859	1,08	0,817
SH3 domain-binding glutamic acid-rich-like protein	O75368	SH3BGRL	193	62,3	12	0,85	0,082	0,89	0,181	0,83	0,158
Alpha-actinin-4	O43707	ACTN4	278	24,9	12	0,86		0,75		0,92	
ADP/ATP translocase 3	P12236	SLC25A6	526	42	12	1,27		1,83		0,98	
Tubulin beta-6 chain	Q9BUF5	TUBB6	927	21,3	12						
Isocitrate dehydrogenase [NADP], mitochondrial	P48735	IDH2	74	34,5	11	1,36	0,000	1,02	0,714	1,05	0,495
Protein DJ-1	Q99497	PARK7	88	55	11	1,02	0,794	0,93	0,419	0,94	0,619
Disabled homolog 2	P98082	DAB2	98	19,4	11	0,77	0,321	0,77	0,079	0,80	0,059
Very long-chain specific acyl-CoA dehydrogenase, mitochondrial	P49748	ACADVL	104	26,4	11	1,01	0,936	0,99	0,875	1,00	0,976
Adenylyl cyclase-associated protein 1	Q01518	CAP1	105	28,2	11	0,74	0,016	0,90	0,229	0,90	0,287
Lon protease homolog, mitochondrial	P36776	LONP1	106	20,4	11	1,30	0,024	1,13	0,460	1,22	0,115
40S ribosomal protein S18	P62269	RPS18	123	61,8	11	0,56	0,015	0,65	0,001	0,83	0,064
Mesencephalic astrocyte-derived neurotrophic factor	P55145	MANF	125	41,2	11	0,83	0,134	0,90	0,575	0,85	0,298
Thymidine phosphorylase	P19971	TYMP	128	32	11	1,18	0,145	1,37	0,110	1,52	0,005
ATP synthase subunit d, mitochondrial	O75947	ATP5H	149	55,3	11	1,35	0,010	1,02	0,786	1,07	0,417
Interferon-induced GTP-binding protein Mx1	P20591	MX1	150	24,8	11	1,24	0,063	3,27	0,003	3,19	0,003
F-actin-capping protein subunit alpha-1	P52907	CAPZA1	153	37,1	11	1,53	0,396	1,07	0,769	0,98	0,892
Poly(rC)-binding protein 1	Q15365	PCBP1	154	27,8	11	0,81	0,389	1,07	0,834	1,08	0,778
40S ribosomal protein SA	P08865	RPSA	157	31,9	11	0,74	0,099	0,67	0,016	0,94	0,498
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein H	P31943	HNRNPH1	164	28,7	11	1,01	0,896	1,11	0,321	1,01	0,884
Reticulon-4	Q9NQC3	RTN4	325	14,7	11	1,64	0,149	1,27	0,292	1,39	0,260
Golgi apparatus protein 1	Q92896	GLG1	93	17,2	10	0,86	0,377	1,04	0,754	0,82	0,029
Myoferlin	Q9NZM1	MYOF	100	8,8	10	0,90	0,604	1,28	0,112	0,95	0,775
4F2 cell-surface antigen heavy chain	P08195	SLC3A2	103	25,1	10	1,17	0,302	1,02	0,893	1,00	0,968
Prohibitin	P35232	PHB	107	42,7	10	1,70	0,001	1,17	0,017	1,07	0,200
6-phosphogluconate dehydrogenase, decarboxylating	P52209	PGD	108	18,6	10	0,95	0,690	1,20	0,021	1,21	0,262
Mitochondrial inner membrane protein	Q16891	IMMT	109	24,1	10	1,09	0,238	1,15	0,094	1,15	0,206
Intercellular adhesion molecule 1	P05362	ICAM1	116	22,7	10	0,90		1,34		1,47	
Integrin beta-1	P05556	ITGB1	118	14	10	0,79	0,023	0,83	0,243	0,80	0,053
40S ribosomal protein S3a	P61247	RPS3A	124	33,3	10	0,70	0,049	0,76	0,024	0,86	0,039
Electron transfer flavoprotein subunit beta	P38117	ETFB	129	37,7	10	1,44	0,005	1,16	0,035	1,16	0,137
Clathrin light chain A	P09496	CLTA	133	25	10	0,90	0,251	0,85	0,274	0,83	0,134
Triosephosphate isomerase	P60174	TPI1	141	41,6	10	0,89	0,552	1,00	0,941	0,85	0,179
Adenylate kinase 2, mitochondrial	P54819	AK2	147	33,9	10	1,00	0,975	1,09	0,656	1,02	0,943
Tripeptidyl-peptidase 1	O14773	TPP1	148	17,6	10	1,01	0,884	0,94	0,550	0,88	0,268
Glutathione S-transferase omega-1	P78417	GSTO1	151	32	10	1,02	0,778	0,95	0,486	1,03	0,778
Thioredoxin domain-containing protein 5	Q8NBS9	TXNDC5	152	23,8	10	1,17	0,267	1,02	0,826	0,92	0,225
SAM domain and HD domain-containing protein 1	Q9Y3Z3	SAMHD1	158	25,2	10	0,93	0,550	0,91	0,219	1,04	0,744
Eukaryotic translation initiation factor 4 gamma 1	Q04637	EIF4G1	165	14,1	10	0,95	0,679	0,73	0,061	1,02	0,841
Protein canopy homolog 2	Q9Y2B0	CNPY2	174	35,2	10	0,99	0,918	1,04	0,643	0,96	0,730
Syntaxin-7	O15400	STX7	181	34,1	10	0,72	0,552	1,08	0,672	0,74	0,211
Complement component 1 Q subcomponent-binding protein, mitocl	Q07021	C1QBP	268	22,3	10	1,41	0,195	1,37	0,370	1,32	0,241

Phosphoglycerate mutase 1	P18669	PGAM1	280	30,7	10	1,48	0,280	1,28	0,248	1,05	0,725
ATP synthase subunit delta, mitochondrial	P30049	ATP5D	470	23,2	10	1,08	0,601	1,09	0,537	0,99	0,920
Prothymosin alpha	P06454	PTMA	560	57,7	10	1,04		0,76		0,80	
Fumarate hydratase, mitochondrial	P07954	FH	121	21,4	9	1,22	0,047	1,03	0,694	1,04	0,607
Transitional endoplasmic reticulum ATPase	P55072	VCP	127	22,2	9	0,95	0,612	1,01	0,950	1,19	0,153
Phosphoenolpyruvate carboxykinase [GTP], mitochondrial	Q16822	PCK2	135	25,2	9	1,34	0,097	1,22	0,109	0,97	0,785
Transferrin receptor protein 1	P02786	TFRC	136	21,6	9	0,49	0,028	1,20	0,428	0,99	0,896
Transforming acidic coiled-coil-containing protein 1	O75410	TACC1	139	22,5	9	0,77	0,381	0,79	0,154	0,82	0,078
Elongation factor 1-beta	P24534	EEF1B2	146	36	9	0,81	0,019	0,86	0,124	0,94	0,361
Aspartate aminotransferase, mitochondrial	P00505	GOT2	159	24,9	9	1,32	0,102	1,19	0,208	1,10	0,535
Elongation factor 2	P13639	EEF2	160	24	9	1,01	0,985	1,06	0,806	1,21	0,284
Calcium-binding protein p22	Q99653	CHP	170	49,2	9	1,22	0,110	1,06	0,688	0,96	0,750
Clathrin light chain B	P09497	CLTB	171	28	9	0,75	0,013	0,84	0,060	0,85	0,152
Protein S100-A4	P26447	S100A4	177	54,5	9	1,03	0,938	0,86	0,498	1,00	0,983
Nucleoside diphosphate kinase B	P22392	NME2	184	53,3	9	0,91	0,541	0,78	0,285	0,89	0,451
Long-chain fatty acid transport protein 3	Q5K4L6	SLC27A3	186	15,8	9	1,30	0,117	1,17	0,253	1,25	0,185
Carbonic anhydrase 2	P00918	CA2	190	33,1	9	0,89	0,191	1,09	0,212	1,11	0,320
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit J	O75822	EIF3J	201	31,4	9	1,04	0,660	1,00	0,974	0,97	0,902
Heat shock protein beta-1	P04792	HSPB1	204	41,5	9	0,87	0,331	0,89	0,433	1,05	0,495
L-lactate dehydrogenase A chain	P00338	LDHA	210	33,4	9	1,12	0,339	1,13	0,096	1,22	0,020
Voltage-dependent anion-selective channel protein 1	P21796	VDAC1	212	37,8	9	1,23	0,133	1,12	0,296	1,21	0,160
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	P04179	SOD2	213	34,7	9	1,30	0,003	1,36	0,002	1,41	0,001
V-type proton ATPase subunit E 1	P36543	ATP6V1E1	217	30,5	9	1,07	0,645	1,05	0,705	1,06	0,610
Elongation factor 1-delta	P29692	EEF1D	232	47,3	9	0,76	0,050	0,90	0,769	0,93	0,658
Aldehyde dehydrogenase, mitochondrial	P05091	ALDH2	251	24,4	9	1,20	0,430	1,20	0,394	1,15	0,491
Glutaredoxin-1	P35754	GLRX	272	55,7	9	0,71		0,79		0,78	
Membrane-associated progesterone receptor component 2	O15173	PGRMC2	291	26	9	0,93		0,80		1,09	
14-3-3 protein eta	Q04917	YWHAH	546	45,9	9	0,84		1,06		1,44	
Poly(rC)-binding protein 2	Q15366	PCBP2	669	23,6	9						
Ras-related protein Rab-1B	Q9H0U4	RAB1B	1075	52,7	9						
Extended synaptotagmin-1	Q9BSJ8	ESYT1	130	11	8	1,65	0,172	1,47	0,202	1,49	0,199
Serotransferrin	P02787	TF	131	17,9	8	0,50	0,001	0,94	0,599	0,83	0,017
Ras-related protein Rab-11B	Q15907	RAB11B	140	35,8	8	0,97	0,699	0,87	0,113	0,85	0,143
Enoyl-CoA hydratase, mitochondrial	P30084	ECHS1	145	33,5	8	1,30	0,190	1,20	0,178	1,17	0,382
Trifunctional enzyme subunit alpha, mitochondrial	P40939	HADHA	155	13,4	8	1,31	0,041	1,46	0,004	1,18	0,222
Membrane-associated progesterone receptor component 1	O00264	PGRMC1	156	28,2	8	1,11	0,526	1,07	0,657	0,90	0,532
V-type proton ATPase catalytic subunit A	P38606	ATP6V1A	162	22,5	8	1,19	0,183	1,09	0,349	1,34	0,067
3-ketoacyl-CoA thiolase, mitochondrial	P42765	ACAA2	167	20,4	8	1,33	0,030	1,26	0,051	1,19	0,091
Endoplasmic reticulum resident protein 44	Q9BS26	ERP44	176	23,2	8	1,32	0,004	0,95	0,569	1,13	0,159
Aminopeptidase N	P15144	ANPEP	179	9,4	8	0,77	0,379	1,06	0,579	1,05	0,666
Eukaryotic translation initiation factor 5A-1	P63241	EIF5A	182	29,2	8	0,78	0,065	0,86	0,204	0,89	0,203
Cellular retinoic acid-binding protein 2	P29373	CRABP2	187	47,8	8	0,76	0,121	0,98	0,940	0,89	0,413
Chloride intracellular channel protein 1	O00299	CLIC1	188	37,8	8	1,17	0,225	1,16	0,229	1,19	0,243
Acid ceramidase	Q13510	ASAH1	191	24,8	8	0,91	0,635	0,99	0,870	0,95	0,653

Sorting nexin-5	Q9Y5X3	SNX5	194	31,9	8	0,83	0,358	0,97	0,841	0,84	0,165
UV excision repair protein RAD23 homolog B	P54727	RAD23B	202	17,6	8	0,69	0,031	0,80	0,034	0,78	0,137
Charged multivesicular body protein 4b	Q9H444	CHMP4B	206	38,8	8	0,81	0,294	0,70	0,271	0,84	0,537
Nucleobindin-2	P80303	NUCB2	221	30,5	8	0,98	0,865	0,97	0,781	0,84	0,159
Granulins	P28799	GRN	235	16,4	8	0,23	0,059	0,91	0,603	0,58	0,024
Vesicle-associated membrane protein-associated protein A	Q9P0L0	VAPA	239	31,7	8	1,09	0,709	1,23	0,435	0,95	0,691
Polyadenylate-binding protein 1	P11940	PABPC1	252	17,3	8	0,65	0,094	0,86	0,580	0,96	0,645
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein U	Q00839	HNRNPU	254	14,9	8	0,90	0,611	1,39	0,372	1,07	0,647
Cytochrome c oxidase subunit 4 isoform 1, mitochondrial	P13073	COX4I1	255	32	8	0,89	0,154	0,95	0,479	0,92	0,210
39S ribosomal protein L12, mitochondrial	P52815	MRPL12	264	42,9	8	1,28	0,305	1,03	0,865	1,23	0,210
Epididymal secretory protein E1	P61916	NPC2	270	49	8	0,76	0,072	1,05	0,468	0,84	0,051
Ganglioside GM2 activator	P17900	GM2A	299	21,8	8	0,42	0,001	0,84	0,066	0,71	0,008
Acyl carrier protein, mitochondrial	O14561	NDUFAB1	353	36,5	8	1,00	0,981	1,22	0,295	1,01	0,921
Glutathione S-transferase kappa 1	Q9Y2Q3	GSTK1	360	35	8	1,20	0,662	1,01	0,964	0,92	0,706
Nucleophosmin	P06748	NPM1	372	20,1	8	1,36	0,138	1,49	0,013	1,24	0,062
Cathepsin S	P25774	CTSS	398	20,2	8	0,85	0,336	0,82	0,084	0,94	0,513
Lysosome-associated membrane glycoprotein 1	P11279	LAMP1	411	10,8	8	0,92	0,586	1,04	0,780	1,01	0,946
Putative tropomyosin alpha-3 chain-like protein	A6NL28	5 SV	446	23,8	8	1,00	0,980	0,86	0,385	0,94	0,668
14-3-3 protein epsilon	P62258	YWHAE	486	29	8	1,18	0,532	0,72	0,188	0,87	0,627
14-3-3 protein theta	P27348	YWHAQ	821	45,7	8	1,05		0,69		1,05	
Calcium-binding mitochondrial carrier protein SCaMC-1	Q6NUK1	SLC25A24	161	21,4	7	1,30	0,058	1,14	0,207	1,09	0,287
Vinculin	P18206	VCL	163	16,9	7	0,85	0,471	0,92	0,588	0,94	0,781
Tryptophan--tRNA ligase, cytoplasmic	P23381	WARS	168	19,3	7	0,99	0,963	1,39	0,186	1,35	0,046
Cytosol aminopeptidase	P28838	LAP3	169	23,1	7	1,14	0,401	1,30	0,166	1,50	0,026
40S ribosomal protein S19	P39019	RPS19	172	44,8	7	0,66	0,025	0,80	0,120	0,88	0,286
Myosin light polypeptide 6	P60660	MYL6	173	51,7	7	0,69	0,113	0,70	0,042	0,69	0,115
60S acidic ribosomal protein P0	P05388	RPLP0	175	30,9	7	0,83	0,132	0,97	0,789	1,04	0,783
Catalase	P04040	CAT	178	17,3	7	1,52	0,216	1,15	0,695	1,11	0,736
Coactosin-like protein	Q14019	COTL1	180	28,2	7	0,97	0,801	0,99	0,936	0,99	0,863
Vesicle-fusing ATPase	P46459	NSF	185	16	7	1,41	0,038	1,29	0,051	1,17	0,177
Far upstream element-binding protein 1	Q96AE4	FUBP1	189	16,9	7	0,79	0,273	0,71	0,023	0,69	0,012
60S ribosomal protein L7	P18124	RPL7	195	35,9	7	0,76	0,005	1,01	0,818	1,03	0,702
HLA class I histocompatibility antigen, A-3 alpha chain	P04439	HLA-A	197	27,7	7	0,37		1,09		0,85	
Interleukin enhancer-binding factor 3	Q12906	ILF3	200	17,8	7	1,20	0,523	0,91	0,915	1,07	0,797
Dynactin subunit 2	Q13561	DCTN2	207	25,2	7	1,01	0,940	0,90	0,327	0,99	0,861
Hsp90 co-chaperone Cdc37	Q16543	CDC37	208	26,7	7	0,84	0,198	0,90	0,147	0,95	0,459
Coronin-1C	Q9ULV4	CORO1C	214	15,2	7	0,48	0,188	1,05	0,806	0,70	0,159
Pro-cathepsin H	P09668	CTSH	215	23,9	7	0,97	0,791	1,07	0,492	1,09	0,416
Stathmin	P16949	STMN1	216	49,7	7	0,84	0,105	0,77	0,160	0,75	0,069
OCIA domain-containing protein 1	Q9NX40	OCIAD1	226	27,4	7	1,00	0,996	0,95	0,629	0,90	0,453
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1	P09651	HNRNPA1	228	25,8	7	1,93	0,017	1,68	0,027	1,55	0,037
Band 4.1-like protein 3	Q9Y2J2	EPB41L3	233	12,6	7	0,64	0,018	0,87	0,405	0,91	0,269
Drebrin-like protein	Q9UJU6	DBNL	234	32,1	7	0,65	0,105	0,80	0,495	0,85	0,407
Phostensin	Q6NYC8	PPP1R18	237	19,9	7	0,73	0,645	0,85	0,365	0,90	0,694



Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	P78324	SIRPA	242	22,8	7	0,76	0,325	0,92	0,708	0,97	0,864
Superoxide dismutase [Cu-Zn]	P00441	SOD1	245	40,3	7	0,94	0,438	0,90	0,286	0,92	0,382
60S ribosomal protein L23a	P62750	RPL23A	248	32,7	7	0,62	0,002	0,67	0,019	0,63	0,002
Brain acid soluble protein 1	P80723	BASP1	253	50,2	7	0,49	0,150	0,60	0,225	0,53	0,422
Isocitrate dehydrogenase [NADP] cytoplasmic	O75874	IDH1	256	26,8	7	1,44	0,231	1,45	0,197	1,62	0,065
Lamina-associated polypeptide 2, isoform alpha	P42166	TMPO	281	14,4	7	1,01	0,967	1,24	0,365	0,87	0,253
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase F, mitochondrial	P30405	PPIF	293	16,9	7	1,23	0,028	1,17	0,160	1,15	0,087
Actin-related protein 2	P61160	ACTR2	313	23,1	7	1,23	0,314	0,99	0,984	1,39	0,212
Fatty acid-binding protein, epidermal	Q01469	FABP5	336	54,1	7	0,96	0,697	1,05	0,700	1,03	0,761
Ras-related protein Rap-1b	P61224	RAP1B	342	46,2	7	0,89	0,291	1,09	0,426	1,02	0,818
Ras-related protein Rab-10	P61026	RAB10	491	37	7	1,50	0,160	1,52	0,156	1,23	0,460
Nucleoside diphosphate kinase A	P15531	NME1	606	48,7	7						
Beta-2-microglobulin	P61769	B2M	610	21,9	7	0,67	0,155	0,96	0,780	0,80	0,271
T-complex protein 1 subunit gamma	P49368	CCT3	192	21,5	6	1,31	0,128	1,29	0,023	1,26	0,223
Transketolase	P29401	TKT	196	23,6	6	1,39	0,026	1,32	0,027	1,53	0,003
ERO1-like protein alpha	Q96HE7	ERO1L	199	19	6	1,36	0,109	1,24	0,036	1,15	0,341
Long-chain-fatty-acid--CoA ligase 1	P33121	ACSL1	203	12,2	6	1,23	0,087	1,38	0,020	1,45	0,002
Peroxiredoxin-6	P30041	PRDX6	205	35,7	6	0,98	0,918	0,96	0,756	1,09	0,280
Shootin-1	A0MZ66	KIAA1598	209	12,5	6	0,82	0,170	0,76	0,046	0,87	0,126
40S ribosomal protein S3	P23396	RPS3	211	39,9	6	0,80	0,339	0,89	0,529	0,83	0,156
40S ribosomal protein S13	P62277	RPS13	218	49	6	0,62	0,010	0,75	0,068	0,83	0,050
ADP-ribosylation factor 3	P61204	ARF3	219	39,2	6	0,85	0,241	0,72	0,007	0,80	0,027
Protein LYRIC	Q86UE4	MTDH	222	19,9	6	1,68	0,060	1,07	0,628	1,21	0,162
Peroxiredoxin-5, mitochondrial	P30044	PRDX5	225	40,2	6	0,98	0,869	0,95	0,808	1,07	0,571
Ras-related protein Rab-7a	P51149	RAB7A	227	35,3	6	1,15	0,372	1,23	0,179	1,03	0,889
Neudesin	Q9UMX5	NENF	229	44,8	6	0,98	0,862	0,93	0,443	0,79	0,325
Clathrin interactor 1	Q14677	CLINT1	230	12,6	6	0,70	0,073	0,78	0,041	0,73	0,021
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 alpha subcomplex subunit 8	P51970	NDUFA8	231	31,4	6	0,93	0,568	0,98	0,825	0,85	0,383
ATP synthase subunit gamma, mitochondrial	P36542	ATP5C1	236	32,9	6	1,32	0,292	1,17	0,547	0,90	0,699
N-acetylglucosamine-6-sulfatase	P15586	GNS	238	13	6	0,50	0,006	0,89	0,332	0,88	0,443
Liver carboxylesterase 1	P23141	CES1	240	19,1	6	1,52	0,011	1,28	0,046	1,22	0,077
C-1-tetrahydrofolate synthase, cytoplasmic	P11586	MTHFD1	241	14,6	6	0,91	0,516	0,82	0,182	0,98	0,863
40S ribosomal protein S4, X isoform	P62701	RPS4X	243	27,4	6	0,62	0,007	0,74	0,057	0,82	0,039
Prohibitin-2	Q99623	PHB2	244	28,4	6	1,51	0,011	1,26	0,047	1,31	0,016
Hippocalcin-like protein 1	P37235	HPCAL1	246	41,5	6	0,90	0,720	0,86	0,399	0,84	0,371
Procollagen galactosyltransferase 1	Q8NBJ5	GLT25D1	247	15,1	6	1,20	0,281	1,20	0,152	1,27	0,307
Basigin	P35613	BSG	250	23,1	6	0,78	0,048	0,88	0,209	0,88	0,202
HLA class II histocompatibility antigen, DRB1-1 beta chain	P04229	HLA-DRB1	258	21,4	6	0,40		0,31		0,67	
Growth factor receptor-bound protein 2	P62993	GRB2	259	38,3	6	0,84	0,163	0,98	0,961	0,91	0,598
Lysosomal alpha-glucosidase	P10253	GAA	260	8,8	6	0,95	0,657	0,81	0,119	0,80	0,266
T-complex protein 1 subunit theta	P50990	CCT8	265	19,5	6	1,05	0,570	0,93	0,391	1,08	0,450
T-complex protein 1 subunit beta	P78371	CCT2	266	19,8	6	0,88		1,16		1,08	
T-complex protein 1 subunit delta	P50991	CCT4	273	19,1	6	1,23	0,279	1,01	0,953	1,31	0,226
Echinoderm microtubule-associated protein-like 4	Q9HC35	EML4	276	10,4	6	0,86	0,118	0,73	0,021	0,77	0,036

Malate dehydrogenase, cytoplasmic	P40925	MDH1	284	23,7	6	1,02	0,908	1,08	0,823	1,07	0,637
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit A	Q14152	EIF3A	286	16,4	6	0,69	0,171	0,95	0,722	0,78	0,448
Reticulocalbin-1	Q15293	RCN1	287	24,2	6	1,06	0,663	1,09	0,441	1,04	0,743
Synaptic vesicle membrane protein VAT-1 homolog	Q99536	VAT1	289	29	6	0,63	0,016	0,59	0,014	0,77	0,047
Splicing factor 3B subunit 2	Q13435	SF3B2	294	10,3	6	0,86	0,582	1,23	0,345	0,85	0,220
Syntaxin-binding protein 2	Q15833	STXBP2	296	14	6	0,94	0,771	1,28	0,345	1,07	0,795
X-ray repair cross-complementing protein 5	P13010	XRCC5	300	11,2	6	1,03	0,909	0,77	0,220	0,89	0,237
Cation-dependent mannose-6-phosphate receptor	P20645	M6PR	301	21,3	6	0,93	0,389	1,01	0,941	0,95	0,706
Zyxin	Q15942	ZYX	304	15,9	6	6,60	0,047	0,96	0,907	3,36	0,079
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit C	Q99613	EIF3C	306	16,1	6	0,71	0,204	0,84	0,479	0,92	0,590
Phosphatidylinositol 4-kinase type 2-alpha	Q9BTU6	PI4K2A	308	33	6	1,06	0,529	1,03	0,918	0,90	0,475
F-actin-capping protein subunit beta	P47756	CAPZB	310	33,6	6	1,07	0,759	0,95	0,863	1,05	0,698
Nuclease-sensitive element-binding protein 1	P67809	YBX1	318	21,6	6	0,27		0,44		0,67	
40S ribosomal protein S6	P62753	RPS6	321	36,6	6	1,38	0,562	1,49	0,337	0,97	0,934
Interleukin-1 receptor antagonist protein	P18510	IL1RN	328	27,7	6	0,84	0,170	1,03	0,786	1,04	0,664
Thymosin beta-4	P62328	TMSB4X	340	63,6	6	0,73		0,80		0,78	
Allograft inflammatory factor 1	P55008	AIF1	368	38,1	6	0,82	0,308	0,86	0,269	0,84	0,113
60S ribosomal protein L10a	P62906	RPL10A	389	27,2	6	0,79	0,456	0,85	0,540	0,90	0,724
SH3 domain-binding glutamic acid-rich-like protein 3	Q9H299	SH3BGRL3	393	37,6	6	0,74	0,344	0,67	0,218	0,71	0,207
Actin-related protein 2/3 complex subunit 1B	O15143	ARPC1B	395	22,3	6	0,66	0,012	0,94	0,571	0,89	0,206
ATP synthase subunit epsilon, mitochondrial	P56381	ATP5E	397	64,7	6	1,24	0,149	1,18	0,140	0,97	0,783
Protein SET	Q01105	SET	400	18,3	6	0,94	0,438	0,97	0,656	0,94	0,618
Mitochondrial import inner membrane translocase subunit Tim13	Q9Y5L4	TIMM13	415	53,7	6	0,93	0,619	1,08	0,704	0,77	0,230
HLA class I histocompatibility antigen, B-59 alpha chain	Q29940	HLA-B	445	27,1	6						
HLA class II histocompatibility antigen, DP alpha 1 chain	P20036	HLA-DPA1	461	17,7	6						
Heterogeneous nuclear ribonucleoproteins A2/B1	P22626	HNRNPA2B1	502	27,2	6	2,62	0,014	1,90	0,073	1,79	0,045
Peroxisome oxidoreductin-2	P32119	PRDX2	517	32,8	6	1,06	0,644	1,07	0,599	1,20	0,315
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein F	P52597	HNRNPF	567	18,8	6	0,79		0,88		1,01	
Cathepsin Z	Q9UBR2	CTSZ	587	12,9	6	0,50	0,193	0,94	0,777	0,80	0,268
HLA class I histocompatibility antigen, Cw-7 alpha chain	P10321	HLA-C	826	30,3	6						
HLA class I histocompatibility antigen, A-2 alpha chain	P01892	HLA-A	885	34,5	6						
Interferon-induced protein with tetratricopeptide repeats 3	O14879	IFIT3	257	20,2	5	1,38	0,191	2,65	0,065	2,97	0,058
Medium-chain specific acyl-CoA dehydrogenase, mitochondrial	P11310	ACADM	261	23	5	1,17	0,206	1,12	0,171	1,01	0,910
LDLR chaperone MESD	Q14696	MESDC2	262	47	5	1,13	0,170	1,01	0,850	0,93	0,621
Acidic leucine-rich nuclear phosphoprotein 32 family member A	P39687	ANP32A	267	24,5	5	1,01	0,896	0,68	0,072	0,95	0,642
40S ribosomal protein S16	P62249	RPS16	269	34,3	5	0,61	0,017	0,74	0,025	0,76	0,127
Leucine-rich repeat-containing protein 59	Q96AG4	LRRC59	271	17,3	5	0,71	0,050	0,80	0,306	0,78	0,096
Hepatoma-derived growth factor	P51858	HDGF	274	32,1	5	0,92	0,351	0,89	0,431	0,99	0,916
Actin-related protein 2/3 complex subunit 5	O15511	ARPC5	275	49,7	5	0,99	0,962	0,99	0,909	1,11	0,546
NFU1 iron-sulfur cluster scaffold homolog, mitochondrial	Q9UMS0	NFU1	277	24	5	0,95	0,900	1,00	0,999	0,93	0,644
Band 4.1-like protein 2	O43491	EPB41L2	279	12,9	5	0,95		0,92		0,77	
DnaJ homolog subfamily B member 11	Q9UBS4	DNAJB11	282	23,7	5	1,16	0,749	1,29	0,414	1,00	0,986
ES1 protein homolog, mitochondrial	P30042	C21orf33	283	22	5	1,35	0,032	1,07	0,350	1,10	0,219
Cystatin-A	P01040	CSTA	285	68,4	5	0,79	0,104	0,87	0,239	0,73	0,156

