

Tiedekunta/Osasto — Fakultet/Sektion		Laitos — Institution	
Fil.tk./Mat.-Luonnont. osasto		Perinnöllisyystieteen laitos	
Tekijä — Författare			
Iiris Hovatta			
Työn nimi — Arbets titel			
Suomalaisen migreenin perinnöllinen alttius: poissuljenta familiaalisen hemiplegisen migreenin lokuksesta kromosomissa 19.			
Oppiaine — Läroämne			
Perinnöllisyystiede			
Työn tyyppi — Arbetsform		Aika — Datum	Sivumäärä — Sidoantal
Pro gradu -tutkielma		24.10.1994	47
Tiivistelmä — Referat			
<p>Päänsärky on neurologisista oireista yleisin. Tavallisimpia päänsärkytyyppejä ovat migreeni ja tensiotyyppinen päänsärky. Jo kauan on tiedetty, että migreeni on perinnöllistä, mutta sen korkea prevalenssi väestössä (12.8% naiset, 3.6% miehet) on vaikeuttanut periytymismallin määrittämistä. Perinnöllisyyteen viittaa taudin esiintyminen suvuissa sekä se, että monosygoottisten kaksosten konkordanssi migreenille on suurempi kuin ditsygoottisten kaksosten.</p> <p>Familiaalinen hemipleginen migreeni (FHM) on autosomaalisesti dominantisti periytyvä sairaus, joka luokitellaan aurallisen migreenin alaluokaksi. On myös ehdotettu, että FHM:n ja aurallisen migreenin patofysiologia ja etiologia olisivat samat. FHM:ä aiheuttava geenilokus paikannettiin äskettäin kromosomiin 19. Keräsimme 13 suomalaista perhettä, joissa esiintyy migreeniä tavallista enemmän. Halusimme testata kytkeytyvätkö suomalaiset migreeniperheet FHM-lokukseen kromosomissa 19. Tähän tutkimukseen valitsimme neljä informatiivisinta perhettä.</p> <p>Analysoimme perheet neljällä polymorfisella mikrosatelliittigeenimerkillä, joita oli käytetty myös FHM:n kytkennän raportoineissa artikkelissa. Monistimme perheenjäsenten DNA:ta polymeraasiketjureaktiolla radioaktiivisen leiman kanssa. Ajoimme tuotteet denaturoivassa polyakryyliamidigeelissä, ja luimme genotyypit autoradiografian jälkeen. Loimme tuloksista tietokannan, jonka jälkeen laskimme kytkentäanalyysejä tietokonepohjaisia ohjelmia hyödyntäen. Laskimme yksittäiset geenimerkin suhde tautilokukseen -tulokset sekä multipoint-analyysejä koko tutkittavalta kromosomaaliselta alueelta. Pystyimme poissulkemaan 50 cM:n alueen FHM-lokukseen ympäriltä. Kytkentäanalyysejä tulosten perusteella on siis erittäin epätodennäköistä, että suomalaiselle familiaaliselle migreenille altistava geenilokus sijaitsee tällä kromosomaalisella alueella. Suomalaiset perheet on kuitenkin kerätty geneettisesti hyvin homogeenisesta populaatiosta. Oletettavasti lokusheterogeenisyyttä esiintyy eri etnisten ryhmien välillä, ja joissakin populaatioissa kromosomi 19:n alue saattaa altistaa tavallisellekin migreenille.</p>			
Avainsanat — Nyckelord			
Migreeni, familiaalinen hemipleginen migreeni, kytkentäanalyysejä			
Säilytyspaikka — Förvaringsställe			
Perinnöllisyystieteen laitoksen kirjasto			
Muita tietoja — Övriga uppgifter			