Aconitate hydratase, mitochondrial	Q99798	ACO2	288	17,1	5	1,13	0,471	1,14	0,161	1,00	0,987
60S ribosomal protein L10	P27635	RPL10	290	22,4	5	0,70	0,015	0,81	0,058	0,90	0,242
Putative high mobility group protein B1-like 1	B2RPK0	HMGB1P1	292	25,6	5	0,51	0,104	0,52	0,110	0,63	0,226
Serine hydroxymethyltransferase, mitochondrial	P34897	SHMT2	295	18,1	5	1,07	0,688	1,14	0,497	1,25	0,271
Succinate dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur subunit, mitocho	P21912	SDHB	297	28,6	5	1,25	0,072	1,13	0,394	0,98	0,922
Acyl-coenzyme A thioesterase 1	Q86TX2	ACOT1	298	15,9	5	0,96	0,936	0,91	0,854	0,91	0,445
Prelamin-A/C	P02545	LMNA	303	20,5	5	1,37	0,452	2,17	0,092	1,60	0,156
Electron transfer flavoprotein subunit alpha, mitochondrial	P13804	ETFA	305	24	5						
Rab GDP dissociation inhibitor beta	P50395	GDI2	307	22,3	5	1,20	0,165	1,25	0,134	1,22	0,150
60S ribosomal protein L4	P36578	RPL4	309	29,5	5	0,80	0,444	0,91	0,525	0,96	0,743
Proteasome activator complex subunit 2	Q9UL46	PSME2	311	26,8	5	0,88	0,133	1,05	0,472	0,89	0,224
Actin-related protein 2/3 complex subunit 2	O15144	ARPC2	312	29,3	5	1,15	0,692	1,30	0,233	1,24	0,277
40S ribosomal protein S9	P46781	RPS9	315	32,5	5	0,63	0,036	0,82	0,044	1,02	0,809
60S ribosomal protein L6	Q02878	RPL6	316	27,1	5	0,75	0,027	0,76	0,281	0,91	0,573
Leukotriene A-4 hydrolase	P09960	LTA4H	322	11,5	5	1,13	0,595	0,90	0,491	1,25	0,276
Heterogeneous nuclear ribonucleoproteins C1/C2	P07910	HNRNPC	323	21,6	5	2,41	0,115	2,54	0,009	2,13	0,013
LETM1 and EF-hand domain-containing protein 1, mitochondrial	O95202	LETM1	326	20	5	1,08	0,372	1,18	0,171	1,21	0,176
40S ribosomal protein S17-like	P0CW22	RPS17L	327	38,5	5						
Neutral cholesterol ester hydrolase 1	Q6PIU2	NCEH1	331	18,1	5	1,52	0,113	1,34	0,289	1,27	0,173
Vesicle-trafficking protein SEC22b	O75396	SEC22B	332	29,8	5	1,76		1,02		0,94	
Retinoid-inducible serine carboxypeptidase	Q9HB40	SCPEP1	339	13,9	5	1,13	0,466	1,40	0,029	1,23	0,042
Actin-related protein 3	P61158	ACTR3	341	12,9	5	0,70	0,202	0,75	0,098	0,95	0,656
40S ribosomal protein S25	P62851	RPS25	345	29,6	5	0,55	0,024	0,61	0,271	0,77	0,251
Glutathione peroxidase 1	P07203	GPX1	348	28,1	5	1,54	0,571	0,93	0,896	0,94	0,945
Protein S100-A9	P06702	S100A9	355	25,4	5	1,28	0,377	1,07	0,713	1,18	0,354
Glutathione S-transferase P	P09211	GSTP1	364	35,2	5	1,21	0,340	1,11	0,517	1,06	0,685
Phosphate carrier protein, mitochondrial	Q00325	SLC25A3	366	26,8	5	1,28	0,267	1,17	0,374	1,13	0,616
60S ribosomal protein L31	P62899	RPL31	370	38,4	5	0,53	0,020	0,71	0,215	0,71	0,161
Lysosome membrane protein 2	Q14108	SCARB2	376	9,6	5	1,08	0,566	1,21	0,302	1,17	0,355
N(4)-(beta-N-acetylglucosaminy)-L-asparaginase	P20933	AGA	377	19,9	5	0,67		0,74		0,98	
Glutamate dehydrogenase 1, mitochondrial	P00367	GLUD1	380	15,8	5	1,43	0,200	1,12	0,340	0,93	0,774
Vasodilator-stimulated phosphoprotein	P50552	VASP	381	16,3	5	0,72		0,94		1,03	
Tropomodulin-3	Q9NYL9	TMOD3	383	25,6	5	0,67	0,041	0,92	0,578	0,91	0,507
40S ribosomal protein S10	P46783	RPS10	385	44,2	5	0,75	0,210	0,70	0,175	0,82	0,513
Myristoylated alanine-rich C-kinase substrate	P29966	MARCKS	386	28,3	5	0,62	0,136	0,88	0,820	1,17	0,458
Guanine nucleotide-binding protein G(i) subunit alpha-2	P04899	GNAI2	387	28,7	5	1,06	0,552	1,00	0,986	1,15	0,381
Protein FAM136A	Q96C01	FAM136A	391	30,4	5	0,85	0,213	0,76	0,281	0,81	0,140
Neutrophil cytosol factor 2	P19878	NCF2	392	20,2	5	1,19	0,336	1,40	0,082	1,38	0,125
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	Q16698	DECR1	401	20,3	5	0,83	0,428	1,03	0,797	1,01	0,916
Cytochrome b-c1 complex subunit 6, mitochondrial	P07919	UQCRH	402	48,4	5	1,08	0,440	1,10	0,362	1,03	0,789
V-type proton ATPase subunit G 1	O75348	ATP6V1G1	426	34,8	5	0,87	0,245	0,87	0,237	0,86	0,213
Transmembrane emp24 domain-containing protein 9	Q9BVK6	TMED9	432	33,6	5	0,87	0,438	1,09	0,667	1,09	0,746
Thioredoxin domain-containing protein 12	O95881	TXNDC12	465	26,7	5	1,11	0,499	1,07	0,618	1,02	0,875
Tapasin	O15533	TAPBP	473	13	5	1,21	0,163	1,31	0,092	1,30	0,225

Adrenodoxin, mitochondrial	P10109	FDX1	497	35,3	5	0,92		1,05		0,88	
Transcription intermediary factor 1-beta	Q13263	TRIM28	515	14,6	5	1,07		0,98		1,08	
Ena/VASP-like protein	Q9UI08	EVL	532	25,2	5	1,28	0,637	1,45	0,491	1,11	0,831
Sorting nexin-2	O60749	SNX2	541	16,4	5	0,99	0,915	0,84	0,235	0,88	0,654
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP1A	P62942	FKBP1A	572	40,7	5	1,11	0,481	0,94	0,658	1,01	0,938
Cell division control protein 42 homolog	P60953	CDC42	619	23	5	0,81	0,596	0,97	0,950	1,19	0,780
Myotrophin	P58546	MTPN	621	34,8	5	0,73		1,02		1,12	
Trypsin-2	P07478	PRSS2	624	21,9	5						
Protein CDV3 homolog	Q9UKY7	CDV3	657	25,6	5	2,63		0,68		2,10	
HLA class II histocompatibility antigen, DR beta 5 chain	Q30154	HLA-DRB5	863	18,8	5						
DNA-binding protein A	P16989	CSDA	928	18,8	5						
Fructose-bisphosphate aldolase C	P09972	ALDOC	929	13,2	5						
Keratin, type II cuticular Hb4	Q9NSB2	KRT84	931	13,2	5	1,52		3,84		1,90	
Fructose-1,6-bisphosphatase isozyme 2	O00757	FBP2	933	15,9	5	0,78		1,09		1,33	
HLA class II histocompatibility antigen gamma chain	P04233	CD74	314	20,3	4	0,31	0,101	0,65	0,033	0,45	0,013
FK506-binding protein 15	Q5T1M5	FKBP15	317	9	4	0,67	0,053	0,67	0,041	0,68	0,049
CD97 antigen	P48960	CD97	319	7,3	4	0,86	0,503	1,01	0,967	0,94	0,664
Elongation factor 1-gamma	P26641	EEFIG	320	14	4	0,94	0,808	0,91	0,592	1,07	0,501
V-type proton ATPase subunit D	Q9Y5K8	ATP6V1D	324	21,1	4	1,10	0,525	1,01	0,949	1,09	0,721
Prolyl 4-hydroxylase subunit alpha-1	P13674	P4HA1	329	12,7	4	0,90	0,664	1,30	0,512	0,66	0,406
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 L3	P68036	UBE2L3	330	27,3	4	1,04	0,644	0,80	0,115	0,97	0,766
Trans-2,3-enoyl-CoA reductase	Q9NZ01	TECR	333	16,6	4	0,75	0,477	1,29	0,285	1,10	0,689
Ras-related protein Rab-5C	P51148	RAB5C	334	39,4	4	0,79		0,96		1,00	
Ras GTPase-activating protein-binding protein 2	Q9UN86	G3BP2	335	11	4	0,66	0,316	0,79	0,311	0,83	0,235
60S ribosomal protein L26	P61254	RPL26	337	24,1	4	0,49	0,014	0,64	0,064	0,71	0,058
Heme oxygenase 2	P30519	HMOX2	338	27,9	4	1,32	0,430	1,23	0,136	1,27	0,209
V-type proton ATPase subunit B, brain isoform	P21281	ATP6V1B2	343	24,5	4	0,45		0,75		1,09	
Protein canopy homolog 3	Q9BT09	CNPY3	344	16,2	4	1,10		1,21		1,07	
Myosin regulatory light chain 12A	P19105	MYL12A	346	28,7	4	0,88	0,276	0,61	0,085	0,55	0,109
Plasminogen activator inhibitor 1 RNA-binding protein	Q8NC51	SERBP1	347	18,9	4	0,80	0,291	0,74	0,216	0,75	0,226
Ferritin heavy chain	P02794	FTH1	349	29	4	0,77	0,249	1,11	0,528	1,10	0,532
Ferritin light chain	P02792	FTL	350	29,1	4	1,00	0,997	0,92	0,574	1,05	0,751
GrpE protein homolog 1, mitochondrial	Q9HAV7	GRPEL1	351	26,3	4	1,12	0,348	1,08	0,438	0,87	0,225
Phospholipase D3	Q8IV08	PLD3	352	11,2	4	0,37	0,013	0,72	0,077	0,64	0,047
40S ribosomal protein S20	P60866	RPS20	354	28,6	4	0,67	0,120	0,75	0,188	0,80	0,285
Caprin-1	Q14444	CAPRIN1	356	11,3	4	0,61	0,050	0,77	0,480	0,81	0,322
Myosin-9	P35579	MYH9	357	10,2	4	0,96	0,853	0,80	0,314	0,91	0,393
Ubiquitin-like protein ISG15	P05161	ISG15	359	33,9	4	0,44		4,43		5,93	
V-type proton ATPase subunit C 1	P21283	ATP6VIC1	361	16,8	4	1,04	0,629	1,04	0,616	1,04	0,655
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 N	P61088	UBE2N	362	44,7	4	1,51		2,09		1,48	
Palmitoyl-protein thioesterase 1	P50897	PPT1	363	11,8	4	0,69	0,049	1,13	0,289	1,03	0,752
Striatin	O43815	STRN	365	8,1	4	0,87	0,421	0,93	0,853	0,72	0,197
V-type proton ATPase 116 kDa subunit a isoform 3	Q13488	TCIRG1	367	11,9	4	1,74	0,134	1,43	0,172	1,14	0,416
Proteasome subunit alpha type-1	P25786	PSMA1	369	24,3	4	1,10	0,381	1,06	0,603	1,13	0,555

NSFL1 cofactor p47	Q9UNZ2	NSFL1C	371	17,6	4	1,13		0,63		0,75	
X-ray repair cross-complementing protein 6	P12956	XRCC6	373	14,1	4	0,78	0,539	0,81	0,537	1,14	0,602
Isocitrate dehydrogenase [NAD] subunit alpha, mitochondrial	P50213	IDH3A	374	17,2	4	1,18	0,179	1,16	0,214	0,98	0,806
Serine/threonine-protein kinase PAK 2	Q13177	PAK2	375	12,8	4	1,01	0,958	0,75	0,217	1,09	0,736
Ras-related C3 botulinum toxin substrate 2	P15153	RAC2	378	28,1	4	0,98	0,925	0,96	0,775	1,03	0,720
General transcription factor II-I	P78347	GTF2I	379	13,2	4	1,32		1,16		1,68	
Lysosomal acid phosphatase	P11117	ACP2	382	13,2	4	0,82	0,096	1,06	0,447	1,01	0,859
Cutaneous T-cell lymphoma-associated antigen 5	O15320	CTAGE5	384	17	4	1,19	0,166	0,80	0,486	0,79	0,286
AFG3-like protein 2	Q9Y4W6	AFG3L2	388	8,4	4	1,11	0,720	1,41	0,126	0,97	0,862
60S ribosomal protein L12	P30050	RPL12	390	33,3	4	0,54		0,68		0,83	
Inorganic pyrophosphatase 2, mitochondrial	Q9H2U2	PPA2	396	29	4	1,48	0,174	1,18	0,376	1,21	0,329
Transmembrane emp24 domain-containing protein 10	P49755	TMED10	403	31,1	4	1,27	0,553	1,21	0,082	1,35	0,191
Pleckstrin homology domain-containing family O member 2	Q8TD55	PLEKHO2	405	10,6	4	0,78	0,514	0,89	0,642	0,98	0,915
60S ribosomal protein L13a	P40429	RPL13A	406	34	4	0,97	0,891	1,22	0,385	1,17	0,544
Nascent polypeptide-associated complex subunit alpha	Q13765	NACA	409	19,5	4	1,12	0,496	0,97	0,847	1,25	0,292
60S ribosomal protein L7a	P62424	RPL7A	410	21,1	4	0,83	0,456	0,91	0,854	1,06	0,860
Cytosolic non-specific dipeptidase	Q96KP4	CNDP2	412	11,8	4	0,79	0,256	0,99	0,935	1,04	0,817
Glucose-6-phosphate isomerase	P06744	GPI	413	18,6	4	0,92	0,634	1,13	0,191	1,28	0,041
Nucleosome assembly protein 1-like 1	P55209	NAP1L1	422	12,5	4						
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein D0	Q14103	HNRNPD	425	18	4	1,03	0,795	0,91	0,656	1,02	0,934
Na(+)/H(+) exchange regulatory cofactor NHE-RF1	O14745	SLC9A3R1	435	20,7	4	0,41		0,29		0,41	
Constitutive coactivator of PPAR-gamma-like protein 1	Q9NZB2	FAM120A	436	11,2	4						
Src substrate cortactin	Q14247	CTTN	437	14,2	4	0,91	0,734	1,06	0,580	1,08	0,676
Coiled-coil-helix-coiled-coil-helix domain-containing protein 3, mit	Q9NX63	CHCHD3	438	18,9	4	1,22	0,316	1,30	0,085	1,01	0,899
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 4	P55036	PSMD4	440	21,5	4	0,87		0,41		1,52	
Dipeptidyl peptidase 1	P53634	CTSC	448	12,7	4	1,01	0,963	0,93	0,700	0,87	0,544
Minor histocompatibility antigen H13	Q8TCT9	HM13	455	9,8	4	1,70	0,190	1,33	0,490	1,27	0,390
Estradiol 17-beta-dehydrogenase 12	Q53GQ0	HSD17B12	460	17	4	1,56		1,20		1,14	
60S ribosomal protein L22	P35268	RPL22	469	30,5	4	0,69	0,294	0,71	0,314	0,71	0,189
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 beta subcomplex subunit 10	O96000	NDUFB10	474	39	4	1,08	0,732	1,10	0,543	0,93	0,629
40S ribosomal protein S5	P46782	RPS5	479	20,1	4	0,62	0,218	0,66	0,038	0,69	0,085
Mitochondrial intermembrane space import and assembly protein 4	Q8N4Q1	CHCHD4	482	33,1	4	1,32	0,087	1,24	0,132	1,09	0,451
Astrocytic phosphoprotein PEA-15	Q15121	PEA15	485	26,9	4	0,96	0,769	0,75	0,210	0,90	0,491
Acetyl-CoA acetyltransferase, mitochondrial	P24752	ACAT1	490	18,5	4	1,03	0,872	1,20	0,296	1,04	0,687
Dihydrolipoyl dehydrogenase, mitochondrial	P09622	DLD	492	10,2	4	0,69		0,83		0,57	
Vesicular integral-membrane protein VIP36	Q12907	LMAN2	493	22,2	4	1,20	0,322	1,11	0,800	1,22	0,295
Osteoclast-stimulating factor 1	Q92882	OSTF1	494	29,9	4	0,82		0,96		0,81	
Importin subunit beta-1	Q14974	KPNB1	496	11,9	4						
T-complex protein 1 subunit epsilon	P48643	CCT5	498	9,4	4	1,27	0,100	1,63	0,058	1,36	0,075
Radical S-adenosyl methionine domain-containing protein 2	Q8WXXG1	RSAD2	509	18	4	1,11	0,805	9,04	0,117	7,08	0,123
Rho-related GTP-binding protein RhoG	P84095	RHOG	511	37,2	4	0,92	0,547	1,01	0,938	0,89	0,665
Protein EVI2B	P34910	EVI2B	516	15,4	4	0,76	0,472	0,95	0,710	0,73	0,232
PRA1 family protein 3	O75915	ARL6IP5	522	15,4	4	0,93		1,41		0,90	
CD63 antigen	P08962	CD63	528	16,8	4	0,76	0,110	1,03	0,782	0,88	0,680

T-complex protein 1 subunit zeta	P40227	CCT6A	529	20,2	4	0,64	0,608	0,81	0,606	1,02	0,959
Proteasome subunit alpha type-5	P28066	PSMA5	531	21,2	4	1,43		1,51		0,67	
Translocon-associated protein subunit alpha	P43307	SSR1	534	17,1	4	1,10	0,546	1,05	0,709	1,07	0,639
40S ribosomal protein S21	P63220	RPS21	535	31,3	4	0,64	0,141	0,78	0,241	0,78	0,243
Hepatitis B virus X-interacting protein	O43504	HBXIP	545	37,4	4	0,88		0,83		0,86	
Mitochondrial 2-oxoglutarate/malate carrier protein	Q02978	SLC25A11	548	13,1	4	1,69		1,39		1,30	
Heat shock protein 75 kDa, mitochondrial	Q12931	TRAP1	549	10,2	4	1,39		1,48		1,14	
Acidic leucine-rich nuclear phosphoprotein 32 family member B	Q92688	ANP32B	551	20,3	4	0,73	0,325	0,78	0,457	0,81	0,288
Proteasome subunit alpha type-7	O14818	PSMA7	557	21,8	4	0,72	0,533	0,77	0,288	0,94	0,822
Cytochrome b-c1 complex subunit 2, mitochondrial	P22695	UQCRC2	575	14,4	4	1,24	0,250	1,17	0,253	1,15	0,492
Beta-hexosaminidase subunit alpha	P06865	HEXA	577	13,6	4	0,94	0,520	0,93	0,701	1,03	0,876
E3 ubiquitin-protein ligase RNF213	Q63HN8	RNF213	578	4,6	4	0,93		0,65		1,62	
T-complex protein 1 subunit alpha	P17987	TCP1	658	18,7	4	0,61	0,125	1,00	0,983	0,82	0,294
Polypyrimidine tract-binding protein 1	P26599	PTBP1	674	13,6	4	0,71	0,179	1,07	0,623	0,89	0,442
Cytochrome b-c1 complex subunit 7	P14927	UQCRB	684	40,5	4	1,41		1,21		1,23	
Eukaryotic translation initiation factor 2 subunit 2	P20042	EIF2S2	707	17,7	4	0,72		0,92		0,82	
Basic leucine zipper and W2 domain-containing protein 1	Q7L1Q6	BZW1	719	11,5	4	0,78	0,170	0,68	0,044	0,84	0,227
Coiled-coil domain-containing protein 124	Q96CT7	CCDC124	725	28,3	4	0,77	0,302	0,64	0,215	0,76	0,218
Cytochrome c oxidase copper chaperone	Q14061	COX17	730	46	4	2,27		1,40		1,62	
Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase, testis-specific	O14556	GAPDHS	850	16,2	4	0,53		0,58		0,50	
Keratin, type II cytoskeletal 1b	Q7Z794	KRT77	937	7,6	4	1,83		1,77		1,87	
F-actin-capping protein subunit alpha-2	P47755	CAPZA2	1055	12,9	4	1,36		1,33		1,46	
Peroxioredoxin-4	Q13162	PRDX4	1060	23,6	4	0,84	0,658	0,80	0,350	0,68	0,162
RNA-binding protein FUS	P35637	FUS	394	26,6	3	0,81		0,87		0,90	
Platelet endothelial cell adhesion molecule	P16284	PECAM1	399	9,4	3	0,67	0,702	0,89	0,483	0,78	0,743
Rho GDP-dissociation inhibitor 2	P52566	ARHGDIB	404	27,9	3	1,48	0,537	0,95	0,898	1,00	0,988
Crk-like protein	P46109	CRKL	407	24,4	3						
Microtubule-associated protein RP/EB family member 1	Q15691	MAPRE1	408	14,9	3	1,23	0,062	0,94	0,444	1,17	0,144
Fermitin family homolog 3	Q86UX7	FERMT3	414	15,9	3	1,00	0,991	0,83	0,531	1,18	0,387
1-phosphatidylinositol 4,5-bisphosphate phosphodiesterase beta-2	Q00722	PLCB2	416	12,6	3	0,66	0,138	0,60	0,025	0,77	0,255
Stomatin-like protein 2	Q9UJZ1	STOML2	417	25	3	1,19	0,170	1,08	0,456	1,07	0,627
Receptor expression-enhancing protein 5	Q00765	REEP5	418	25,9	3	1,42	0,154	0,83	0,639	0,98	0,857
Oxysterol-binding protein-related protein 8	Q9BZF1	OSBPL8	419	12,7	3						
Eukaryotic translation initiation factor 4B	P23588	EIF4B	420	17,7	3	0,77	0,275	0,78	0,050	0,87	0,210
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 6	P29350	PTPN6	421	7,2	3	0,76		0,69		0,89	
Lupus La protein	P05455	SSB	423	22,6	3	0,81	0,404	0,97	0,916	1,00	0,984
Coiled-coil domain-containing protein 58	Q4VC31	CCDC58	424	30,6	3	0,98		1,21		0,88	
Serine/threonine-protein phosphatase PP1-alpha catalytic subunit	P62136	PPP1CA	427	12,1	3	0,81	0,120	0,90	0,330	1,03	0,723
40S ribosomal protein S2	P15880	RPS2	428	22,2	3	0,64	0,150	0,82	0,625	0,98	0,878
Actin-related protein 2/3 complex subunit 4	P59998	ARPC4	429	29,2	3	1,46	0,046	0,91	0,394	1,08	0,546
Tumor protein D54	O43399	TPD52L2	430	23,8	3	1,38		0,75		0,91	
Syntaxin-12	Q86Y82	STX12	431	21	3	1,06	0,660	1,30	0,232	1,11	0,493
WASH complex subunit FAM21C	Q9Y4E1	FAM21C	433	9	3	0,82		0,54		0,93	
Sarcoplasmic/endoplasmic reticulum calcium ATPase 2	P16615	ATP2A2	434	5	3	0,83		1,30		1,04	

Ran-specific GTPase-activating protein	P43487	RANBP1	439	21,4	3	1,12	0,322	1,01	0,969	0,99	0,985
39S ribosomal protein L49, mitochondrial	Q13405	MRPL49	441	33,7	3	0,84	0,678	1,39	0,278	0,96	0,730
Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	P30086	PEBP1	442	28,9	3	0,93	0,648	1,01	0,937	0,99	0,927
Tubulin-specific chaperone A	O75347	TBCA	443	29,6	3	1,28	0,339	0,97	0,925	1,11	0,588
Proteasome subunit beta type-1	P20618	PSMB1	444	16,6	3	1,13	0,552	0,97	0,905	1,30	0,272
Translocation protein SEC63 homolog	Q9UGP8	SEC63	447	9,6	3	1,38	0,280	1,54	0,155	1,01	0,940
Nicastrin	Q92542	NCSTN	449	9	3	0,70	0,135	0,69	0,047	0,91	0,445
ATP synthase subunit b, mitochondrial	P24539	ATP5F1	450	21,9	3	2,48		1,26		1,34	
Uncharacterized protein C1orf31	Q5JTJ3	C1orf31	451	24,8	3	1,88		1,01		1,61	
60S ribosomal protein L27	P61353	RPL27	452	22,1	3	0,71	0,178	0,81	0,376	1,09	0,540
Ras-related protein Rab-2A	P61019	RAB2A	453	40,6	3	1,18		1,20		0,82	
Succinyl-CoA ligase [GDP-forming] subunit beta, mitochondrial	Q96199	SUCLG2	454	10,2	3	1,14	0,430	1,10	0,589	1,13	0,686
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein M	P52272	HNRNPM	456	15,8	3	0,63	0,505	0,71	0,203	0,74	0,589
RNA-binding motif protein, X chromosome	P38159	RBMX	457	14,3	3	1,83	0,258	1,84	0,103	1,69	0,205
60S ribosomal protein L13	P26373	RPL13	458	26,1	3	0,40	0,071	0,62	0,137	0,56	0,111
40S ribosomal protein S7	P62081	RPS7	459	24,7	3	0,73	0,240	0,80	0,129	0,82	0,315
Alcohol dehydrogenase [NADP(+)]	P14550	AKR1A1	462	12,6	3	1,03	0,841	1,21	0,461	1,27	0,259
40S ribosomal protein S8	P62241	RPS8	463	19,2	3	0,71	0,404	0,72	0,058	0,92	0,524
Cytochrome b5	P00167	CYB5A	464	42,5	3						
Cob(I)yrinic acid a,c-diamide adenosyltransferase, mitochondrial	Q96EY8	MMAB	466	12	3	1,18	0,348	0,92	0,543	1,04	0,764
V-type proton ATPase subunit F	Q16864	ATP6V1F	467	25,2	3	1,22	0,738	0,94	0,655	1,23	0,288
40S ribosomal protein S14	P62263	RPS14	468	23,8	3	0,70	0,725	0,86	0,756	1,10	0,783
Adenine phosphoribosyltransferase	P07741	APRT	471	17,2	3	1,22	0,290	0,93	0,748	1,13	0,546
Epoxide hydrolase 1	P07099	EPHX1	472	9,9	3	1,48	0,104	1,16	0,443	1,23	0,348
Putative cytochrome b-c1 complex subunit Rieske-like protein 1	P0C7P4	UQCRC1	475	31,1	3	1,14	0,420	1,15	0,393	1,07	0,613
60S ribosomal protein L14	P50914	RPL14	476	34,4	3	1,38		1,33		1,47	
Lamin-B receptor	Q14739	LBR	477	10,4	3	0,77	0,281	0,94	0,654	0,91	0,531
Peroxisomal membrane protein PEX14	O75381	PEX14	478	12,7	3	0,74	0,202	1,06	0,918	0,72	0,184
Transcription factor BTF3 homolog 4	Q96K17	BTF3L4	480	12,7	3	0,97	0,951	0,67	0,277	0,89	0,525
ATP-dependent Clp protease ATP-binding subunit clpX-like, mitoc	O76031	CLPX	481	10,4	3	0,68	0,150	0,95	0,846	0,80	0,344
Interferon-induced protein with tetratricopeptide repeats 2	P09913	IFIT2	483	10,2	3	1,49	0,217	6,74	0,005	7,48	0,003
Mitochondrial import receptor subunit TOM70	O94826	TOMM70A	484	13,5	3	1,23	0,348	1,52	0,324	1,26	0,369
Adipocyte plasma membrane-associated protein	Q9HDC9	APMAP	487	23,8	3	0,98		0,32		0,78	
Apolipoprotein L2	Q9BQE5	APOL2	488	17,5	3	0,95	0,794	1,08	0,338	1,26	0,008
CD166 antigen	Q13740	ALCAM	489	10,5	3	0,84	0,334	1,31	0,226	1,12	0,459
Aminoacyl tRNA synthase complex-interacting multifunctional pro	Q12904	AIMP1	495	13,8	3	0,96	0,913	0,80	0,302	1,03	0,936
Zinc finger FYVE domain-containing protein 16	Q7Z3T8	ZFYVE16	499	5,3	3	0,98	0,930	0,97	0,884	1,01	0,974
Dihydrolipoyllysine-residue acetyltransferase component of pyruva	P10515	DLAT	500	11	3	0,86	0,383	0,98	0,888	1,01	0,957
Pyruvate dehydrogenase E1 component subunit alpha, somatic form	P08559	PDHA1	501	9	3	2,36	0,073	1,57	0,137	1,32	0,395
Hydroxyacyl-coenzyme A dehydrogenase, mitochondrial	Q16836	HADH	503	14,7	3	1,18	0,154	1,03	0,709	0,89	0,264
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP3	Q00688	FKBP3	504	16,5	3	0,50		0,79		0,68	
Peroxisomal multifunctional enzyme type 2	P51659	HSD17B4	505	8,6	3	1,36	0,577	1,34	0,221	1,38	0,197
3-hydroxyisobutyrate dehydrogenase, mitochondrial	P31937	HIBADH	506	26,5	3	1,08	0,790	1,22	0,295	1,21	0,423
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit beta-3	P54709	ATP1B3	507	23,3	3	0,98	0,843	1,04	0,706	0,98	0,814

Protein PRRC2C	Q9Y520	PRRC2C	510	5,1	3							
Rab11 family-interacting protein 1	Q6WKZ4	RAB11FIP1	512	6,7	3	1,85		1,02		0,78		
CDGSH iron-sulfur domain-containing protein 2	Q8N5K1	CISD2	513	31,9	3	1,43	0,220	1,41	0,182	1,32		0,276
Golgi SNAP receptor complex member 1	O95249	GOSR1	514	15,6	3	1,24		1,46		1,07		
Sorting nexin-3	O60493	SNX3	518	21	3	0,78	0,241	0,59	0,119	0,79		0,358
Bifunctional glutamate/proline-tRNA ligase	P07814	EPRS	519	10,6	3	0,66	0,177	0,92	0,674	0,78		0,101
PDZ and LIM domain protein 7	Q9NR12	PDLIM7	520	7,7	3	0,71	0,340	0,67	0,218	0,82		0,293
Reticulocalbin-2	Q14257	RCN2	521	25,6	3							
Synaptosomal-associated protein 29	O95721	SNAP29	523	29,1	3	0,86	0,478	0,71	0,264	0,89		0,294
Ubiquitin-fold modifier 1	P61960	UFM1	524	48,2	3	0,95	0,613	0,90	0,595	0,89		0,557
3-ketoacyl-CoA thiolase, peroxisomal	P09110	ACAA1	527	18,6	3							
Glutaredoxin-related protein 5, mitochondrial	Q86SX6	GLRX5	530	45,2	3							
Translationally-controlled tumor protein	P13693	TPT1	536	23,3	3	1,04	0,806	1,05	0,884	1,16		0,748
Eukaryotic initiation factor 4A-I	P60842	EIF4A1	537	19,7	3	1,01	0,980	0,84	0,339	1,04		0,852
NADH-cytochrome b5 reductase 3	P00387	CYB5R3	538	15	3	1,32	0,617	1,37	0,194	1,17		0,365
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 11	O00231	PSMD11	540	23,9	3	1,56		1,27		1,03		
Transforming protein RhoA	P61586	RHOA	543	20,7	3	0,80	0,271	0,91	0,512	0,97		0,802
Integrin alpha-X	P20702	ITGAX	552	8,3	3	1,44	0,326	1,59	0,522	1,58		0,180
Twinfilin-2	Q6IBS0	TWF2	553	12,9	3							
Clathrin heavy chain 1	Q00610	CLTC	554	8,4	3	1,48	0,201	1,89	0,334	1,55		0,145
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP2	P26885	FKBP2	556	18,3	3	1,02	0,904	0,89	0,452	0,93		0,618
Glucosylceramidase	P04062	GBA	561	7,8	3	0,98		1,19		1,32		
40S ribosomal protein S12	P25398	RPS12	565	28	3	0,75	0,266	0,93	0,633	0,93		0,611
Centrosomal protein of 170 kDa	Q5SW79	CEP170	569	8,2	3	1,79	0,306	1,34	0,723	1,20		0,796
Integrin alpha-5	P08648	ITGA5	571	3,3	3	0,96	0,744	1,01	0,964	0,94		0,848
Ubiquitin-associated protein 2-like	Q14157	UBAP2L	580	11,5	3	1,03		0,70		0,82		
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein Q	O60506	SYNCRIP	582	17,7	3	0,63	0,219	0,84	0,558	0,69		0,048
Eukaryotic translation initiation factor 1A, X-chromosomal	P47813	EIF1AX	583	34	3	0,74	0,216	0,72	0,191	0,94		0,646
Protein S100-A10	P60903	S100A10	590	33	3	1,77		3,22		2,56		
Glia maturation factor gamma	O60234	GMFG	591	26,8	3	0,68	0,251	0,69	0,169	0,75		0,214
Lysosome-associated membrane glycoprotein 2	P13473	LAMP2	593	7,8	3	0,79		1,05		1,01		
Protein S100-A11	P31949	S100A11	605	28,6	3	1,64	0,142	1,40	0,237	1,07		0,647
Activated RNA polymerase II transcriptional coactivator p15	P53999	SUB1	608	36,2	3	0,40	0,072	0,60	0,166	0,57		0,115
40S ribosomal protein S28	P62857	RPS28	616	30,4	3	0,62	0,132	0,63	0,137	0,78		0,341
Ubiquilin-1	Q9UMX0	UBQLN1	618	8,7	3							
60S acidic ribosomal protein P1	P05386	RPLP1	620	49,1	3	0,62		0,78		0,88		
Dehydrogenase/reductase SDR family member 4	Q9BTZ2	DHRS4	622	10,1	3	1,02	0,962	1,02	0,892	1,11		0,713
Voltage-dependent anion-selective channel protein 2	P45880	VDAC2	623	9,5	3	1,61		1,69		1,25		
DnaJ homolog subfamily C member 8	O75937	DNAJC8	627	12,3	3	0,84		0,69		0,78		
40S ribosomal protein S26	P62854	RPS26	638	32,2	3	1,01		0,78		0,79		
Enoyl-CoA delta isomerase 1, mitochondrial	P42126	ECI1	639	13,3	3	2,22		1,24		1,62		
60S ribosomal protein L23	P62829	RPL23	645	16,4	3	1,34		1,48		1,90		
ATP synthase subunit g, mitochondrial	O75964	ATP5L	648	25,2	3	4,69		2,68		3,55		
Small ubiquitin-related modifier 2	P61956	SUMO2	652	23,2	3	0,56	0,171	0,57	0,237	0,56		0,391



Chromobox protein homolog 3	Q13185	CBX3	662	27,3	3						
Ras suppressor protein 1	Q15404	RSU1	663	31,1	3	1,09		0,96		0,95	
Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12A	O14974	PPP1R12A	664	10,3	3	0,85		1,38		0,88	
Girdin	Q3V6T2	CCDC88A	676	9	3	0,89	0,766	1,00	0,994	0,96	0,835
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 12	Q05209	PTPN12	682	8,5	3	1,28		1,50		0,94	
Vesicle transport through interaction with t-SNAREs homolog 1B	Q9UEU0	VTI1B	685	21,6	3	0,93		0,66		0,87	
Carnitine O-palmitoyltransferase 2, mitochondrial	P23786	CPT2	687	9,7	3	1,10		1,24		0,85	
Serine/threonine-protein kinaseR1	O95747	OXSR1	698	17,5	3	0,62	0,134	0,94	0,806	0,85	0,364
Apoptosis-inducing factor 1, mitochondrial	O95831	AIFM1	701	13,9	3	1,01		0,74		0,86	
Annexin A6	P08133	ANXA6	710	12,9	3	2,98	0,083	1,60	0,132	1,28	0,383
Atlastin-3	Q6DD88	ATL3	720	10,4	3	1,25		0,95		1,17	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur protein 5	O43920	NDUFS5	721	30,2	3	0,93	0,596	0,98	0,890	0,71	0,179
Ras-related protein Ral-A	P11233	RALA	735	15,1	3	1,39		1,48		1,65	
Signal recognition particle receptor subunit alpha	P08240	SRPR	741	16	3	1,04		0,88		1,17	
Glutaminase kidney isoform, mitochondrial	O94925	GLS	744	13,2	3	0,92	0,513	0,88	0,748	1,08	0,762
Gamma-aminobutyric acid receptor-associated protein-like 2	P60520	GABARAPL2	760	38,5	3	0,76	0,249	0,86	0,428	0,82	0,325
Golgi resident protein GCP60	Q9H3P7	ACBD3	781	10,2	3						
CD276 antigen	Q5ZPR3	CD276	814	6,4	3						
Microtubule-actin cross-linking factor 1, isoforms 1/2/3/5	Q9UPN3	MACF1	836	4,9	3						
Cathepsin L1	P07711	CTSL1	890	9,3	3						
TATA-binding protein-associated factor 2N	Q92804	TAF15	930	12,7	3						
UV excision repair protein RAD23 homolog A	P54725	RAD23A	932	8	3	0,86		1,23		0,68	
Vesicle-associated membrane protein-associated protein B/C	O95292	VAPB	934	15,2	3	1,26		1,30		1,31	
RNA-binding protein EWS	Q01844	EWSR1	939	5,2	3	0,63		0,72		0,61	
Absent in melanoma 1 protein	Q9Y4K1	AIM1	508	7,1	2	0,68	0,179	1,04	0,786	0,79	0,282
Cytochrome b-245 heavy chain	P04839	CYBB	525	5,4	2	1,26		1,61		1,29	
Lysozyme C	P61626	LYZ	533	19,6	2	0,18	0,044	0,41	0,072	0,43	0,076
Lysine--tRNA ligase	Q15046	KARS	539	11,9	2	1,80		1,10		1,16	
Torsin-1A-interacting protein 1	Q5JTV8	TOR1AIP1	544	22	2	1,70	0,119	1,32	0,244	1,48	0,298
Nuclear mitotic apparatus protein 1	Q14980	NUMA1	547	12	2	1,15	0,603	1,17	0,525	1,16	0,663
Niban-like protein 1	Q96TA1	FAM129B	550	11,7	2	0,75	0,250	0,68	0,017	0,89	0,356
Integrin alpha-M	P11215	ITGAM	555	5,7	2	0,85		1,08		1,77	
40S ribosomal protein S15a	P62244	RPS15A	558	17,7	2	0,65	0,050	0,79	0,387	0,96	0,723
Protein numb homolog	P49757	NUMB	559	6,5	2	1,79	0,277	1,48	0,285	1,71	0,240
Flavin reductase (NADPH)	P30043	BLVRB	562	23,3	2	0,84		1,13		0,96	
NADPH--cytochrome P450 reductase	P16435	POR	563	9	2	1,64	0,091	1,35	0,066	1,26	0,175
Calpain small subunit 1	P04632	CAPNS1	564	7,1	2	0,88	0,418	0,96	0,812	0,97	0,756
Golgi-associated plant pathogenesis-related protein 1	Q9H4G4	GLIPR2	566	20,8	2	1,13	0,872	1,19	0,807	1,27	0,761
Intercellular adhesion molecule 3	P32942	ICAM3	568	11,2	2	1,01		1,05		0,60	
Guanine nucleotide-binding protein G(I)/G(S)/G(T) subunit beta-1	P62873	GNB1	570	19,7	2						
Signal recognition particle receptor subunit beta	Q9Y5M8	SRPRB	573	34,7	2	0,83	0,399	0,97	0,794	0,76	0,222
Splicing factor 3B subunit 1	O75533	SF3B1	576	12	2	1,43		1,60		1,05	
Vacuolar protein sorting-associated protein 35	Q96QK1	VPS35	579	10,1	2	1,01	0,977	0,99	0,936	1,11	0,499
S-phase kinase-associated protein 1	P63208	SKP1	581	16	2	0,77	0,335	0,82	0,312	0,90	0,489

Stromal interaction molecule 1	Q13586	STIM1	584	7,2	2	1,39		1,28		0,90	
Rho GDP-dissociation inhibitor 1	P52565	ARHGDI1A	585	27	2	0,87		0,88		0,81	
Synaptosomal-associated protein 23	O00161	SNAP23	586	22,8	2	0,92	0,613	1,04	0,888	0,88	0,714
GTP:AMP phosphotransferase, mitochondrial	Q9UIJ7	AK3	588	21,2	2	1,13	0,469	0,93	0,805	1,20	0,503
Bcl-2-like protein 13	Q9BXX5	BCL2L13	589	7,2	2	0,76		0,93		0,67	
Fatty acid-binding protein, heart	P05413	FABP3	592	30,8	2	1,07	0,807	0,95	0,864	0,93	0,905
Histone H4	P62805	HIST1H4A	594	40,8	2	0,91	0,778	3,44	0,051	1,26	0,464
GTP-binding nuclear protein Ran	P62826	RAN	595	16,2	2	2,24		2,68		2,15	
Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2	Q13409	DYNC1I2	596	9,2	2						
Formin-binding protein 1	Q96RU3	FNBP1	597	11	2	0,95	0,828	0,78	0,245	1,11	0,485
Hydroxyacylglutathione hydrolase, mitochondrial	Q16775	HAGH	598	15,3	2	0,70		0,56		0,72	
Anion exchange protein 2	P04920	SLC4A2	599	5,7	2						
Dehydrogenase/reductase SDR family member 7	Q9Y394	DHRS7	600	26,3	2	1,19	0,353	1,03	0,851	0,95	0,734
Succinyl-CoA ligase [ADP-forming] subunit beta, mitochondrial	Q9P2R7	SUCLA2	601	8,4	2	0,91		1,34		1,63	
Pyruvate dehydrogenase E1 component subunit beta, mitochondrial	P11177	PDHB	602	7,2	2	0,93	0,586	1,12	0,491	0,90	0,489
Translocation protein SEC62	Q99442	SEC62	603	9	2	1,12	0,624	1,05	0,729	1,03	0,852
Signal peptidase complex catalytic subunit SEC11A	P67812	SEC11A	604	15,1	2	1,79	0,198	1,11	0,487	0,97	0,787
Delta(24)-sterol reductase	Q15392	DHCR24	607	9,9	2	1,62	0,204	0,90	0,484	1,15	0,387
Disintegrin and metalloproteinase domain-containing protein 17	P78536	ADAM17	609	7,2	2	1,51		0,77		0,65	
ATPase inhibitor, mitochondrial	Q9UII2	ATPIF1	611	32,1	2	1,01	0,912	1,09	0,562	0,95	0,750
Small ubiquitin-related modifier 1	P63165	SUMO1	612	39,6	2	0,56		0,93		0,47	
U6 snRNA-associated Sm-like protein LSM3	P62310	LSM3	613	30,4	2	0,85		0,89		1,10	
Glycine cleavage system H protein, mitochondrial	P23434	GCSH	614	22	2						
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur protein 4, mitochondrion	O43181	NDUFS4	615	23,4	2	1,06	0,834	1,37	0,323	0,74	0,403
Putative phospholipase B-like 2	Q8NHP8	PLBD2	625	6,8	2	0,83	0,313	1,09	0,556	1,00	0,996
UMP-CMP kinase	P30085	CMPK1	626	18,4	2	1,03		0,85		0,88	
Transmembrane emp24 domain-containing protein 7	Q9Y3B3	TMED7	628	17	2						
Leukocyte surface antigen CD47	Q08722	CD47	629	14,2	2	0,93	0,842	1,07	0,786	1,27	0,533
Fatty acid-binding protein, adipocyte	P15090	FABP4	630	19,7	2	1,00		0,76		0,88	
Dihydropyrimidinase-related protein 2	Q16555	DPYSL2	631	4,7	2						
ATP-binding cassette sub-family F member 1	Q8NE71	ABCF1	632	9,9	2						
Wiskott-Aldrich syndrome protein family member 2	Q9Y6W5	WASF2	633	12,1	2	0,94	0,843	0,43	0,077	0,68	0,170
28 kDa heat- and acid-stable phosphoprotein	Q13442	PDAP1	634	25,4	2	1,27		0,96		0,65	
HLA class II histocompatibility antigen, DP beta 1 chain	P04440	HLA-DPB1	635	18,6	2	0,66	0,170	0,90	0,535	0,91	0,565
AH receptor-interacting protein	O00170	AIP	636	14,6	2	0,60	0,204	0,79	0,252	0,86	0,551
Splicing factor 1	Q15637	SF1	637	7	2	0,74		1,16		0,84	
Cytochrome b-245 light chain	P13498	CYBA	640	21,5	2	1,70	0,153	1,29	0,250	1,23	0,298
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur protein 6, mitochondrion	O75380	NDUFS6	641	50	2	1,32	0,218	1,19	0,401	1,13	0,425
Thioredoxin domain-containing protein 17	Q9BRA2	TXNDC17	642	30,9	2	1,07		0,68		0,95	
Protein FAM162A	Q96A26	FAM162A	643	16,2	2	0,94	0,680	0,75	0,296	0,78	0,534
Syntaxin-4	Q12846	STX4	644	12,8	2						
Catechol O-methyltransferase	P21964	COMT	646	7,4	2	1,30		1,11		1,09	
CD9 antigen	P21926	CD9	647	10,1	2	0,66	0,213	0,75	0,229	0,76	0,223
Mitochondrial fission 1 protein	Q9Y3D6	FIS1	649	15,8	2						

Sulfiredoxin-1	Q9BYN0	SRXN1	650	18,3	2						
28S ribosomal protein S36, mitochondrial	P82909	MRPS36	651	24,3	2	1,66	0,175	1,29	0,271	1,19	0,383
Emerin	P50402	EMD	653	9,1	2	0,98		0,69		0,68	
60S ribosomal protein L29	P47914	RPL29	654	14,5	2	0,35		0,56		0,36	
Lymphocyte function-associated antigen 3	P19256	CD58	655	6,4	2	0,87	0,395	1,07	0,622	1,06	0,679
Copper transport protein ATOX1	O00244	ATOX1	656	25	2	0,80		0,88		0,99	
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit D	O15371	EIF3D	659	7,3	2	0,67		1,13		0,78	
Ribonuclease T2	O00584	RNASET2	660	13,7	2	0,51		1,24		0,63	
WAS/WASL-interacting protein family member 1	O43516	WIPF1	661	5	2	1,01	0,974	0,82	0,293	0,97	0,832
Mitochondrial import inner membrane translocase subunit TIM44	O43615	TIMM44	665	11,1	2	1,55		1,10		0,95	
Tetratricopeptide repeat protein 1	Q99614	TTC1	666	14,7	2	1,19		0,82		0,83	
C-Myc-binding protein	Q99417	MYCBP	667	30,1	2	0,69		0,83		0,96	
Ragulator complex protein LAMTOR1	Q6IAA8	LAMTOR1	668	15,5	2	1,35	0,687	1,53	0,626	1,37	0,710
182 kDa tankyrase-1-binding protein	Q9C0C2	TNKS1BP1	670	3,1	2	0,83	0,804	1,13	0,437	0,96	0,736
3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase type-2	Q99714	HSD17B10	671	15,3	2	0,64		0,93		0,61	
DnaJ homolog subfamily B member 1	P25685	DNAJB1	672	10,6	2						
Torsin-1A-interacting protein 2	Q8NFAQ8	TOR1AIP2	673	9,1	2						
Histidine triad nucleotide-binding protein 1	P49773	HINT1	675	20,6	2	1,18	0,337	0,83	0,566	1,02	0,926
Translocator protein	P30536	TSPO	677	9,5	2	1,35	0,202	1,18	0,346	1,16	0,467
Histone H1.2	P16403	HIST1H1C	678	18,3	2	0,62		0,87		0,73	
Aflatoxin B1 aldehyde reductase member 2	O43488	AKR7A2	679	11,4	2	0,96		1,08		0,76	
Ribosome-recycling factor, mitochondrial	Q96E11	MRRF	680	20,2	2	0,98	0,886	1,06	0,664	0,69	0,170
Coiled-coil domain-containing protein 6	Q16204	CCDC6	681	12,9	2	0,93	0,719	0,78	0,346	0,92	0,564
Lysophosphatidylcholine acyltransferase 2	Q7L5N7	LPCAT2	683	5,1	2	0,89	0,633	1,15	0,345	1,01	0,924
39S ribosomal protein L17, mitochondrial	Q9NRX2	MRPL17	686	9,1	2	1,00	0,991	0,94	0,660	0,94	0,762
Transcription factor BTF3	P20290	BTF3	688	25,2	2	0,75		0,78		0,86	
Reticulon-3	O95197	RTN3	689	5,5	2	1,11	0,842	1,10	0,504	0,90	0,736
Actin-related protein 2/3 complex subunit 3	O15145	ARPC3	690	15,7	2	1,17		0,90		1,22	
Rho guanine nucleotide exchange factor 1	Q92888	ARHGEF1	691	5,8	2						
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 1	P18031	PTPN1	692	8,3	2	1,40		1,10		1,51	
Transmembrane protein 43	Q9BTV4	TMEM43	693	17,5	2						
Dynammin-like 120 kDa protein, mitochondrial	O60313	OPA1	694	11,2	2	1,48		0,94		1,28	
Mitogen-activated protein kinase 1	P28482	MAPK1	695	15,3	2	0,97		0,92		1,18	
NADH dehydrogenase [ubiquinone] flavoprotein 2, mitochondrial	P19404	NDUFV2	696	20,1	2	0,77		0,90		0,92	
E3 UFM1-protein ligase 1	O94874	UFL1	697	10	2	0,96	0,788	0,72	0,553	0,97	0,808
Regulator of microtubule dynamics protein 3	Q96TC7	FAM82A2	699	12,3	2						
Deoxyribonuclease-2-alpha	O00115	DNASE2	700	11,1	2	0,64	0,201	0,83	0,304	0,65	0,144
Isocitrate dehydrogenase [NAD] subunit beta, mitochondrial	O43837	IDH3B	702	13,3	2	1,36	0,203	1,20	0,361	1,10	0,723
Coatmer subunit delta	P48444	ARCN1	703	13,3	2	1,17	0,354	0,99	0,984	1,07	0,791
Nuclear autoantigenic sperm protein	P49321	NASP	704	6,2	2	1,03	0,894	0,81	0,518	0,90	0,653
SRA stem-loop-interacting RNA-binding protein, mitochondrial	Q9GZT3	SLIRP	705	50,5	2	0,82	0,678	1,01	0,977	0,86	0,728
Redox-regulatory protein FAM213A	Q9BRX8	FAM213A	708	14	2	1,21		0,80		1,07	
Dipeptidyl peptidase 2	Q9UHL4	DPP7	709	14,2	2						
AP-2 complex subunit alpha-1	O95782	AP2A1	711	5,1	2	1,75		1,60		0,95	

Abhydrolase domain-containing protein 10, mitochondrial	Q9NUJ1	ABHD10	712	19,6	2							
Alkylldihydroxyacetonephosphate synthase, peroxisomal	O00116	AGPS	713	10,8	2							
Fatty aldehyde dehydrogenase	P51648	ALDH3A2	714	15,3	2	1,49	0,046	1,01	0,950	1,13	0,285	
Protein disulfide-isomerase TMX3	Q96JJ7	TMX3	715	7,3	2	1,03	0,899	1,08	0,736	0,90	0,610	
Putative sodium-coupled neutral amino acid transporter 10	Q9HBR0	SLC38A10	716	5,5	2	0,87		0,87		0,54		
39S ribosomal protein L38, mitochondrial	Q96DV4	MRPL38	717	17,1	2	0,98		0,49		0,63		
60S ribosomal protein L36	Q9Y3U8	RPL36	718	16,2	2	0,63		0,71		0,69		
60S ribosomal protein L11	P62913	RPL11	722	11,8	2	0,87	0,819	0,85	0,516	1,02	0,954	
60S ribosomal protein L8	P62917	RPL8	723	15,6	2	0,56		0,50		1,06		
Hexokinase-2	P52789	HK2	724	7,4	2	1,19	0,663	1,03	0,950	1,05	0,908	
V-type proton ATPase subunit S1	Q15904	ATP6AP1	726	9,1	2	1,22	0,336	1,08	0,591	1,15	0,426	
EH domain-containing protein 1	Q9H4M9	EHD1	727	9,6	2	1,60		1,06		1,80		
Delta(3,5)-Delta(2,4)-dienoyl-CoA isomerase, mitochondrial	Q13011	ECH1	728	7	2	1,50		0,92		1,05		
Matrix metalloproteinase-9	P14780	MMP9	729	5	2							
Programmed cell death 6-interacting protein	Q8WUM4	PDCD6IP	731	7,8	2	1,04		1,05		1,20		
UPF0368 protein Cxorf26	Q9BVG4	CXorf26	733	18,5	2	1,25		0,58		0,84		
Sperm-specific antigen 2	P28290	SSFA2	734	5,6	2							
Charged multivesicular body protein 4a	Q9BY43	CHMP4A	736	15,8	2							
Macrophage migration inhibitory factor	P14174	MIF	737	17,4	2	0,73		0,54		1,02		
Sorting nexin-6	Q9UNH7	SNX6	738	15,8	2							
Ribonuclease inhibitor	P13489	RNH1	739	3,5	2	1,10		1,01		1,09		
UBX domain-containing protein 4	Q92575	UBXN4	740	7,3	2	0,78	0,673	1,10	0,504	0,96	0,864	
Ubiquitin-like-conjugating enzyme ATG3	Q9NT62	ATG3	742	13,1	2	0,85	0,340	0,98	0,897	1,18	0,404	
Antigen peptide transporter 1	Q03518	TAP1	743	7,6	2							
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 5	P25942	CD40	745	6,5	2	1,01	0,961	1,50	0,153	1,06	0,705	
Histone H2B type 1-M	Q99879	HIST1H2BM	746	27	2	0,67		2,43		1,06		
KH domain-containing, RNA-binding, signal transduction-associated	Q07666	KHDRBS1	748	14,9	2	1,13	0,360	1,19	0,181	1,14	0,257	
Carbonyl reductase [NADPH] 1	P16152	CBR1	749	9,7	2	0,95	0,703	1,01	0,979	1,11	0,638	
40S ribosomal protein S23	P62266	RPS23	750	19,6	2	1,79	0,831	0,96	0,978	0,71	0,851	
Utrophin	P46939	UTRN	751	5,4	2							
40S ribosomal protein S11	P62280	RPS11	752	18,4	2	0,61	0,194	0,80	0,305	0,93	0,584	
Thromboxane-A synthase	P24557	TBXAS1	753	7,5	2	1,16		0,49		1,08		
Early endosome antigen 1	Q15075	EEA1	754	15	2	1,22	0,798	1,29	0,454	1,30	0,642	
Single-stranded DNA-binding protein, mitochondrial	Q04837	SSBP1	757	24,3	2	1,03		0,92		1,00		
Galectin-9	O00182	LGALS9	763	13,8	2	0,82	0,325	0,92	0,756	1,10	0,690	
Histone H2A.V	Q71UI9	H2AFV	764	21,1	2	1,14		2,36		1,16		
Putative ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit, mitochondrion	Q16740	CLPP	766	12,3	2	2,30		1,59		0,97		
Tricarboxylate transport protein, mitochondrial	P53007	SLC25A1	768	7,7	2	1,24		1,19		0,98		
Serine/arginine-rich splicing factor 2	Q01130	SRSF2	773	11,3	2	0,87	0,388	0,78	0,245	0,87	0,390	
Ribonuclease K6	Q93091	RNASE6	777	13,3	2	0,73		0,95		0,85		
cAMP-dependent protein kinase type I-alpha regulatory subunit	P10644	PRKAR1A	783	15	2	1,17		0,99		1,12		
ADP-ribosylation factor-like protein 8B	Q9NVJ2	ARL8B	788	14,5	2	1,36		1,26		1,44		
39S ribosomal protein L11, mitochondrial	Q9Y3B7	MRPL11	790	22,4	2	2,58		1,87		2,32		
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur protein 3, mitochondrion	O75489	NDUFS3	792	15,2	2	0,97		2,17		1,45		

LEM domain-containing protein 2	Q8NC56	LEMD2	794	13,9	2	1,08		1,29		1,56	
N-acetyl-D-glucosamine kinase	Q9UJ70	NAGK	795	14,8	2	1,62		1,91		2,15	
Protein S100-A6	P06703	S100A6	797	16,7	2	0,99	0,974	1,08	0,708	0,87	0,386
Adenylate kinase isoenzyme 4, mitochondrial	P27144	AK4	818	13,9	2	1,13		0,37		0,85	
Myeloid cell nuclear differentiation antigen	P41218	MNDA	822	7,1	2						
Inhibitor of nuclear factor kappa-B kinase-interacting protein	Q70UQ0	IKBIP	833	10	2	1,32		1,28		1,39	
EGF-like module-containing mucin-like hormone receptor-like 2	Q9UHX3	EMR2	837	7,7	2	0,90		0,90		0,95	
High mobility group protein B2	P26583	HMGB2	838	14,4	2	0,55		0,39		0,54	
60S ribosomal protein L35	P42766	RPL35	851	26	2	0,52		0,68		0,76	
Actin-related protein 2/3 complex subunit 5-like protein	Q9BPX5	ARPC5L	864	22,9	2	0,69	0,609	0,93	0,628	0,91	0,839
Ras-related protein Rab-6A	P20340	RAB6A	865	28,9	2	1,27		1,13		1,26	
A-kinase anchor protein 13	Q12802	AKAP13	868	4,4	2	1,39		0,72		1,09	
Wolframin	O76024	WFS1	870	6,2	2	0,73		0,71		0,67	
Cold shock domain-containing protein E1	O75534	CSDE1	872	7	2	0,98		0,72		0,82	
UPF0449 protein C19orf25	Q9UFG5	C19orf25	883	17	2	0,83		0,87		0,91	
cAMP-dependent protein kinase catalytic subunit alpha	P17612	PRKACA	887	19,7	2						
MAP7 domain-containing protein 1	Q3KQU3	MAP7D1	888	15,5	2						
U1 small nuclear ribonucleoprotein A	P09012	SNRPA	889	6	2	0,94	0,732	1,28	0,496	1,09	0,598
Band 4.1-like protein 1	Q9H4G0	EPB41L1	893	8,4	2						
Serine/threonine-protein phosphatase 6 regulatory subunit 1	Q9UPN7	PPP6R1	914	4,9	2						
Mitochondrial import receptor subunit TOM20 homolog	Q15388	TOMM20	919	20,7	2						
Aspartyl/asparaginyl beta-hydroxylase	Q12797	ASPH	935	5,9	2						
Ras-related protein Rab-27A	P51159	RAB27A	936	11,8	2						
Guanine nucleotide-binding protein subunit alpha-13	Q14344	GNA13	938	12,2	2						
Ras-related protein Rab-14	P61106	RAB14	940	18,6	2	0,91		1,17		0,83	
Solute carrier family 15 member 3	Q8IY34	SLC15A3	941	5,7	2	0,72		1,07		1,00	
C5a anaphylatoxin chemotactic receptor	P21730	C5AR1	942	5,7	2						
Hexokinase-3	P52790	HK3	952	3,5	2						
UPF0556 protein C19orf10	Q969H8	C19orf10	1049	12,1	2	1,68		1,30		1,33	
Vacuolar protein sorting-associated protein 4A	Q9UN37	VPS4A	1053	6,6	2	1,07		0,87		0,90	
Splicing factor 3A subunit 1	Q15459	SF3A1	1056	8,1	2						
Mannose-P-dolichol utilization defect 1 protein	O75352	MPDU1	1064	6,1	2						
Protein 4.1	P11171	EPB41	1065	3,9	2						
Polyadenylate-binding protein 2	Q86U42	PABPN1	1067	24,5	2	1,23		0,92		1,52	
60S ribosomal protein L3	P39023	RPL3	1083	9,7	2	0,72		0,53		0,72	
Retinol dehydrogenase 11	Q8TC12	RDH11	1093	10,7	2	1,02		1,15		0,79	
Coagulation factor V	P12259	F5	1094	4,7	2						
Hydroxysteroid dehydrogenase-like protein 2	Q6YN16	HSDL2	706	17,2	1	0,97	0,810	0,93	0,583	0,91	0,606
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 alpha subcomplex subunit 7	O95182	NDUFA7	732	43,4	1	1,88		1,72		1,73	
Collagen type IV alpha-3-binding protein	Q9Y5P4	COL4A3BP	747	12	1						
C-Jun-amino-terminal kinase-interacting protein 4	O60271	SPAG9	755	4,7	1						
Lysosomal acid lipase/cholesteryl ester hydrolase	P38571	LIPA	756	7	1	0,33		0,35		0,63	
39S ribosomal protein L4, mitochondrial	Q9BYD3	MRPL4	758	14,2	1	1,49		0,80		1,76	
Glycerol-3-phosphate dehydrogenase, mitochondrial	P43304	GPD2	759	10,7	1	1,00	0,999	0,94	0,746	1,03	0,930

Protein NipSnap homolog 2	O75323	GBAS	761	19,6	1	1,22	0,140	0,95	0,754	1,06	0,571
Neutrophil cytosol factor 4	Q15080	NCF4	762	13	1	1,45		1,55		1,24	
ATPase family AAA domain-containing protein 3A	Q9NVI7	ATAD3A	765	12,6	1	1,23	0,543	1,16	0,524	1,06	0,655
Epidermal growth factor receptor substrate 15-like 1	Q9UBC2	EPS15L1	767	8	1	0,71		0,72		0,84	
Melanoma inhibitory activity protein 3	Q5JRA6	MIA3	769	8,5	1	0,80	0,260	1,08	0,614	0,85	0,354
Glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase	P11413	G6PD	770	8,5	1	1,11		1,63		1,07	
Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosyltransferase sut	P04844	RPN2	771	4,8	1	1,34		1,52		1,00	
Transcription elongation factor B polypeptide 2	Q15370	TCEB2	772	12,7	1	0,87	0,587	0,66	0,197	0,76	0,533
Proteasome subunit alpha type-4	P25789	PSMA4	774	11,5	1	0,98	0,963	1,02	0,949	1,02	0,935
General vesicular transport factor p115	O60763	USO1	775	8,1	1	1,37		1,33		1,26	
Prefoldin subunit 3	P61758	VBP1	776	24,9	1						
Beta-glucuronidase	P08236	GUSB	778	3,5	1	1,17	0,366	1,23	0,573	1,44	0,228
Zinc finger CCCH-type antiviral protein 1	Q7Z2W4	ZC3HAV1	779	7,3	1	1,39		1,05		1,78	
PML-RARA-regulated adapter molecule 1	Q96QH2	PRAM1	780	16,9	1	1,38		1,17		1,44	
NAD-dependent malic enzyme, mitochondrial	P23368	ME2	782	3,8	1	1,26		1,24		1,27	
T-lymphoma invasion and metastasis-inducing protein 1	Q13009	TIAM1	784	6,2	1	1,28		0,77		1,32	
Serine/threonine-protein phosphatase 2A 65 kDa regulatory subuni	P30153	PPP2R1A	785	9,2	1	0,81	0,333	0,82	0,354	0,93	0,603
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit beta-1	P05026	ATP1B1	786	11,6	1	0,90	0,813	1,01	0,937	1,07	0,821
Hypoxanthine-guanine phosphoribosyltransferase	P00492	HPRT1	787	8,3	1	1,01		0,98		1,76	
60S ribosomal protein L5	P46777	RPL5	789	16,8	1	0,77	0,229	0,86	0,374	0,82	0,296
Ataxin-2-like protein	Q8WWM7	ATXN2L	791	7,2	1	1,18		1,05		1,29	
Protein phosphatase inhibitor 2	P41236	PPP1R2	793	17,1	1	1,25		0,84		1,20	
Regulator of G-protein signaling 10	O43665	RGS10	796	11,6	1	1,06		0,76		0,79	
Ornithine aminotransferase, mitochondrial	P04181	OAT	798	10,9	1	0,77		1,02		0,77	
Proliferation-associated protein 2G4	Q9UQ80	PA2G4	799	10,9	1						
Sulfotransferase 1A1	P50225	SULT1A1	800	9,5	1	0,79		0,80		1,02	
Bola-like protein 2	Q9H3K6	BOLA2	801	23,3	1	1,62		0,80		0,92	
Neuron navigator 2	Q8IVL1	NAV2	802	6,2	1						
26S protease regulatory subunit 8	P62195	PSMC5	803	22,4	1	1,38	0,129	1,02	0,872	1,12	0,368
Uncharacterized protein KIAA0564	A3KMH1	KIAA0564	804	4,1	1	1,17	0,671	1,16	0,700	1,15	0,615
LYR motif-containing protein 7	Q5U5X0	LYRM7	805	15,4	1	1,17	0,355	1,02	0,898	1,01	0,906
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 9	O00233	PSMD9	806	20,6	1	0,97		1,08		1,05	
Monoacylglycerol lipase ABHD12	Q8N2K0	ABHD12	807	15,1	1	2,41		1,51		2,48	
RANBP2-like and GRIP domain-containing protein 5/6	Q99666	RGPD5	808	7,6	1	0,75		0,79		0,66	
Cytochrome c1, heme protein, mitochondrial	P08574	CYC1	809	13,2	1	1,52		1,11		1,42	
Sterol-4-alpha-carboxylate 3-dehydrogenase, decarboxylating	Q15738	NSDHL	810	7	1						
Dynactin subunit 1	Q14203	DCTN1	811	8,7	1	2,07		2,05		1,93	
Cytochrome b-c1 complex subunit 1, mitochondrial	P31930	UQCRC1	812	14,2	1	1,18	0,735	1,14	0,791	0,95	0,830
Secretory carrier-associated membrane protein 3	O14828	SCAMP3	813	12,4	1						
1-phosphatidylinositol 4,5-bisphosphate phosphodiesterase eta-1	Q4KWH8	PLCH1	815	6,2	1	99,59		87,89		43,03	
Solute carrier family 12 member 2	P55011	SLC12A2	816	6,6	1						
Protein-9	Q13438	OS9	817	8,1	1						
Endothelial differentiation-related factor 1	O60869	EDF1	819	21,6	1						
FH1/FH2 domain-containing protein 1	Q9Y613	FHOD1	820	9,2	1	0,88		1,01		0,80	

Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosyltransferase 48	P39656	DDOST	823	11,4	1	1,44		1,22		1,41	
Prefoldin subunit 6	O15212	PFDN6	824	27,9	1	0,70	0,170	0,76	0,222	0,82	0,292
Nicalin	Q969V3	NCLN	825	5,2	1	1,38		1,37		0,97	
T-complex protein 1 subunit eta	Q99832	CCT7	827	11,1	1	1,06		1,10		0,79	
Exportin-1	O14980	XPO1	828	5	1						
REVERSED Eukaryotic translation initiation factor 4 gamma 1	RRRRQ0463	EIF4G1	829	7,1	1						
ATP-binding cassette sub-family D member 1	P33897	ABCD1	830	8,2	1						
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A/B	Q99729	HNRNPAB	831	6,6	1	1,43		1,74		1,26	
Glutathione reductase, mitochondrial	P00390	GSR	832	9,6	1	1,63		1,72		2,28	
Transmembrane emp24 domain-containing protein 5	Q9Y3A6	TMED5	834	7,4	1	1,39	0,196	1,35	0,216	1,12	0,698
Syntaxin-3	Q13277	STX3	835	6,2	1	0,74		0,78		0,76	
Rab GTPase-binding effector protein 1	Q15276	RABEP1	839	6,5	1	0,81		1,09		0,94	
Thioredoxin, mitochondrial	Q99757	TXN2	840	15,7	1						
Inosine-5'-monophosphate dehydrogenase 2	P12268	IMPDH2	841	5,8	1	1,07		0,87		1,05	
Ubiquitin fusion degradation protein 1 homolog	Q92890	UFD1L	842	11,1	1	0,68		0,81		0,75	
V-type proton ATPase subunit H	Q9UI12	ATP6V1H	843	9,3	1	0,75		0,61		0,51	
Dynammin-2	P50570	DNM2	844	6,2	1	1,05	0,700	1,07	0,827	1,10	0,730
Uncharacterized protein FLJ45252	Q6ZSR9	1 SV	845	13,2	1						
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 alpha subcomplex subunit 2	O43678	NDUFA2	846	26,3	1	1,10	0,777	0,65	0,603	0,85	0,538
Bcl2 antagonist of cell death	Q92934	BAD	847	13,1	1						
Transient receptor potential cation channel subfamily V member 2	Q9Y5S1	TRPV2	852	8,9	1	1,29	0,613	0,79	0,118	0,87	0,458
Cleavage and polyadenylation specificity factor subunit 6	Q16630	CPSF6	853	10,2	1	1,06		0,74		0,87	
Rho GTPase-activating protein 25	P42331	ARHGAP25	854	6	1						
Eukaryotic translation initiation factor 2A	Q9BY44	EIF2A	855	6,3	1						
Vigilin	Q00341	HDLBP	856	6,9	1						
Probable ATP-dependent RNA helicase DDX17	Q92841	DDX17	857	9,7	1	0,70		1,20		1,09	
ATP-dependent RNA helicase DDX3X	O00571	DDX3X	858	11,3	1	0,70	0,301	0,94	0,800	1,02	0,903
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 variant 2	Q15819	UBE2V2	859	32,4	1	1,22	0,304	0,79	0,496	0,94	0,718
Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosyltransferase subunit 2	P46977	STT3A	860	7,4	1	1,88	0,333	1,05	0,900	1,11	0,476
GTP-binding protein SAR1b	Q9Y6B6	SAR1B	861	12,6	1	1,32		1,39		1,44	
Beta-2-glycoprotein 1	P02749	APOH	862	8,4	1						
Coronin-1A	P31146	CORO1A	866	16,7	1	0,24		0,81		0,75	
Acylglycerol kinase, mitochondrial	Q53H12	AGK	867	8,1	1	0,84		1,19		0,72	
DNA replication licensing factor MCM3	P25205	MCM3	869	9,8	1	0,84		1,02		0,86	
Amyloid-like protein 2	Q06481	APLP2	871	6	1						
AT-rich interactive domain-containing protein 1A	O14497	ARID1A	873	4,3	1	1,56		1,84		1,90	
Coiled-coil and C2 domain-containing protein 1A	Q6P1N0	CC2D1A	874	6,6	1						
Ran GTPase-activating protein 1	P46060	RANGAP1	875	7,2	1	0,88		0,72		1,09	
Signal recognition particle 72 kDa protein	O76094	SRP72	876	6,3	1						
Glutathione synthetase	P48637	GSS	877	7,2	1	1,00		0,63		1,13	
MOB kinase activator 1A	Q9H8S9	MOB1A	878	16,2	1						
N-acetylgalactosaminyltransferase 7	Q86SF2	GALNT7	879	5,8	1						
Equilibrative nucleoside transporter 3	Q9BZD2	SLC29A3	880	4,2	1	1,15		0,84		1,16	
60S ribosomal protein L18	Q07020	RPL18	881	13,8	1						

6-phosphogluconolactonase	O95336	PGLS	882	10,9	1					
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	Q13541	EIF4EBP1	884	15,3	1					
Succinyl-CoA ligase [ADP/GDP-forming] subunit alpha, mitochondrion	P53597	SUCLG1	891	9,8	1	0,83		0,75		1,12
Stromal cell-derived factor 2-like protein 1	Q9HCN8	SDF2L1	892	12,7	1	0,74		0,79		0,78
Serine/threonine-protein kinase 24	Q9Y6E0	STK24	894	6,8	1	0,56		0,88		0,88
Death-inducer obliterator 1	Q9BTC0	DIDO1	895	5	1	0,96		0,76		0,74
Histidine triad nucleotide-binding protein 2, mitochondrial	Q9BX68	HINT2	896	46	1	1,24	0,666	0,81	0,850	0,72 0,776
CAAX prenyl protease 1 homolog	O75844	ZMPSTE24	897	12,6	1	1,90		1,16		0,82
Metastasis-associated protein MTA2	O94776	MTA2	898	8,5	1					
Interferon-induced, double-stranded RNA-activated protein kinase	P19525	EIF2AK2	899	14,5	1	0,73		1,13		1,07
Protein Niban	Q9BZQ8	FAM129A	900	3,9	1					
Corticosteroid 11-beta-dehydrogenase isozyme 1	P28845	HSD11B1	901	9,2	1					
Adenosine deaminase CECR1	Q9NZK5	CECR1	902	7,6	1	0,89		1,06		1,37
GRIP1-associated protein 1	Q4V328	GRIPAP1	903	7,4	1	0,76		0,81		0,92
Kinesin-1 heavy chain	P33176	KIF5B	904	3,2	1					
WD repeat-containing protein 44	Q5JSH3	WDR44	905	12,3	1					
G protein-regulated inducer of neurite outgrowth 3	Q6ZVF9	GPRIN3	906	11,2	1					
Golgi phosphoprotein 3	Q9H4A6	GOLPH3	907	17,5	1					
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 8	P48556	PSMD8	908	12	1	0,94		0,46		1,07
Dynamitin-1-like protein	O00429	DNM1L	909	6,5	1	0,75		1,25		1,04
Ras-related protein Rab-21	Q9UL25	RAB21	910	23,1	1	1,75		1,13		1,64
3-hydroxyacyl-CoA dehydratase 3	Q9P035	PTPLAD1	911	8,3	1					
Magnesium transporter protein 1	Q9H0U3	MAGT1	912	7,5	1	1,25		1,47		1,35
Mitochondrial carrier homolog 2	Q9Y6C9	MTCH2	913	8,3	1	2,00		1,28		1,30
Prefoldin subunit 2	Q9UHV9	PFDN2	915	16,2	1	1,18		0,96		0,95
PDZ and LIM domain protein 5	Q96HC4	PDLIM5	916	3,9	1	0,98		0,91		1,14
39S ribosomal protein L43, mitochondrial	Q8N983	MRPL43	917	12,1	1	0,80		0,62		1,10
NEDD8	Q15843	NEDD8	918	28,4	1	0,78		0,85		0,92
60S ribosomal protein L15	P61313	RPL15	920	10,8	1	0,70		0,69		1,04
SHC-transforming protein 1	P29353	SHC1	921	4,1	1					
Protein ETHE1, mitochondrial	O95571	ETHE1	922	13,8	1	1,48		1,59		0,63
Nuclear ubiquitin casein and cyclin-dependent kinase substrate 1	Q9H1E3	NUCKS1	923	12,4	1					
BOLA-like protein 3	Q53S33	BOLA3	924	14	1	0,96		1,23		1,39
Mitochondrial import inner membrane translocase subunit TIM50	Q3ZCQ8	TIMM50	925	4,8	1					
Erythrocyte band 7 integral membrane protein	P27105	STOM	926	5,2	1	0,97		1,48		1,34
Hexokinase-1	P19367	HK1	943	6	1					
Beta-1-syntrophin	Q13884	SNTB1	944	13,4	1					
Gamma-parvin	Q9HBI0	PARVG	945	8,5	1					
Phosphatidate cytidyltransferase 2	O95674	CDS2	946	6,3	1					
Cytochrome c oxidase subunit 2	P00403	MT-CO2	947	6,6	1	1,29		1,12		1,19
Protein S100-A8	P05109	S100A8	948	19,4	1	1,38		0,88		0,88
Proteasome subunit beta type-10	P40306	PSMB10	949	12,8	1	1,34		0,64		1,63
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP8	Q14318	FKBP8	950	3,9	1					
Beta-lactamase-like protein 2	Q53H82	LACTB2	951	13,9	1	0,99		0,83		0,92



Protein SON	P18583	SON	953	4,3	1	0,98	1,78	0,96
Protein flightless-1 homolog	Q13045	FLII	954	2,3	1	1,85	1,05	2,22
AP-3 complex subunit delta-1	O14617	AP3D1	955	5,8	1			
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 beta subcomplex subunit 3	O43676	NDUFB3	956	26,5	1	1,10	1,16	1,28
Voltage-gated hydrogen channel 1	Q96D96	HVCN1	957	13,6	1			
Sorting nexin-18	Q96RF0	SNX18	958	6,7	1			
Signal recognition particle 14 kDa protein	P37108	SRP14	959	21,3	1			
Ras-related protein Rap-2a	P10114	RAP2A	960	24,6	1			
60S ribosomal protein L21	P46778	RPL21	961	8,1	1			
Mitochondrial import inner membrane translocase subunit Tim8 A	O60220	TIMM8A	962	16,5	1	1,45	0,91	1,02
Deoxyribonucleoside 5'-monophosphate N-glycosidase	O43598	RCL	963	9,8	1			
26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 7	P51665	PSMD7	964	13	1	1,02	1,30	1,35
Gamma-glutamyl hydrolase	Q92820	GGH	965	8,5	1	0,92	1,11	0,62
Secretory carrier-associated membrane protein 2	O15127	SCAMP2	966	6,4	1			
cAMP-dependent protein kinase type II-alpha regulatory subunit	P13861	PRKAR2A	967	4,5	1	0,84	0,42	0,78
CD48 antigen	P09326	CD48	968	9,5	1			
REVERSED SCO-spondin	RRRRA2VEG	SSPO	969	3,2	1			
Bromodomain-containing protein 4	O60885	BRD4	970	2,5	1			
Methionine adenosyltransferase 2 subunit beta	Q9NZL9	MAT2B	971	9,9	1	1,06	1,09	0,94
ELAV-like protein 1	Q15717	ELAVL1	972	13,2	1	1,10	1,24	1,05
Matrix metalloproteinase-14	P50281	MMP14	973	4	1			
Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2	P21980	TGM2	974	2,9	1			
WD repeat-containing protein 1	O75083	WDR1	975	3,5	1			
Torsin-4A	Q9NXH8	TOR4A	976	13	1	1,29	1,22	1,45
Methyl-CpG-binding protein 2	P51608	MECP2	977	9,7	1			
Protein FAM98A	Q8NCA5	FAM98A	978	9,1	1			
Putative golgin subfamily A member 6B	A6NDN3	GOLGA6B	979	5,3	1			
REVERSED Tripartite motif-containing protein 71	RRRRQ2Q1V	TRIM71	980	5,8	1	1,92	0,90	1,91
WAS protein family homolog 6	Q9NQA3	WASH6P	981	8,1	1	0,56	0,54	0,63
Synaptotagmin-like protein 1	Q8IYJ3	SYTL1	982	5,9	1	0,95	0,98	0,79
UBX domain-containing protein 1	Q04323	UBXN1	983	11,5	1	0,73	0,58	1,01
26S protease regulatory subunit 6A	P17980	PSMC3	984	9,8	1	1,04	0,85	1,19
ATPase ASNA1	O43681	ASNA1	985	6,3	1			
L-amino-acid oxidase	Q96RQ9	IL4I1	986	5,1	1			
THO complex subunit 4	Q86V81	ALYREF	987	14	1	2,11	2,06	1,64
Transmembrane protein 33	P57088	TMEM33	988	6,5	1			
60S ribosomal protein L27a	P46776	RPL27A	989	16,2	1	1,14	0,72	0,88
HLA class II histocompatibility antigen, DM beta chain	P28068	HLA-DMB	990	8,7	1	0,77	1,20	0,81
28S ribosomal protein S23, mitochondrial	Q9Y3D9	MRPS23	991	10,5	1	1,00	1,31	0,89
Poly(U)-binding-splicing factor PUF60	Q9UHX1	PUF60	992	2,9	1			
CKLF-like MARVEL transmembrane domain-containing protein 6	Q9NX76	CMTM6	993	8,7	1			
NADH dehydrogenase [ubiquinone] 1 beta subcomplex subunit 11	Q9NX14	NDUFB11	994	9,8	1			
Acyl-coenzyme A thioesterase 13	Q9NPJ3	ACOT13	995	11,4	1	1,79	0,92	1,39
Vesicle-associated membrane protein 8	Q9BV40	VAMP8	996	12	1	0,92	0,96	0,98

BTB/POZ domain-containing protein KCTD12	Q96CX2	KCTD12	997	4,9	1			
Lipoma-preferred partner	Q93052	LPP	998	2,8	1			
Leukocyte immunoglobulin-like receptor subfamily B member 4	Q8NHJ6	LILRB4	999	4,9	1			
Abl interactor 1	Q8IZP0	ABI1	1000	3,7	1	1,06	0,88	1,10
Leukocyte-associated immunoglobulin-like receptor 1	Q6GTX8	LAIR1	1001	5,6	1	0,66	0,82	0,74
Frataxin, mitochondrial	Q16595	FXN	1002	11	1	1,15	1,90	1,54
Histone-binding protein RBBP7	Q16576	RBBP7	1003	4,2	1	1,24	1,09	2,08
Serine/threonine-protein phosphatase 2A activator	Q15257	PPP2R4	1004	9,2	1			
Eukaryotic translation initiation factor 4H	Q15056	EIF4H	1005	11,3	1	0,49	0,55	0,62
Sequestosome-1	Q13501	SQSTM1	1006	3,6	1			
Mitochondrial-processing peptidase subunit alpha	Q10713	PMPCA	1007	3	1			
Lactoylglutathione lyase	Q04760	GLO1	1008	7,6	1	1,21	0,93	0,83
60S ribosomal protein L24	P83731	RPL24	1009	8,3	1			
Platelet-activating factor acetylhydrolase IB subunit beta	P68402	PAFAH1B2	1010	7,4	1	0,91	0,96	0,98
Calcineurin subunit B type 1	P63098	PPP3R1	1011	10,6	1	1,08	0,85	0,74
BH3-interacting domain death agonist	P55957	BID	1012	10,3	1	0,74	0,96	1,02
Alpha-soluble NSF attachment protein	P54920	NAPA	1013	5,1	1	2,52	1,56	1,22
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein H3	P31942	HNRNPH3	1014	10,1	1	1,77	1,09	0,98
Cytochrome c oxidase subunit 6B1	P14854	COX6B1	1015	17,4	1	1,01	1,19	1,00
Delta-aminolevulinic acid dehydratase	P13716	ALAD	1016	5,8	1			
Zinc finger protein 207	O43670	ZNF207	1017	4,2	1			
Secretory carrier-associated membrane protein 1	O15126	SCAMP1	1018	5,6	1	1,06	1,02	0,88
FYN-binding protein	O15117	FYB	1019	2,2	1			
Golgi SNAP receptor complex member 2	O14653	GOSR2	1020	8,5	1			
Calcium-regulated heat stable protein 1	Q9Y2V2	CARHSP1	1021	10,9	1			
Syntaxin-8	Q9UNK0	STX8	1022	3	1	0,96	1,15	1,06
Vacuolar protein sorting-associated protein 29	Q9UBQ0	VPS29	1023	5,5	1			
Thioredoxin-related transmembrane protein 1	Q9H3N1	TMX1	1024	4,3	1	1,30	1,35	1,11
Twisted gastrulation protein homolog 1	Q9GZX9	TWSG1	1025	6,7	1			
Coiled-coil domain-containing protein 115	Q96NT0	CCDC115	1026	6,7	1			
Lysophospholipid acyltransferase LPCAT4	Q643R3	LPCAT4	1027	2,5	1			
Vesicle-associated membrane protein 3	Q15836	VAMP3	1028	17	1			
Urokinase plasminogen activator surface receptor	Q03405	PLAUR	1029	3,9	1			
40S ribosomal protein S24	P62847	RPS24	1030	8,3	1			
40S ribosomal protein S29	P62273	RPS29	1031	10,7	1	0,73	0,82	0,94
Signal peptidase complex subunit 3	P61009	SPCS3	1032	6,7	1			
ATP synthase subunit e, mitochondrial	P56385	ATP5I	1033	14,5	1	1,23	1,06	1,14
Cysteine-rich protein 1	P50238	CRIP1	1034	9,1	1	0,81	0,77	0,74
Grancalcin	P28676	GCA	1035	3,2	1	1,52	1,24	1,53
Proteasome subunit alpha type-3	P25788	PSMA3	1036	2,4	1	0,91	1,17	1,02
Low molecular weight phosphotyrosine protein phosphatase	P24666	ACPI	1037	5,7	1	1,47	1,52	1,41
Thymidylate kinase	P23919	DTYMK	1038	4,7	1			
Factor VIII intron 22 protein	P23610	F8A1	1039	3,8	1	0,81	0,90	1,03
Parathyrosin	P20962	PTMS	1040	10,8	1	0,80	0,78	0,54

60S ribosomal protein L17	P18621	RPL17	1041	7,6	1	1,28		0,88		1,40	
Farnesyl pyrophosphate synthase	P14324	FDPS	1042	2,1	1	1,59		1,21		1,46	
CD99 antigen	P14209	CD99	1043	7,6	1						
Purine nucleoside phosphorylase	P00491	PNP	1044	3,8	1						
N-alpha-acetyltransferase 38, NatC auxiliary subunit	O95777	NAA38	1045	10,4	1	1,03		0,85		0,74	
SAM and SH3 domain-containing protein 3	O75995	SASH3	1046	4,2	1						
ER membrane protein complex subunit 8	O43402	EMC8	1047	5,7	1						
26S protease regulatory subunit 4	P62191	PSMC1	1048	11,1	1	1,08		0,98		1,23	
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit L	Q9Y262	EIF3L	1050	3,5	1	0,68		0,78		0,92	
Serine/threonine-protein kinase 4	Q13043	STK4	1051	5,5	1						
Serrate RNA effector molecule homolog	Q9BXP5	SRRT	1052	8,3	1	1,14	0,690	1,21	0,562	1,14	0,443
Protein transport protein Sec16A	O15027	SEC16A	1054	1,7	1						
Tyrosine-protein kinase Fyn	P06241	FYN	1057	6,5	1	0,99	0,980	1,09	0,547	0,83	0,584
Lipoamide acyltransferase component of branched-chain alpha-ketoc	P11182	DBT	1058	6	1	0,84		0,81		0,79	
Platelet-activating factor acetylhydrolase IB subunit gamma	Q15102	PAFAH1B3	1059	3,9	1	1,00		1,05		1,50	
Sorcin	P30626	SRI	1061	5,6	1						
Dynein light chain roadblock-type 1	Q9NP97	DYNLRB1	1062	13,5	1						
Cytoplasmic protein NCK1	P16333	NCK1	1063	10,9	1						
Translin	Q15631	TSN	1066	18	1						
Optineurin	Q96CV9	OPTN	1068	8,3	1	0,56		0,91		1,32	
REVERSED Pleckstrin homology domain-containing family M member 3	Q9Y262	PLEKHM3	1069	6,3	1						
Golgi integral membrane protein 4	O00461	GOLIM4	1070	10,1	1						
Protein FAM3C	Q92520	FAM3C	1071	9,3	1						
60S ribosomal protein L19	P84098	RPL19	1072	10,2	1	1,03		1,04		1,39	
Isovaleryl-CoA dehydrogenase, mitochondrial	P26440	IVD	1073	8,3	1	1,16	0,798	1,11	0,701	1,02	0,941
Protein kinase C and casein kinase substrate in neurons protein 2	Q9UNF0	PACSIN2	1074	9,1	1	0,93		0,86		0,85	
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase FKBP5	Q13451	FKBP5	1076	9	1						
Cartilage-associated protein	O75718	CRTAP	1077	9,2	1						
NADH dehydrogenase [ubiquinone] iron-sulfur protein 8, mitochondrion	O00217	NDUFS8	1078	17,1	1	0,76		0,91		0,85	
39S ribosomal protein L54, mitochondrial	Q6P161	MRPL54	1079	7,2	1	0,87		0,91		0,70	
DBIRD complex subunit KIAA1967	Q8N163	KIAA1967	1080	7,3	1	6,48		2,51		4,42	
Protein transport protein Sec61 subunit alpha isoform 1	P61619	SEC61A1	1081	4	1						
REVERSED Matrix metalloproteinase-9	Q9Y262	MMP9	1082	2,3	1						
Coatomer subunit gamma-1	Q9Y678	COPG1	1084	8,4	1						
Costars family protein ABRACL	Q9P1F3	ABRACL	1085	18,5	1	0,99		0,96		0,90	
Synapse-associated protein 1	Q96A49	SYAP1	1086	3,7	1	1,53		1,76		1,49	
Histone H3.2	Q71DI3	HIST2H3A	1087	10,3	1	0,94		4,49		1,80	
Transcription elongation factor B polypeptide 1	Q15369	TCEB1	1088	12,5	1						
DAZ-associated protein 1	Q96EP5	DAZAP1	1089	1,5	1	0,44		0,58		0,74	
DNA-directed RNA polymerase I subunit RPA43	Q3B726	TWISTNB	1090	3,3	1						
Serine/arginine-rich splicing factor 11	Q05519	SRSF11	1091	5	1						
Hepatoma-derived growth factor-related protein 2	Q7Z4V5	HDGFRP2	1092	6,6	1	0,64		0,57		0,81	
Putative protein FAM157C	P0CG43	FAM157C	1095	4,7	1						
Cell division cycle 5-like protein	Q99459	CDC5L	1096	9,4	1	1,10		0,64		1,15	

HSV-1 proteins											
Protein name	SwissProt Acc. No.	Genetrail ID	N	% Seq Cov	Pept(95%)	wt HSV-1		dLeu		d3-4	
						Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value
Ribonucleoside-diphosphate reductase large subunit	P08543	UL39	29	29,4	21	5,51	0,000	3,20	0,000	5,96	0,000
Envelope glycoprotein B	P06437	gB	59	35,3	13	7,81	0,002	1,55	0,182	2,53	0,024
Major capsid protein	P06491	UL19	65	22	12	10,30	0,015	1,67	0,612	6,43	0,033
Alpha trans-inducing factor 78 kDa protein	P10230	UL46	86	19,1	12	14,82	0,068	2,08	0,435	9,02	0,110
Capsid assembly protein UL37	P10221	UL37	58	23,5	11	8,27	0,000	1,30	0,193	3,29	0,002
Envelope glycoprotein E	P04488	gE	152	24	9	5,53	0,056	1,47	0,421	2,27	0,246
Tegument protein VP16	P04486	UL48	126	24,5	8	6,06	0,036	1,49	0,440	2,57	0,108
Trans-acting transcriptional protein ICP4	P08392	ICP4	262	22,7	7						
Alkaline nuclease	P04294	UL12	176	19,8	6	3,48	0,299	1,95	0,592	3,52	0,257
Transcriptional regulator ICP27	P10238	UL54	307	29,5	6	12,52		10,00		9,11	
Envelope glycoprotein D	Q05059	gD	224	20,1	5	10,97	0,061	2,24	0,156	4,52	0,128
Deoxyuridine 5'-triphosphate nucleotidohydrolase	P10234	UL50	260	31	4	3,95	0,007	3,53	0,013	2,39	0,014
Envelope glycoprotein H	P08356	gH	345	13,8	4	47,57		5,73		9,73	
Tegument protein VP22	P10233	UL49	355	42,9	3						
Protein US2	P06485	US2	362	17,9	3	6,88	0,228	2,01	0,705	2,20	0,644
Virion egress protein UL34	P10218	UL34	646	13,8	3	11,48	0,028	3,99	0,054	8,31	0,065
Tegument protein UL47	P10231	UL47	651	17,9	2						
DNA polymerase processivity factor	P10226	UL42	705	8,4	1	13,86	0,082	3,49	0,187	4,64	0,261
Envelope glycoprotein L	Q96912	gL	672	16,5	1						
Envelope glycoprotein M	P04288	gM	925	10,4	1						
Major DNA-binding protein	P17469	DBP	797	11,5	1						
Protein UL56	P10240	UL56	671	23,9	1	36,86		13,18		7,01	
Ribonucleoside-diphosphate reductase small chain	P10224	UL40	786	16,2	1	1,87	0,110	1,68	0,148	1,71	0,162
RNA-binding protein	P56958	US11	907	36	1						
Tegument protein UL51	P10235	UL51	759	10,3	1	9,46		0,95		3,16	
Thymidine kinase	Q9QNF7	TK	748	14,1	1	4,12		4,15		3,71	
Transcriptional regulator ICP22	P04485	US1	908	12,4	1	3,52		1,92		2,05	
Triplex capsid protein VP23	P10202	UL18	994	12,9	1	7,63	0,031	3,76	0,078	5,61	0,066